UNIVERSIDAD MIGUEL HERNÁNDEZ

GRADO EN ESTADÍSTICA EMPRESARIAL



TRABAJO FIN DE GRADO

SISTEMAS DE APOYO A LA DECISIÓN PARA EL DISEÑO DE UN SERVICIO DE URGENCIAS HOSPITALARIAS

CURSO ACADEMICO: 2021-2022

Departamento de Estadística, Matemáticas e Informática

Facultad de Ciencias Sociales y Jurídicas de Elche

AUTOR: Raúl Artigues Femenia

TUTORES: Joaquín Sánchez Soriano, Juan Carlos Gonçalves Dosantos

Resumen.

La crisis de la COVID-19 tuvo un impacto negativo directo en el ámbito de gestión sanitaria, aumentando significativamente los tiempos de espera y la saturación en los servicios de urgencias hospitalarias tanto públicas como privadas.

Fundamentando en este problema, se ha procedido a realizar un algoritmo matemático en Rsoftware capaz de analizar por simulación un servicio de urgencias en un hospital. Para ello se desarrolla una herramienta para la toma de decisiones que permite analizar los tiempos de servicio de los pacientes que acuden a urgencias dependiendo de los parámetros que definan dicho servicio. Con esta herramienta se puede optimizar el diseño y dimensionamiento de las unidades que componen el servicio de urgencias en un hospital.

La interpretación de los resultados obtenidos del simulador se basa en los modelos de colas, concretamente, en la *teoría de colas*, es por eso, que es de vital importancia tener claros los conceptos que se desarrollan en el presente proyecto. Tanto las medidas de eficacia de la teoría de colas como las trazabilidades de los distintos pacientes del sistema se observan en una interfaz básica que ofrece la posibilidad de realizar consultas y sus respectivas conclusiones.

Palabras clave: Teoría de colas, simulación, Rsoftware, hospital, urgencias.

Abstract.

The COVID-19 crisis had a direct negative impact on the field of health management, significantly increasing waiting times in the emergency services of public and private hospitals as their saturation.

Based on this problem, this project deals with the realization of a RSoftware mathematical algorithm capable of analyzing an emergency department in a hospital by simulation. For this purpose, a decision-making tool is developed to analyze the service times of patients attending the emergency department depending on the service-defining parameters. This tool can be used to optimize the design and sizing of the units that make up a hospital's emergency department.

The interpretation of the results obtained from the simulator is based on queuing models, specifically, on *queuing theory*. Both the efficiency measures of the queuing theory and the traceability of the different patients in the system are displayed in a basic interface that offers the possibility of making queries and their respective conclusions.

Keywords: Queuing theory, simulation, Rsoftware, hospital, emergencies.

Índice General.

Resun	nen		3
Abstr	act		5
Índice	e de figura	s	10
Índice	e de tablas.		13
1.	Introduc	ción	15
	1.1 Estruc	etura del proyecto	16
	1.2 Descr	ipción de un sistema de colas	17
	1.2.1	Características de los sistemas de colas	17
	1.2.2	Terminología	20
	1.2.3	Distribuciones probabilísticas	22
	1.2.4	Ley de Little	28
	1.2.5	Modelos de colas simples	29
2.	Descripci	ón del problema	34
	2.1 Plante	amiento del problema	34
	2.2 Motiv	ación	37
	2.3 Objeti	vos y materiales y métodos	39
3.	Simulacio	ốn	41
	3.1 Introd	ucción a la simulación	41
	3.2 Gener	ación de números aleatorios	42
	3.3 Métod	los de Montecarlo	42
4.	Diseño e	implementación	44
	4.1 Bloqu	e 1. Inputs	44
	4.2 Bloqu	e 2. Algoritmo matemático	46
	4.3 Bloqu	e 3. Cálculos	53
	4.3.1	Medidas de eficacia	53
	4321	Interfaz de usuario básica	55

5.	Análisis de simulación	59
	5.1 Escenarios simulados	59
	5.2 Resultados	61
6.	Discusión y conclusiones.	91
7.	Bibliografía	93
8.	Anexo	94

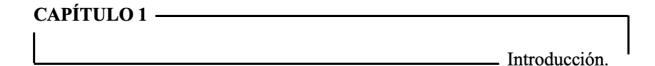
Índice de Figuras.

1.1. Sistema de una cola	18
1.2. Sistema de cola multicanal	19
1.3. Sistema multietapa	20
1.4. Gráfico distribución exponencial	23
1.5. Gráfico de función de densidad de la distribución uniforme	25
1.6.Gráfico distribución uniforme	25
1.7. Gráfico función de densidad de la distribución beta	26
1.8. Gráfico función de probabilidad de la distribución Log-Normal	27
1.9. Gráfico función de densidad de la distribución Triangular	28
1.10. Sistema M/M/1	30
1.11. Modelo M/M/C/C	31
2.1. Grafo de un sistema de urgencias hospitalarias	35
3.1 Experimento de las agujas de Buffon para estimar π	43
4.1 Mecanismo Multi-Canal con una única cola para n servidores	50
4.2 Inicio de la interfaz básica	57
4.3 Realización de consultas	58
5.1 Saturación en planta Escenario 1.1	63
5.2. Duración de los 10 primeros pacientes en UCI Escenario 1.1	64
5.3. Rutas de los pacientes originados en Consulta para el Escenario1.1	65
5.4. Grafo del sistema de urgencias hospitalarias Escenario 1.1	66
5.5. Tiempos de servicio en UCI escenario 1.2	68
5.6. Saturación en planta Escenario 2.1	70
5.7. Duración de los 10 primeros pacientes en UCI Escenario 2.1	71
5.8. Rutas de los pacientes originados en Consulta para el Escenario 2.1	72
5.9. Grafo del sistema de urgencias hospitalarias para el Escenario 2.1	73
5.10. Tiempos de servicio en UCI escenario 2.2	75
5.11. Saturación en planta Escenario 3.1	78
5.12. Duración de los 10 primeros pacientes en UCI Escenario 3.1	79
5 13 Rutas de los pacientes originados en Consulta para el Escenario 3 1	80

5.14. Grafo del sistema de urgencias hospitalarias para el Escenario 3.1	31
5.15. Tiempos de servicio en UCI escenario 3.2	33
5.16. Saturación en planta de 3 días habiendo simulado 1 mes	88

Índice de Tablas.

5.1. Medidas eficacia Escenario 1.1	62
5.2. Medidas eficacia Escenario 1.2	67
5.3. Medidas eficacia Escenario 1.3	69
5.4. Medidas eficacia Escenario 2.1	69
5.5. Medidas eficacia Escenario 2.2.	74
5.6. Medidas eficacia Escenario 2.3	76
5.7. Medidas eficacia Escenario 3.1	76
5.8. Medidas eficacia Escenario 3.2.	82
5.9. Medidas eficacia Escenario 3.3	84
5.10. Comparación Subescenarios 1	84
5.11. Comparación Subescenarios 2	86
5.12. Comparación Subescenarios 3	87
5.13. Medidas eficacia de los 3 Escenarios período de 31 días	88



Además de los sistemas informáticos y tecnológicos, las colas son una gran parte de la vida de todos los individuos, para comprar el pan, para realizar un trámite administrativo, para ser atendido en un sistema de *urgencias hospitalarias*, etc. En todas estas se tiene que esperar un determinado tiempo, siendo un paso normalizado en la sociedad, pero que en la gran mayoría veces resulta incómodo. Según informan varios medios digitales españoles¹, los días de espera en servicios hospitalarios aumenta de forma considerable al paso de los años, incluso meses.

A veces las demoras son buenas. Hacen visualizar la importancia del servicio o producto al que se pretende aspirar/adquirir. Pero en general, los clientes no les gusta esperar, lo cual es lógico. Pues bien, mientras se aguarda a ser atendido pueden surgir varias preguntas como: ¿Por qué hay que esperar? ¿Cuánto tiempo tengo que estar en lista de espera?

Estas preguntas tienen una respuesta bastante sencilla, en algún momento del horizonte temporal, la demanda es mayor a la oferta, es decir, hay más personas que llegan al sistema y quieren ser atendidos que personal disponible. Por tanto, se demuestra una vez más, la gran importancia que tiene la planificación, organización y optimización del diseño y dimensionamiento de las unidades que componen el servicio de cualquier sistema.

Por esta razón, los modelos de colas son importantes analizarlos y evaluarlos, para así determinar la manera más eficiente de operar. Con esto se pretende identificar el nivel óptimo de capacidad del sistema para minimizar el coste global del mismo, evaluar el posible impacto de las diferentes alternativas de modificación que tendría en el coste total del sistema, entre otras muchas.

¹ Puedes consultar más información sobre la saturación hoy en día en el siguiente enlace

Este documento da una solución a través de la programación de un *simulador* para analizar un servicio de *urgencias en un hospital*, mediante redes colas aplicando *teoría de colas*. Dicho sistema estará compuesto por *n* servidores en cada uno de los nodos que componen el servicio. El algoritmo facilitará la identificación de cuellos de botella, es decir, la saturación en cada uno de los nodos, la trazabilidad de los pacientes y aquellas localizaciones del servicio hospitalario con poca o nula *saturación*.

1.1 Estructura del proyecto

La estructura de este proyecto es la siguiente:

Capítulo 1: Introducción, se da una introducción a la simulación de redes de colas y a la explicación de la nomenclatura y diferentes modelos de la teoría de Colas.

Capítulo 2: Descripción del problema, se describo el problema en cuestión, cuáles son los objetivos y él porque de esta simulación para un sistema de urgencias hospitalarias.

Capítulo 3: Simulación, se centra en la explicación de la simulación, de la generación de números aleatorios y se expone un ejemplo de los métodos de Monte Carlo.

Capítulo 4: Diseño e implementación, se presenta como fue construido el simulador programado y las bases que se siguieron para llevarlo a cabo.

Capítulo 5: Análisis de simulación, se muestran los resultados de los diferentes escenarios simulados mediante el algoritmo matemático programado.

Capítulo 6: Discusión y conclusiones, se presentan las conclusiones de este proyecto y algunas sugerencias a mejorar en un futuro.

Capítulo 7: Bibliografía, se exponen los diversos documentos consultados para poder llevar a cabo este documento.

Capítulo 8: Anexo, se encuentra el código realizado en Rstudio que está dotado del simulador y la interfaz básica.

1.2 Descripción de un sistema de colas

La teoría de colas es una disciplina, dentro de las matemáticas, más específicamente en los procesos estocásticos, que permite estudiar de forma científica la demora que deben esperar los "clientes" cuando están demandando un servicio. De esta manera, en la mayoría de los casos, los usuarios realizarán la cola si el servicio no es inmediato. Las fórmulas para cada modelo indican como se desempeña cada sistema de colas, incluyendo la media de la cantidad de espera que sucederá y otras variedades de mediciones.

Debido a esto, los modelos de colas son de gran ayuda para determinar cómo manejar los sistemas de una forma más eficaz.

1.2.1 Características de los sistemas de colas

En la vida real es muy común la formación de líneas de espera o, también denominadas, colas. Suele ocurrir cuando la demanda de un servicio es superior a la oferta o a la capacidad que existe para dar dicho servicio.

Estas suceden en muchos ámbitos, desde el mundo tecnológico como las telecomunicaciones hasta la atención de clientes en un establecimiento comercial en la ciudad.

Situaciones como las mencionadas anteriormente, entre otras muchas, tienen ciertas características similares que dan lugar al modelo de sistema de colas.

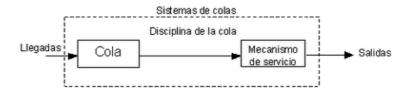


Figura 1.1 Sistema de una cola. Fuente: Wikiwand

Como se puede observar en la Figura 1.1, existen distintos parámetros o elementos que componen un sistema de colas.

En primer lugar, se encuentra las *llegadas o fuente de entrada*. Se trata de un conjunto de individuos que pueden llegar a solicitar un servicio en cuestión. Se puede considerar infinita o finita, pero en el ámbito de la vida real, se trata de llegadas finitas con tamaños muy grandes.

A continuación, se define el *Cliente*. Es aquel individuo de la población potencial que solicita el servicio. Se considera que los tiempos de las llegadas de los usuarios consecutivos son $0 < t_1 < t_2 < \cdots$, será importante conocer el patrón de probabilidad según el cual la fuente de entrada genera consumidores. Lo más común es tomar como referencia los tiempos entre llegadas de dos usuarios consecutivos: $\tau_k = t_k - t_{k-1}$, fijando una distribución de probabilidad. Cuando una fuente de ingreso es finita, la distribución de los τ_k cambia según el número de clientes en el proceso de ser servidos.

Seguidamente se encuentra la *Capacidad de la cola*. Esta indica el número máximo de clientes que pueden estar en cola, antes de estar siendo servidos. Nuevamente, existen dos posibilidades, considerarla infinita o finita. Para hacer los cálculos muchos más simples, se considera ilimitada, es decir, que puede haber innumerables usuarios en cola esperando a ser servidos.

En cuanto a la *Disciplina en cola*, se puede decir que es el modo en el que los usuarios son seleccionados para ser servidos. Las disciplinas más comunes son:

 FIFO: First-In First-Out (Primero en entrar, primero en salir). En esta disciplina se atiende por orden de llegada. En este tipo de cola, los clientes que llegan deben ponerse al final de esta y esperar a su turno. Además, todos los usuarios tienen el mismo tratamiento, es decir, no existen prioridades.

- LIFO: Last-In First-Out (Último en entrar, primero en salir). Se trata de una disciplina en la que el último cliente en entrar será el primero en salir. Este tipo de cola se asemeja a una pila de objetos.
- RSS (colas Random). Se da cuando se seleccionan los clientes de forma totalmente aleatoria.
- Priority. Este tipo de disciplina se da cuando existe dentro de la cola alguna prioridad a la hora de servir a los usuarios.

El *mecanismo de servicio*. Es el procedimiento por el cual se otorga auxilio a los usuarios que lo necesitan/solicitan. Se puede distinguir entre mecanismos de servicio multicanal o monocanal.

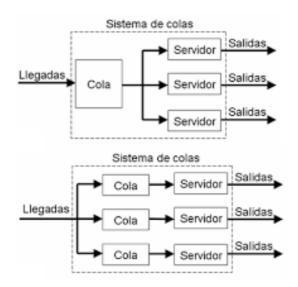


Figura 1.2. Sistema de cola multicanal. Fuente: Redalyc

Para poder determinar el mecanismo de servicio se debe conocer el número de servidores de este mecanismo y la distribución de probabilidad del tiempo de servicio de cada servidor.

En la Figura 1.1 se expone como es un sistema monocanal o sistema de colas simple. Mientras que en la Figura 1.2 se puede observar dos tipos de servicios multicanal. El primero de ellos es una única cola para los n servidores que dispone el sistema. El segundo modelo trata de tener tantas colas como servidores haya. Este último es el más fácil de implementar, pero no es el óptimo.

Cabe destacar que, dentro del mecanismo de servicio, existen las *etapas de servicio*. Estos ciclos pueden ser unietapa o multietapa. El sistema unietapa es aquel en el que los clientes entrar y salen del sistema únicamente pasando por un único servidor. Por lo contrario, el ciclo multietapa, indica que, para poder salir del sistema de colas, es obligatorio pasar por más de un servidor, un claro ejemplo sería el servicio de *urgencias hospitalarias*, ya que como mínimo hay que pasar por dos servidores, el triaje y la consulta. Está claro que este ejemplo se puede expandir mucho más y, posteriormente, se explicará.

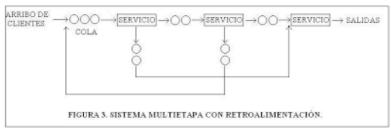


Figura 1.3. Sistema multietapa. Fuente: rephip

En la Figura 1.3 se puede observar cómo es un sistema de colas multietapa.

Otro elemento del sistema de colas, como su nombre indica es la *cola*. Esta nomenclatura hace referencia a los clientes que esperan para ser atendidos.

Por último, se encuentra *el sistema de la cola*. Este es el conjunto formado por la cola, el mecanismo de servicio y la disciplina de la cola, la cual nos proporciona el criterio de elección del cliente para entrar al mecanismo de servicio.

1.2.2 Terminología

A continuación, se presenta el conjunto de variables que se utilizarán como notación en este informe, todas estas relativas al estudio y a la *teoría de colas*:

N(t)= Número de clientes en el sistema en el momento t. Esta variable es un proceso estocástico con espacios de estados discretos y en tiempo continuo.

 $N_q(t)$ = Longitud de la cola, denota el número de usuarios en la cola en el instante t. s= Indica el número de servidores en el sistema.

 $P_n(t)$ = Denota la probabilidad de que, en el momento t, se hallen n clientes en el sistema.

 μ_n = Es el número medio de clientes a los que se le da servicio completo, por unidad de tiempo, cuando ya existen n usuarios en el sistema. También se conoce como tasa de servicio promedio. Cabe destacar que, si en todos los servidores del sistema la distribución del tiempo de servicio es la misma, se suele denotar como μ . Como efecto, se observa que $\mu_n = n * \mu$ si n = 1,2,3,...,s y $\mu_n = s * \mu$ para $n \ge s$.

 λ_n = Denota la tasa de llegadas promedio o, lo que es lo mismo, el número esperado de llegadas por unidad de tiempo. Cuando estas son constantes, es decir, que no dependen de n, se representa como λ .

 ρ = Representa el factor de utilización del sistema o, lo que es lo mismo, la fracción de recursos del sistema que es consumida por los clientes.

Se define, como

$$\rho = \frac{\lambda}{s\mu}$$

Cuando los λ_n son una constante para todo n, se denota como λ . $s*\mu$ es el número medio de usuarios a los que se le puede dar servicio, ya que es la multiplicación entre el número de servidores del sistema por la tasa de servicio medio.

Se menciona que en un largo periodo de tiempo el sistema de cola llega a un estado estable. Esto se puede alcanzar cuando dicho aspecto es independiente del estado inicial y del tiempo transcurrido. Se implanta que cualquier situación puede llegar a su condición de estado estable si $\rho = \frac{\lambda}{s\mu} < 1$. La *teoría de colas* se enfoca ampliamente en esta restricción de etapa estable. Si esta no se cumple, será más difícil estudiar el sistema de forma analítica.

Cuando el sistema es estable, tiene sentido definir los siguientes conceptos:

N = Variable aleatoria que cuenta el número de usuarios en el sistema.

 N_q = Variable casual que contabiliza el número de clientes en cola

L= Denota el número promedio de clientes en el sistema. Se calcula hacienda la esperanza de N, L = E(N).

 L_q = Representa el número promedio de usuarios en la cola, L_q = $\mathrm{E}(N_q)$.

W= Variable aleatoria que indica el tiempo que pasa un cliente en el sistema.

 W_q = Denota el tiempo que espera un cliente en cola.

W= Tiempo promedio que el usuario está dentro del sistema. W = E(W).

 W_q = Representa el tiempo medio de espera en cola de los usuarios. $W_q = E(W_q)$.

Para poder realizar una clasificación de todos los posibles escenarios de los sistemas de colas, se deben especificar las características que determinan los elementos que lo componen. La nomenclatura más habitual hoy en día para los sistemas de colas es A/B/s/K/H/Z, donde:

- A es la distribución del tiempo entre llegadas. Las abreviaturas más utilizadas son: M(Exponencial), D(Determinista), E_k (Erlang), U(Uniforme) o G(Genérica).
- B es la distribución del tiempo de servicio. Las abreviaturas son las mismas que en el caso del A.
- S es el número de servidores en el sistema, como ya se ha mencionado anteriormente.
- Se denota K como la capacidad de la cola, pudiendo ser finita o infinita.
- H es el tamaño de la población.
- Z es la disciplina de la cola. Algunas de las abreviaturas son FIFO, LIFO, entre otras muchas.

1.2.3 Distribuciones que se utilizan para la Teoría de Colas

A continuación, se van a explicar las diferentes distribuciones que se han utilizado para realizar la simulación de un sistema de *urgencias hospitalarias*. En este caso se han utilizado 6 tipos de distribuciones, las cuales son:

1.2.3.1 Distribución exponencial

Cuando se habla de distribución exponencial normalmente se refiera a la cantidad de tiempo que sucede hasta que se produce algún evento en específico².

_

² Definición y explicación de la <u>Distribución exponencial</u>

Una de las características de esta distribución probabilística es que la variable aleatoria correspondiente, aporta más valores pequeños que grandes.

En la gran mayoría de casos, esta distribución se aplica a cálculos que están relacionados con el tiempo, como por ejemplo, el tiempo entre llegadas en un sistema de colas. A continuación, se explicará, en formato matemático, la relación entre la distribución exponencial y la *teoría de colas*.

M= Variable aleatoria del tiempo entre llegadas o del tiempo de servicio.

$$f_M(t) = \begin{cases} \alpha e^{-\alpha t} & t \ge 0 \\ 0 & t < 0 \end{cases}$$
 estrictamente decreciente en t

$$E(M) = \frac{1}{\alpha}$$

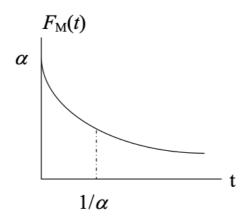


Figura 1.4. Distribución Exponencial. Fuente: Universidad de Valencia

Una de las principales propiedades de esta distribución es que no tiene memoria. Esto significa que la distribución de la probabilidad del tiempo que falta para que suceda el evento es siempre la misma independientemente del tiempo que haya pasado.

$$P\{M > t + \Delta t \mid M > \Delta t\} = e^{-\alpha t}$$

1.2.3.2 Procesos de Poisson

La distribución de Poisson es una distribución probabilística discreta que se aplica a sucesos durante un intervalo de tiempo determinado³. La variable aleatoria asociada representa una cifra de ocurrencias de un acontecimiento en un horizonte temporal.

Si los tiempos entre llegadas y tiempos entre servicios se distribuyen según una exponencial, el número de llegadas o servicios hasta un determinado horizonte es un proceso de Poisson.

Denotamos S(t) como el número de ocurrencias tanto de llegadas como de servicios en el momento t, siendo $t \geq 0$. Esta se distribuye según una Poisson con parámetro $\alpha(t)$, siendo α el número promedio de ocurrencias por unidad de tiempo

$$P\{S(t) = n\} = \frac{(\alpha t)^n e^{-\alpha t}}{n!}$$
 $n = 0,1,2,...$ $E[S(t)] = \alpha t$

Por la falta de memoria de la distribución exponencial, la probabilidad de que ocurra un suceso en un intervalo pequeño de tiempo de longitud Δt sabiendo que no se ha producido hasta el período t es directamente proporcional a $\alpha \Delta t$.

1.2.3.3 <u>Distribución Uniforme</u>

La distribución uniforme⁴ se puede considerar como proveniente de un proceso de extracción aleatoria. El planteamiento radica en el hecho de que la probabilidad se distribuye uniformemente a lo largo de un intervalo. Por tanto, dada una variable aleatoria continua, x, definida en el intervalo [a, b] de la recta real, se dice que x tiene una distribución uniforme en dicho intervalo cuando su función de densidad para

$$X \rightarrow U[a, b]$$
 es:

- -

³ Definición y explicación de la <u>Distribución Poisson</u>

⁴ Definición y explicación de la <u>Distribución Uniforme</u>

$$f(x) = \frac{1}{b-a} \operatorname{para} x [a, b].$$

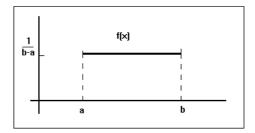


Figura 1.5. Función de densidad de la Distribución Uniforme. Fuente: Universidad de Valencia

De tal forma que su función de distribución será la siguiente:

$$F(X) = P(x \le X) = \begin{cases} 0 & \text{si } X < a \\ \int_a^X \frac{1}{b-a} dx = \frac{x-a}{b-a} & \text{si } a \le X \le b \\ 1 & \text{si } X \ge b \end{cases}$$

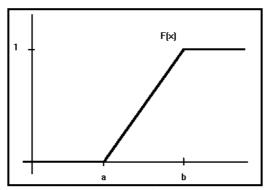


Figura 1.6. Función de distribución de la Uniforme: Fuente: Universidad de Valencia

1.2.3.4 Distribución Beta

La Distribución probabilística beta⁵ se define en un intervalo [0,1] que se parametriza con dos variantes positivas, denotadas como α y β . Estas aparecen como exponentes de una variable aleatoria para controlar la forma de la distribución.

_

⁵ Definición y explicación de la <u>Distribución Beta</u>

Dadas dos variables aleatorias $Y = {}^d \gamma(1, p)$ y $Z = {}^d \gamma(1, q)$, independientes, se dice,

$$X = \frac{Y}{Y + Z}$$

Tiene distribución $\beta(p,q)$, beta de parámetros p y q. Se puede demostrar que en la definición podrían haberse tomado variables con distribuciones $Y = ^d \gamma(a,p)$ y $Z = ^d \gamma(a,p)$, ya que la distribución de la X resultante no depende del a elegido. La función de densidad de una $\beta(p,q)$ viene dada por

$$f(x) = \begin{cases} \frac{x^{p-1}(1-x)^{q-1}}{\beta(p,q)} & \text{si } x \in [0,1] \\ 0 & \text{en caso contrario} \end{cases}$$

Siendo
$$\beta(p,q) = \int_0^1 x^{p-1} (1-x)^{q-1} dx$$

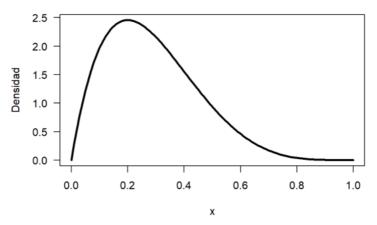


Figura 1.7. Función de densidad de una Distribución Beta. Fuente: github

1.2.3.5 Distribución Log-Normal

Se dice que una variable aleatoria se distribuye según una log-normal⁶ si el logaritmo de la variable aleatoria tiene una distribución normal. Debido a esto, hay muchas similitudes matemáticas entre las dos distribuciones.

⁶ Definición y explicación de la <u>Distribución Log-Normal</u>

La función de distribución viene dada por:

$$P(X) = \frac{1}{S\sqrt{2\pi}}e^{-\frac{(\ln(x) - M)^2}{2S^2}}$$

La distribución de densidad de probabilidad y función de probabilidad vienen dadas por

$$P(X) = \frac{a - b^2}{x^{a+1}}$$

$$P(X) = 1 - \left(\frac{b}{x}\right)^a \cos x \ge b$$

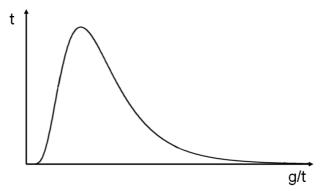


Figura 1.8. Función de densidad de probabilidad de la Log-Normal. Fuente; Estudiarfisica

1.2.3.6 Distribución Triangular

Una distribución triangular⁷ se denomina cuando viene dada por tres parámetros, que representan el valor mínimo y el valor máximo de la variable, y el valor del punto en el que triángulo toma su altura máxima. En este caso, el triángulo no tiene por qué ser equilátero.

_

⁷ Definición y explicación de la <u>Distribución Triangular</u>

La función de densidad de probabilidad para la distribución triangular es la siguiente:

$$f(x|a,b,c) = \begin{cases} \frac{2(x-a)}{(b-a)(c-a)} & para \ a \le x \le c, \\ \frac{2}{b-a} & para \ x = c, \\ \frac{2(b-x)}{(b-a)(b-c)} & para \ c < x \le b \end{cases}$$

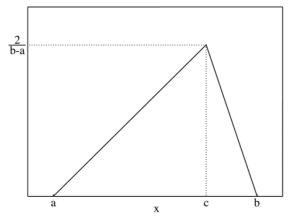


Figura 1.9. Función de densidad de probabilidad de la Triangular. Fuente; Wikipedia

1.2.4 Ley de Little

En esta sección se establecerá las llamadas fórmulas de Little⁸. Dichas ecuaciones se dan en los modelos con distribución del tiempo entre llegadas y distribución del servicio exponencial, pero también en las más generales llamadas ergódicas. Esta ley relaciona el número medio de clientes en el sistema de colas con el número promedio de llegadas por unidad de tiempo y la tasa media que un cliente está dentro del sistema.

Cuando las tasas de llegadas no son constantes (λ_n) se expresa como:

$$L_q = \lambda * W_q$$

⁸ Ley de Little

Mientras que si esta es constante ($\lambda_n = \lambda$) para todo n = 1,2,3,...

$$L = \lambda * W$$

Para poder entender la validez de estas fórmulas, es considerar que un usuario llega al sistema en este mismo momento. Pasado un tiempo (W), este será servido y saldrá del sistema. Como el número promedio de clientes que llegan al sistema por unidad de tiempo es igual a la tasa de llegadas (λ) y el número medio de usuarios que habrá llegado desde que dicho cliente entró al sistema hasta que salió, es $\lambda * W$.

Si las λ_n no son constantes, para poder validar las fórmulas expuestas anteriormente, se han de generalizar de la siguiente manera:

$$L = \bar{\lambda} * W$$

$$L_q = \bar{\lambda} * W_q$$

Siendo
$$\bar{\lambda} = \sum_{n=0}^{inf} \lambda_n * p_n$$

La última fórmula importante de la ley de Little es la relación entre W y W_q :

$$W = W_q + \frac{1}{\mu}$$

1.2.5 Modelos de colas simples

La finalidad de este apartado es exponer los diferentes modelos de colas simples. Concretamente se hará un recorrido por los modelos M/M/1, M/M/C/C y los modelos más generales G/G/1 y G/G/C.

1.2.5.1 El sistema M/M/1

Como su nombre indica es aquel en el que la distribución del tiempo entre llegadas de los pacientes en el sistema sigue una distribución exponencial, λ . Los tiempos de servicio siguen la misma distribución que la tasa anterior, eso sí, cambiando el parámetro a μ . La última peculiaridad de este modelo es que únicamente tiene un servidor⁹

Pues bien, teniendo en cuenta los parámetros definidos anteriormente y los libros de *teoría de colas* adjuntados en la bibliografía resulta que:

- Las tasas de llegada se definen como $\lambda_n=\lambda$, \forall n = 0,1,2, ...
- Mientras que los tiempos de servicio se definen como $\mu_n=\mu$, \forall n = 1,2,3, ...

Gracias a estas dos, se puede calcular la probabilidad de que haya n usuarios en el sistema y, por ende, el nivel de *saturación*.

$$P_n = (1 - \rho) * \rho^n$$
 donde $\rho = \frac{\lambda}{\mu}$ (Nivel de *saturación* del sistema)

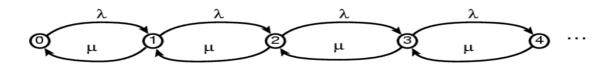


Figura 1.10. Sistema M/M/1. Fuente: Universidad de Murcia

Como se puede observar en la Figura 1.10, cada nodo representa un estado, cada arco o línea representa la transición de los clientes en el sistema y, en estos, está representado tanto la tasa de llegadas (λ) como las de servicios (μ).

1.2.5.2 Modelo M/M/C/C

_

⁹Consulta más información sobre el modelo M/M/1

Existe un caso especial con este modelo, ya que no genera cola debido a que el límite de capacidad y el número de servidores coinciden. Este sistema de colas sigue una distribución exponencial para ambas tasas. Se considera que el número de fuentes es infinito, por lo que el período de llegadas es constante. Cada uno de los múltiples servidores tendrá una duración de servicio¹⁰.

Como ya se ha mencionado anteriormente, la característica más llamativa de este sistema es que no general cola, por tanto, los usuarios que encuentren los servidores ocupados se perderán (salida del sistema) sin tener una probabilidad de poder ser almacenadas.

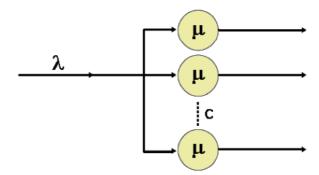


Figura 1.11. Representación gráfica del modelo M/M/C/C. Fuente: Universidad Militar de Granada

Al tener la peculiaridad de la cola, los valores de los parámetros L_q y W_q serán 0, mientras que el tiempo total del sistema coincide con el tiempo de servicio de los múltiples servidores, $W_s = \frac{1}{\mu}$.

1.2.5.3 Modelos generales de colas (G/G/C)

En este apartado se explicarán algunas situaciones en las que las distribuciones tanto de las tasas de llegada como los períodos de servicio no siguen una exponencial. En la vida real, rara vez estas siguen una exponencial o Poisson. Es por eso, la importancia de estos modelos generales.

¹⁰ Consulta más información sobre el modelo M/M/C/C

Existen tres modelos generales, M/G/1, G/G/1 y, el más general de todos G/G/C. El primer de ellos indica que los usuarios llegan según una distribución exponencial/Poisson, pero se asume que son servidos mediante un proceso más general de duración media $\left(\frac{1}{\mu}\right)$ y desviación estándar σ .

Los científicos Pollaczek y Khintchine¹¹ demostraron la fórmula denominada "P-K" que permite evaluar la longitud media de la cola del sistema.

$$L = \frac{\lambda}{\mu} + \frac{\left(\frac{\lambda}{\mu}\right)^2 + \lambda^2 * \sigma^2}{2 * \left(1 - \frac{\lambda}{\mu}\right)}$$

Además, a partir de la anterior ecuación se extrae que:

$$W_q = \frac{\left(\frac{\lambda}{\mu}\right)^2 + \lambda^2 * \sigma^2}{2 * \left(1 - \frac{\lambda}{\mu}\right)}$$

Cuando la tasa de llegadas de clientes no sigue una distribución exponencial, se denomina G/G/1. Para poder calcular el tiempo promedio de espera en cola en función de los coeficientes de variación, se utiliza la difusión de Kingman¹².

Esta aproximación se formula de la siguiente manera:

$$W_q(G|G|1) \approx \left(\frac{\lambda^2 * \sigma_e^2 + \mu^2 * \sigma_s^2}{2}\right) * W_q(M|M|1)$$

Por último, pero el más importante, se encuentra el modelo G/G/C. Este es el más utilizado en la vida real y, además, se ha utilizado en el proyecto presente.

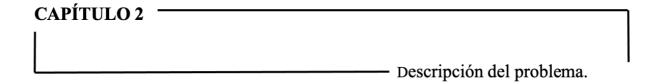
-

¹¹ Científicos Pollaczek y Khintchine

¹² Consulta más información sobre la difusión de Kingman

Si el primer modelo general no es una generalización exacta, menos aún será el G/G/C. Debido al minucioso error que proporciona dicho modelo, resulta interesante la ecuación siguiente ya que permite el cálculo del tiempo medio en cola para cualquier sistema:

$$W_q(G|G|C) \approx \left(\frac{\lambda^2 * \sigma_e^2 + \mu^2 * \sigma_s^2}{2}\right) * \frac{\rho^{\sqrt{2*c+2-1}}}{c(1-\rho)} * \frac{1}{\mu}$$



2.1 Planteamiento del problema

Hoy en día en muchos establecimientos tanto físicos como digitales se puede observar que se tiene que esperar un determinado tiempo para poder finalmente ser atendido. Este fenómeno se observa en establecimientos para realizar una compra, en la peluquería, centros de atención telefónicos, entre otros muchos.

Cabe destacar que algunas de las empresas con más volumen de ventas del mundo invierten mucho capital en el estudio del comportamiento de su sistema de atención, para así poder responder a las siguientes cuestiones que se plantean: ¿Cuánto tiempo el cliente está siendo atendido? ¿Cuál es el período en el que el usuario está en lista de espera? ¿Cuántos clientes están siendo atendidos y cuántos usuarios están esperando a ser servidos?

Este informe trata de responder a estas preguntas planteadas por todos los directivos de las compañías. Pero, como es lógico, cada sector económico tiene su infraestructura y procedimientos para satisfacer las necesidades que demandan los clientes. Es por ello, que este proyecto va dirigido a un sector en específico, el sanitario, concretamente, al sistema de *urgencias hospitalarias*.

En general, los servicios de urgencias tienen la misma estructura interna independientemente de si se trata de un ente público o privado como se observa en la Figura 2.1.

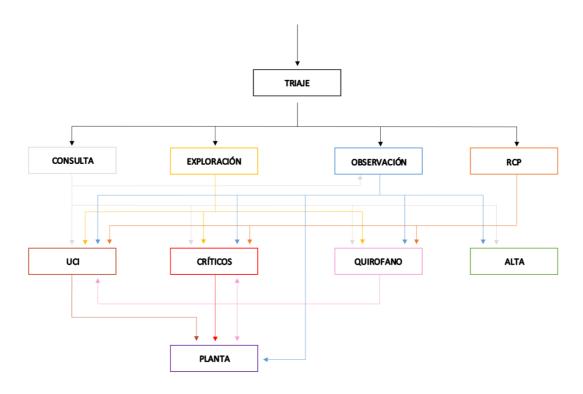


Figura 2.1. Grafo de un sistema de urgencias hospitalarias. Fuente: Elaboración propia

Para la realización del sistema se ha consultado la página web del Ministerio de Sanidad del Reino de España¹³ para así obtener una representación lo más realista posible, con sus respectivos estándares.

El sistema está separado en 4 bloques, para así hacerlo más fácil de entender. El primer bloque, punto de entrada, es Triaje. El segundo está formado por la consulta, exploración, observación y RCP. El tercer bloque está dotado de la UCI, críticos y quirófano. Por último, se encuentran los puntos de salida del sistema, los cuales son alta y planta. Este último lugar del hospital es el más importante, ya que más adelante se comprobará el nivel de *saturación* para cada uno de los distintos *escenarios* que se puedan dar.

Hay que recalcar que tanto el número de servidores como el tiempo de servicio en cada uno de los nodos de la Figura 2.1, que se procede a explicar a continuación, son parámetros elegibles, es decir, se puede indicar el número de servidores disponibles para cada uno de los días y apuntar que tipo de distribución se necesita para generar los tiempos de servicio. Además, cada período de servicio en los nodos es distinto, como es lógico.

¹³ Ministerio de Sanidad en el <u>Reino de España</u>

Explicados los matices anteriores, el primer nodo al que los pacientes llegan al sistema es el triaje, el único punto de entrada al servicio de urgencias. En este, se clasifica a los individuos según su nivel de gravedad e intervención. Las rutas existentes para el triaje son: consulta; exploración; observación y RCP. Por ejemplo, si un cliente llega con síntomas de deshidratación, se le indicará que tendrá que ir a exploración, eso sí, esperando en cola hasta que el anterior cliente termine con su respectivo servicio.

En segundo lugar, se encuentra la consulta, la más concurrida de todos los sitios existentes en el hospital. De este eje los usuarios pueden dirigirse a UCI; críticos; quirófano; observación o alta.

Seguidamente, cuando el origen del paciente sea triaje y su destino sea exploración o RCP, la próxima ruta a seguir será la misma para ambos casos. Podrán ir a UCI; críticos o quirófano. Cabe destacar que, para cada uno de los nodos iniciales, es decir, exploración y RCP, tendrán una cola, tiempo de espera en cola y períodos de servicio distintos.

Para terminar con los nodos del segundo bloque del sistema, se encuentra observación. Este tiene la peculiaridad de tener dos accesos a él. Por una parte, están los individuos que entrar desde el nodo inicial/triaje. Y por la otra parte, se encuentran aquellos pacientes que vienen desde consulta, debido a que los profesionales han observado alguna anomalía. Por tanto, se debe tener en cuenta que los tiempos en cola varían en función de cuantos pacientes entran al sistema y cuantos de ellos después de pasar por consulta se dirigen a observación.

De forma similar son las rutas del bloque 3. Los ejes de UCI y críticos pueden recibir pacientes de exploración, observación, RCP y quirófano. Pero, el primer nodo mencionado tiene una entrada más, la gente que viene directamente de consulta. Cuando los pacientes terminan sus respectivos servicios en ambos lugares del hospital son llevadas a planta, que tendrán su tiempo en cola (si la hay) y sus tiempos de servicio.

Al contrario que los dos ejes anteriores del bloque 3, el quirófano está caracterizado en este sistema por "dar" pacientes a lugares de su mismo sitio, es decir, desde el quirófano se puede ir a UCI y a críticos, además de subir directamente a planta.

El último bloque que se encuentra representado en la Figura 2.1, son los puntos de salida del sistema, denotado como planta y alta. Como ya se ha mencionado anteriormente, el eje con el que más presión e incertidumbre por la *saturación* hay es planta. La no congestión de esta es tan importante como la satisfactoriedad de una operación. Es por esa razón por la que su situación se estudia minuciosamente en todo el horizonte temporal. Por el contrario, el alta no está involucrado en el estudio de este informe, por lo que solo sirve para saber cuántos pacientes son admitidos como aptos para poder salir del sistema de *urgencias hospitalarias*.

Para poder realizar una correcta evaluación de la red de la Figura 2.1, existen 2 formas, eso sí, asumiendo unos recursos ilimitados.

Por un lado, se puede recrear las circunstancias de la red en la realidad, lo que conlleva un coste económico y un gasto del personal enorme. El esfuerzo que se tendría que hacer para llevar a cabo la contabilidad de los pacientes que entrar, el tiempo que dedican dentro del sistema es desorbitado. Por lo que no es lo óptimo.

Por el otro lado, y lo más sensato, es realizar una simulación mediante, valga la redundancia, un *simulador*. Es por eso, que se presenta un algoritmo capaz de simular un sistema de *urgencias hospitalarias* mediante la aplicación de *teoría de colas* con una interfaz de usuario para facilitar el análisis de los resultados.

2.2 Motivación

El tiempo de espera ha sido y es un problema que afecta a la gran mayoría de sistemas tanto públicos como privados del sector sanitario. Dicha cuestión no solamente se habla dentro del área de salud sino también en las calles de la sociedad española.

Si se hiciera una encuesta a la población que reside en este país sobre cuantas horas tienen que esperar para poder ser atendidos en urgencias, esta saldría muy desfavorable.

Estos tiempos de espera afectan a la paciencia de las personas que se encuentran en el hospital para ser atendidos, pero también, a la relación médico-paciente. Además, los gestores sanitarios, a los que les recae el peso de la resolución, indican en muchas de las manifestaciones que realizan al cabo del año, que necesitan más personal y medios para que no haya tanta insatisfacción.

Si los tiempos de espera eran bastante desorbitados, fue a partir del mes de marzo del 2020, que este tema se descontroló. Debido a la pandemia de la COVID-19, acudir al sistema de urgencias de cualquier hospital de España, era frustrante, ya que si por desgracia una persona había enfermado debido a este virus (que eran muchas) el tiempo que había que estar esperando a ser atendido era desorbitado. Por no comentar, los niveles de *saturación* que se llegaron a alcanzar.

Por estas dos razones comentadas anteriormente, se ha procedido a realizar un algoritmo de simulación matemática para un sistema de *urgencias hospitalarias* general para así, poder dimensionar y optimizar la infraestructura de dicho servicio y conseguir la menor *saturación* posible.

Cabe destacar que la opción de la simulación es la más indicada, porque realizar el conteo de los pacientes que puedan llegar al sistema y los distintos cálculos no es viable en el sentido del tiempo ni del gasto que pueda suponer. El beneficio principal que aporta el simulador científico, junto a otros, es la rapidez en la obtención de los datos finales para su correcta interpretación, además de realizar modificaciones de los parámetros del sistema en cualquier instante.

2.3 Objetivos y materiales y métodos

2.3.1 Objetivos

Analizar por simulación un servicio de urgencias en un hospital. Para ello se desarrolla una herramienta para la toma de decisiones que permite analizar los tiempos de servicio de los pacientes que acuden a urgencias dependiendo de los parámetros que definan dicho servicio. Con esta herramienta se puede optimizar el diseño y dimensionamiento de las unidades que componen el servicio de urgencias en un hospital.

Para lo cual es necesario:

- 1. Comprender el modelo matemático, teoría de colas.
- 2. Programar un algoritmo científico para realizar la simulación.
- 3. Llevar a cabo una interfaz gráfica de usuario fácil de utilizar.

2.3.2 Materiales y métodos

Se programó un *simulador* de eventos de urgencias de un hospital en *Rstudio*, con la capacidad de permitir al usufructuario configurar los parámetros de una red de colas. Este algoritmo tiene la característica de ofrecer una interfaz de usuario rápida para analizar de forma gráfica y numérica los resultados obtenidos. Además, da la posibilidad de descarga de un archivo XLSX, el cual contiene la trazabilidad de los clientes en el sistema, para en un informe futuro realizar análisis estadísticos, como por ejemplo, predecir cuantos pacientes acuden a consulta en un periodo de 2 días.

Para la creación del *simulador* matemático se siguieron una serie de pasos que a continuación se proceden a explicar.

Conviene subrayar, que antes de empezar a programar hace falta tener un esquema de cuáles son los objetivos del proyecto y como se puede conseguir esos "targets", además de poseer un grafo (Figura 2.1) del sistema a simular.

Una vez aclarados los objetivos y la estructura, en este caso, del sistema de *urgencias* de un hospital en general, se procede a entender los teoremas y colorarios que explican la teoría de colas. Posteriormente, ya se puede acudir al software a realizar el algoritmo matemático.

En el presente proyecto, se ha decidido utilizar el software *Rstudio*¹⁴ el cual utiliza el lenguaje de programación R¹⁵. La misión que tiene dicha aplicación informática es la de "crear un software libre y de código abierto para la ciencia de datos, la investigación científica y la comunicación técnica para facilitar la colaboración y la investigación reproducible".

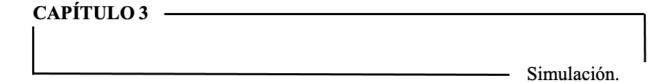
Este software utiliza el lenguaje R, que es el padre de la ciencia de datos en la actualidad junto con Python¹⁶.

Mientras se programa el *simulador* se tiene que ir verificando si las rutas y resultados del sistema de urgencias coinciden con lo que se había modelado. Por último, cuando el algoritmo no proporciona ningún error en sintaxis, se procede a realizar la validación del modelo. Si esta es favorable, la simulación estará terminada y se podrán realizar los cálculos pertinentes de la *teoría de colas*.

¹⁴ Consulta más información sobre Rstudio en este <u>enlace</u>

¹⁵ Consulta más información sobre el lenguaje R en este enlace

¹⁶ Consulta más información sobre Python en este enlace



Muchos de los problemas de la vida cuotidiana no se pueden resolver mediante métodos analíticos. Una de las principales causas es por la existencia de unos patrones no estandarizados de entrada y de servicio que generan una gran complejidad del sistema a estudiar.

En ocasiones, los resultados analíticos son para un estado estacionario que nunca se alcanza, debido a la interrupción que se produce antes de abandonar o salir del estado.

En estos casos, el estudio de las colas mediante una simulación puede ser la clave para poder encontrar de forma óptima los resultados.

3.1 Introducción a la simulación

La simulación es una técnica empleada para la solución de modelos estocásticos, además de ser una herramienta muy útil para el análisis del desempeño de los sistemas computacionales. Independientemente de si el sistema está implementado o no, utilizar un *simulador* es conveniente para hacer comparaciones con diferentes alternativas y probar opciones de cargas y ambientes de trabajo.

A pesar de sus múltiples ventajas, los modelos de simulación pueden malograrse o producir resultados que no son útiles. Esto se debe, por ejemplo, a un mal modelaje del nivel de detalle conforme a las mediciones que se quieran detallar. Esta cota de detalle para realizar su estructura conlleva un costo muy grande en cuanto al tiempo de desarrollo, para encontrar erratas en el código y, incluso, un período de computación. Aunque un *simulador* con más precisión proporcionará mejores resultados, se puede dar el caso que realizar suposiciones erróneas con algunos de las aclaraciones en los datos del modelo, puedan ocasionar resultados incoherentes, debido al gran nivel de exactitud y conocimientos de los métodos simulados.

Para realizar una correcta simulación, se tendrá que empezar por un nivel bajo de detalle y, una vez comprobado la validez del modelo, aumentar su exactitud en los resultados. Además, se tiene que considerar que lenguaje de programación se utilizará y, si este va a ser uno de uso general o específico.

Si se pretende generar un *simulador* con modelos estocásticos que dependen de variables aleatorias, se deberá tener especial atención a la hora de generar estos valores y de la semilla que se utilice.

3.2 Generación de números aleatorios

Los números aleatorios son una de las principales bases de la simulación¹⁷. Habitualmente, toda aleatoriedad en un modelo se obtiene en función de un generador de números aleatorios que produce una sucesión de resultados supuestamente ocasionados por una secuencia de variables independientes e idénticamente distribuidas según una uniforme (0,1).

Los valores aleatorios no son generados por un algoritmo matemático determinístico, es por eso por lo que en el ámbito de la computación se tienen que realizar mediante números pseudo-aleatorios. Para la correcta generación de este tipo de valores, se crean una serie de números en un subconjunto finito de N, usualmente $\{0, ..., m-1\}$, donde $m \in N$. A partir de estas series, se procesan valores aleatorios según una distribución probabilística uniforme $\{0,1\}$.

3.3 Métodos de Monte Carlo

El término Monte Carlo se sobrepone a un conjunto de métodos matemáticos que se empezaron a utilizar en el 1940¹⁸ para el desarrollo de armas nucleares. Consiste en dar una solución a un problema mediante la intervención de juegos de azar cuyo comportamiento simula algún fenómeno real según una distribución probabilística.

_

¹⁷ Consulta más información sobre la generación de números aleatorios

¹⁸ Consulta más información sobre los métodos de Monte Carlo

Matemáticamente, se denomina método de Monte Carlo a aquellos procesos estocásticos cuya evolución viene determinada por sucesos aleatorios.

Para entender mejor estos modelos, se expone un ejemplo de las agujas de Buffon para estimar π .

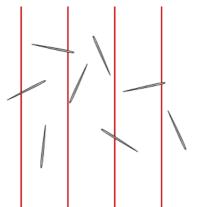


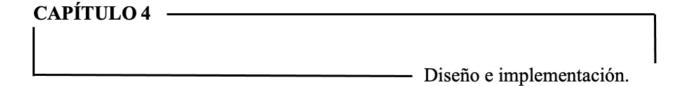
Figura 3.1. Experimento de las agujas de Buffon para estimar π . Fuente: Madrimasd

George Louis Leclerc en 1773, conde de Buffon, propuso el planteamiento del siguiente problema. Se considera un papel horizontal, en el que se ha trazado rectas paralelas separadas por una distancia d, sobre el que se dejan caer de forma aleatoria agujas de longitud L < d (Figura 3.1). Entonces, este se preguntó: ¿Cuál es la probabilidad que las agujas crucen alguna de las rectas ilustradas?

Pues bien, la respuesta a la pregunta planteada la resolvió él mismo en el 1777, dando lugar a la siguiente solución:

$$P = \frac{2 * L}{\pi * d}$$

Esta fórmula permite estimar el valor de π , aunque la convergencia es muy lenta.



Como ya se ha explicado en el capítulo 2 de este proyecto, se ha diseñado e implementado un algoritmo matemático capaz de simular una red del sistema de *urgencias hospitalarias*. Dicha aplicación tiene la característica que puede ser modelado por los usuarios, es decir, se pueden cambiar una serie de parámetros en función de las disponibilidades de esta. Por tanto, se explicarán las particularidades de la programación y como se puede implementar en la vida real.

El algoritmo realizado en *Rstudio*¹⁹ y llamado "SSUH" (Simulador de un Sistema de Urgencias Hospitalarias) está compuesto por tres grandes partes. La primera de ellas hace referencia a los parámetros cambiantes, por ejemplo: número de días a simular; número de servidores en cada nodo, etc.

Por el otro lado, se encuentra el *simulador* de la red a estudiar. Este bloque está dotado de todas las herramientas necesarias para la correcta simulación.

La última parte de todo el conjunto del algoritmo matemático es la realización de los cálculos de la *teoría de colas*, trazabilidad de los pacientes y la interfaz básica para el usuario.

4.1 Bloque 1. Inputs

En este apartado se procede a explicar el código necesario para poder realizar los inputs de los parámetros esenciales para la simulación de un sistema de *urgencias hospitalarias*.

¹⁹ Consulta más información sobre <u>Rstudio</u>

Para el correcto funcionamiento del algoritmo es necesario la instalación de una serie de librerías en *Rstudio*²⁰. Para más información de dichos paquetes informáticos, consultar la bibliografía.

Una vez hayan sido descargados y cargados de forma correcta los distintos paquetes matemáticos, se indicarán los valores de los inputs. El primero de ellos hace referencia al número de días a simular. No existe una cuantía límite en este, pero hay que tener en cuenta que a mayor número de días a simular mayor será el coste computacional de esta. Por lo que se recomienda simular como máximo 31 días, es a partir de este valor, que este coste aumenta de forma drástica.

A continuación, habrá que definir qué tipo de *escenario* se elige para la simulación del sistema hospitalario. Esta variable se refiere al número de llegadas de los pacientes al sistema, los cuales seguirán una distribución de Poisson (λ). Hay que matizar que a mayor valor de λ mayor será la cifra de pacientes que llegan. Para que los usuarios de la interfaz básica, que se ha creado, tengan una guía por si su conocimiento de la estadística es nulo, se proporciona tres opciones. El primero de ellos, es el *escenario 1*, el Bajo, el cual tiene un λ de 0.1, lo que significa que llegarán muy pocos pacientes al hospital. Posteriormente, se encuentra la opción Medio con un λ de 0.25. Y por último, el *escenario* Saturado, dotado de un λ de 0.5. Por tanto, dependiendo del tipo de marco que elija el usuario en la interfaz, el sistema tendrá un menor o mayor flujo de pacientes.

Posteriormente a la elección de la cantidad de días a simular y del tipo de *escenario* para el sistema, se encuentra el número de servidores que habrá en cada uno de los nodos que componen la estructura de urgencias. Como se observa en la figura 2.1 del capítulo 2, existen 10 nodos que componen el sistema a estudiar, 9 de los cuales estarán compuestos por *n* servidores. El único nodo que no tiene servidores y, por ende, no resulta interesante estudiarlo es alta.

Para la correcta implementación de los inputs, es necesario matizar que los valores que se introducen son los servidores disponibles en ese mismo día, no la cuantía global de cada nodo en general.

²⁰ Información sobre las <u>librerías de Rstudio</u>

Dentro de las 9 entradas de valores posibles, únicamente 1 de ellas hace referencia al número de personal médico disponible para poder atender a los pacientes. Esto se refiere, que el único eje que no depende de la cuantía de camas disponibles en el hospital es triaje o también conocido como recepción.

4.2 Bloque 2. Algoritmo matemático

Una vez explicado los distintos inputs, se proceda a la exposición del algoritmo realizado para la simulación de un sistema de *urgencias hospitalarias*. En este apartado se va a utilizar un leguaje más técnico, por lo que en la bibliografía existe un documento que explica de forma más "normal" dichos tecnicismos para su correcta interpretación.

Definido el número de días a simular, se convierte esa cuantía a minutos, (un día son 1440 minutos), para poder realizar un bucle "for" que dará lugar al cálculo de los momentos de llegadas de cada uno de los pacientes y cuáles son los tiempos entre llegadas de estos. El momento de llegada de los clientes se calcula de la siguiente manera. Para el primer usuario que llega al sistema, resulta fácil, ya que en este no hace falta hacer ningún cálculo porque en la variable "Pos" se encuentra su minuto de llegada. Es a partir del segundo en llegar que se complica. En este instante, se crea un bucle "if" que indica que, si el paciente no es el primero y llegan más de un sujeto en ese horizonte temporal, su momento de llegada será la posición del índice correspondiente en la variable "Pos" y su dimensionamiento será la longitud de la variable "Momento llegada" + 1 + el cliente anterior en llegar a urgencias hasta la longitud máxima de individuos que entran al sistema. Si por alguna casualidad, en el instante t, únicamente existe una persona que entra al hospital, su momento de llegada será el valor correspondiente al índice en la variable "Pos" y su posición dentro del sistema será aquella en la que la longitud de la variable "Momento Llegada" + el número de clientes, sea inferior a la posición que toma este individuo dentro de la variable "Pos".

Por otra parte, para realizar los cálculos de los tiempos entre llegadas de los pacientes, es necesario haber realizado de forma correcta las deducciones de la variable "Momento_Llegada". Es a partir de este instante que se crea otro bucle "for", eso sí, fuera del rango del anterior, que irá de 1 hasta la longitud máxima de la variable mencionada anteriormente y el cálculo de los tiempos entre llegadas será igual a la suma del momento de llegada del paciente actual + el momento de llegada del paciente anterior.

En este instante, ya se tienen calculados tanto los momentos de llegadas como los tiempos entre llegadas de todos los pacientes que entrarán en los n días. Es por eso, que a continuación se declaran todas las variables necesarias para realizar los sistemas de colas en el hospital. Estos parámetros están ordenados según su orden de implementación en el algoritmo, es decir, las primeras variables declaradas son las correspondientes al nodo triaje y las últimas al nodo de planta.

Es a partir de aquí que empiezan los diferentes cálculos de los sistemas de colas en el hospital. Para la correcta explicación de como se ha elaborado el algoritmo se procede a desglosar el código en 5 bloques.

El primer bloque, es decir, la entrada de pacientes dentro del sistema es el nodo denotado como triaje. Para sus respectivos cálculos se ha seguido el siguiente esquema. Se crea un bucle "for" que su rango será desde 1 hasta la longitud máxima que tiene la variable "nclientes". Esta variable contiene la cuantía de todos los pacientes a atender. Dentro de este bucle se crea una variable llamada "Llegada_Triaje", la cual contiene los momentos de llegadas de todos los pacientes, y otra denominada como "P_Triaje" que identifica el ID de estos. Posteriormente, se crear los tiempos de servicio para cada persona que entra dentro de este bucle siguiendo una disciplina FIFO y, estos tiempos seguirán una de las siguientes distribuciones probabilísticas: exponencial; uniforme; Beta; Log-Normal o Triangular. Cabe matizar que dependiendo de que distribución se escoja, los tiempos de servicio cambian y, por ende, los tiempos medios en cola y todos aquellos parámetros que se basan en la *teoría de colas*.

Nada más crear los tiempos de servicio para cada paciente, se procede a entrar en una comparación mediante un bucle "if". Si el número de clientes que ha entrado a triaje es inferior al número de servidores disponible (input), el momento de terminación del paciente *j* será la suma entre su momento de llegada a triaje más el tiempo que ha sido atendido. Por lo contrario, si el contador de pacientes de este nodo es superior al número de servidores, que en este caso son recepcionistas, se procede a calcular el valor mínimo de la variable "Momento_Termimanción_Triaje" para poder realizar una comparación que indica si existe tiempo de espera en cola o no. Si resulta que el valor mínimo de los momentos de terminación de los pacientes anteriores es mayor al momento de llegada del individuo actual, este tendrá que esperar en cola hasta que uno que está siendo servido termine. Por el otro lado, si el paciente *i* llega en el instante *t* y hay algún servidor disponible entrará inmediatamente al servicio. Por lo tanto, los momentos de terminación de aquellos pacientes que tienen que esperar a ser servidores, será la suma entre su momento de llegada, el tiempo de espera y el tiempo de servicio.

Finalmente, cuando el paciente ha sido atendido se puede dirigir a varios nodos del sistema, como se ha estipulado en la Figura 2.1. Para eso, se crea una variable denominada "Clientes_Prioridad" que asignará de forma aleatoria su siguiente paso, pudiendo acceder a consulta, exploración, observación y RCP, mediante una serie de probabilidades que, en este caso serán 0.9; 0.03;0.06;0.01, respectivamente [1].

Una vez los pacientes son atenidos en triaje, su trayectoria pasará por el bloque 2 del sistema de *urgencias hospitalarias*. Esta agrupación está formada por el conjunto de 4 nodos: consulta; observación; exploración y RCP.

Para realizar nuevamente lo cálculos para la asignación de servidores de cada uno de los nodos mencionados anteriormente, se crea un bucle "for" que se le asignará los valores desde 1 hasta el total de clientes dentro del sistema.

Aquellos sujetos cuyo valor de la asignación realizada en el triaje sea "Con", se dirigirán a consulta mediante un bucle "if". Cuando el paciente *j* entra dentro de la consulta, se le calcula su momento de llegada y su ID de usuario. Seguidamente, se le asigna un tiempo de servicio mediante una función en *Rstudio* "sample", que dependerá de las 5 distribuciones probabilísticas elegidas. A continuación, se realiza el mismo

proceso que en el triaje. Si el contador de pacientes en consulta es menor al número de servidores el tiempo de espera del cliente será 0 y, por tanto, su momento de terminación será el resultado de la suma entre momento de llegada y el tiempo de servicio.

Por el otro lado, si el individuo *j* entra al sistema cuando los servidores están ocupados, tendrá que esperar hasta ser atendido. Por tanto, el momento de terminación de esta persona será la suma entre momento de llegada, tiempo de espera y período de servicio. Cuando el paciente ya ha sido atendido por el personal médico, se crea nuevamente una variable aleatoria, en este caso denotada como "Clientes_Prioridad2", para redirigirle a otro nodo del sistema, concretamente, se le asigna alta; observación, UCI, críticos o quirófano acorde a las siguientes probabilidades: 0.85,0.1,0.01,0.02,0.02 [2].

Tanto el nodo de exploración como RCP funcionan exactamente igual que la consulta, es decir, se aplican dos bucles "if" que compararan cual es la asignación que se le ha realizado al paciente j desde triaje. Si esta resulta que es "Exp", entrará en exploración y tendrá el mismo sistema de atención que en los dos casos anteriores. De igual modo, se hace en RCP. Finalmente, se le asignará a cada sujeto de los dos nodos un valor que indicará su siguiente paso. Esta asignación se realiza mediante la función "sample", en la que se le asigna una serie de probabilidades a cada elemento. Los pacientes que se encuentren en exploración podrán ir a UCI (0.35), críticos (0.4) o quirófano (0.25) [3], mientras que los pacientes de RCP podrán ir a los mismos nodos, con unas probabilidades distintas 0.25,0.6 y 0.15.

Si la variable "Clientes_Prioridad" toma el valor "Obs" para cualquier paciente, significa que este irá desde triaje a observación. Pero, existe la peculiaridad que cualquier individuo que haya estado en consulta puede ir a Observación. Es por eso por lo que antes de calcular los momentos de terminación en este nodo, se realiza un bucle "for" que recorrerá los índices de todos los pacientes del sistema para comprobar cuál de ellos tiene asignado el nodo observación y su nodo anterior sea consulta. Una vez encontrados, se le asigna como momento de llegada a observación su instante de terminación en la consulta.

Por consiguiente, se crea otro bucle "for" pero esta vez de longitud 1 hasta el máximo del contador que se ha realizado en la identificación anterior. Y es a partir de aquí que el proceso es exactamente el mismo que en los nodos anteriores. En cuanto a la asignación de la ruta de los pacientes provenientes de observación, se tiene que podrán ir a UCI, críticos, quirófano, alta o planta con 0.01;0.04;0.1;0.7;0.15, respectivamente.

Como se ha visto en la explicación tanto del primer bloque como la del segundo, el mecanismo de servicio que se utiliza siempre es el mismo. Se trata de un sistema de colas multicanal con una única cola para los n servidores existentes. La figura 4.1 representa este mecanismo.

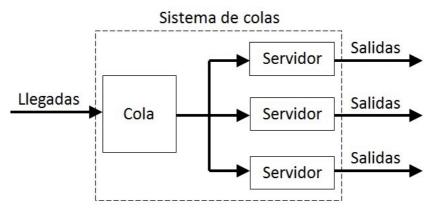


Figura 4.1. Mecanismo Multi-Canal con una única cola para n servidores. Fuente: White Hat Developer

En este momento y explicado el mecanismo de servicio que tiene todo el conjunto de colas del servicio de *urgencias de un hospital* en general, se procede a explicar el código del tercer bloque que está compuesto por UCI, críticos y quirófano.

Anteriormente, el momento de llegada del paciente *j* en cualquier nodo únicamente era consultar en la variable "Momento_Llegada". En este apartado, el asunto cambia, debido a que ahora el momento de llegada a los 3 nodos será el instante de terminación del paso anterior. Es por eso por lo que se realiza un bucle "for" y varios bucles "if". En este punto, se identifica cuál es su eje anterior, su momento de terminación y, además, se crea una nueva variable "Obs_Nodo_Split" que indica si un paciente ha sido asignado de consulta a observación. Se realiza esta diferenciación porque los horizontes temporales de los pasos son diferentes, es decir, no es lo mismo que un sujeto llega a UCI desde exploración que de observación, ya que si viene de este último habrá que hacer una diferencia para saber si el individuo viene de triaje o consulta.

Calculados los respectivos momentos de llegada, se realizan tres bucles "for", uno para cada nodo de este bloque. El rango de estos será desde 1 hasta el número máximo de pacientes hayan llegado. Posteriormente, se aplica el algoritmo creado para simular un sistema de colas de un mecanismo multicanal con tantos servidores como se hayan establecido al principio del *simulador*.

Una vez los individuos que hayan sido servidos en UCI o críticos se dirigirán obligatoriamente a planta. Pero aquellas personas que han sido atendidas en el quirófano podrán ir a planta, pero también a UCI o críticos mediante una asignación aleatoria con probabilidades 0.5;0.25;0.25, respectivamente. Por esta razón, se calculan de nuevo los momentos de llegada a UCI y críticos mediante la utilización de la función "which" de *Rstudio*.

Para terminar con la explicación del algoritmo matemático encargado de simular un sistema de *urgencias hospitalarias* se encuentra el cuarto bloque compuesto por alta y planta. Como uno de los objetivos principales de este proyecto es saber la *saturación* del último nodo, no se ha calculado el momento de llegada a alta. Únicamente, este eje sirve para saber cuántos pacientes han salido del sistema, es por eso, que se ha realizado un contador para saber cuántas personas se les ha asignado el alta.

Para calcular los momentos de llegada a planta, se ha realizado el siguiente código. Se aplica un bucle "for" de rango 1 hasta el número máximo de clientes para poder averiguar el ID y instante de terminación de aquellos usuarios que han sido atendidos en observación. Esto se realiza mediante un bucle "if" y con las funciones "as.numeric" y "which" integradas en el software utilizado. De igual forma se hace para los pacientes que llegan al nodo planta desde el quirófano.

A continuación, se crea una matriz que tendrá tantas filas como pacientes vayan a planta y 5 columnas. La primera columna será el ID del individuo. La segunda indica el nodo anterior y la tercera el momento de llegada. Para la siguiente columna se ha aplicado una función llamada "Split", esta se encarga de dividir los sujetos que hayan pasado por observación viniendo de consulta. Como ya se ha explicado anteriormente, el horizonte temporal no es el mismo si se llega a planta desde UCI o desde observación habiendo pasado por consulta. Por lo tanto, en esta columna aparecerá el nombre de "NADA" si el

paciente *j* no ha estado ni en consulta ni observación, "NINGUNO" si solamente ha pasado por observación y "CONSULTA" si ha pasado por la consulta, posteriormente a observación y finalmente a planta pudiendo haber pasado por UCI, críticos o quirófano.

Para realizar el sistema de colas en planta se aplica el mismo método que en los nodos anteriores. Se dispone de *n* servidores, que en este caso, serán camas y, mientras que la totalidad de estas no estén ocupadas, no habrá cola y, por ende, el tiempo de espera en cola será 0. Los períodos de servicio para el actual nodo seguirán una de las 5 distribuciones explicadas en el capítulo 1, pero eso sí, asumiendo que estos serán mucho más altos que en los 8 nodos restantes del sistema.

En la programación del sistema de colas de la planta, existe una diferencia respecto a los otros. Como uno de los objetivos de este proyecto es averiguar la *saturación* de esta, se ha realizado el siguiente código.

Nada más crear de forma aleatoria los tiempos de servicio, se aplica una serie de bucles "if" para poder averiguar cuantos servidores/camas están ocupados. Para este cálculo es necesario declarar una nueva variable que en el momento inicial tendrá el mismo valor que el número de servidores disponibles en los días simulados, que se introducen al principio del *simulador* mediante un input.

Si en el instante $t \ge 1$ el contador de pacientes en planta es igual a 1, el número de camas disponibles será igual a el número total de servidores disponibles en el instante inicial - 1. Cuando dicho contador es inferior al número de camas, los servidores disponibles serán la resta entre el número de servidores disponible en el anterior paciente -1.

Por lo contrario, si al llegar un paciente, estos están ocupados, los servidores disponibles serán 0, y nada más terminar un individuo su respectivo servicio, este será inmediatamente ocupado y, por tanto, habrá nuevamente 0 camas disponibles. Además, se ha tenido en cuenta en la programación que, si un sujeto sale y no existe ningún individuo esperando en cola, la disponibilidad de las camas será la suma entre el número de servidores disponibles en el instante anterior +1.

El código de programación de este *simulador* se encuentra en el Anexo del proyecto pudiendo acceder cualquier persona a él. Mediante el algoritmo explicado en los anteriores párrafos se consigue una simulación de un sistema de *urgencias de un hospital* en general, aplicando la *teoría de colas* para así conseguir los "targets" propuestos.

4.3 Cálculos

Posteriormente a la simulación del sistema, se realiza el siguiente código tanto para los cálculos necesarios como para la interfaz de Usuario, obteniendo una clara visión de la situación en urgencias.

4.3.1 Medidas de eficacia

En primer lugar, se realizan los cálculos de los parámetros esenciales de la *teoría* de colas. En este momento, no habrá ningún tipo de bucle, ya que los resultados obtenidos en la simulación de cada uno de los nodos se han guardado en un "data.frame". Cabe destacar que para cada una de estas variables habrá 11 registros, además del dato general de este.

Para el tiempo medio de llegadas, también conocido como λ , se calcula el número de pacientes en cada uno de los nodos mediante la función "length" en *Rstudio* y, a continuación se divide por el número total de minutos que se simulan. Se ha de matizar que un día son 1440 minutos, por lo que se multiplicará el número de días por este valor. Por ejemplo, para calcular el λ de UCI, se contabiliza el número de individuos que llegan a él y se divide por t, donde t será 1440*N.º de días. En consecuencia, se obtiene el número promedio de sujetos que llegan por minuto. Para obtener esta tasa en el sistema general, resulta más fácil, ya que este tiene únicamente un punto de entrada, por lo que se calcula el de λ del triaje.

Por el otro lado, el segundo parámetro más importante en la *teoría de cola* es μ o tiempo medio de servicio. En este caso, basta con calcular la media de los tiempos de servicio en cada nodo del sistema. Y, para el sistema en general, hacer la media de las medias, es decir, calcular el promedio de todos los μ .

El tiempo medio en cola aporta mucha información sobre la saturación de los 9 nodos y del sistema conjuntamente. Por tanto, para poder obtener los resultados es necesario calcular la media de los tiempos de espera en cola. Y, para el sistema en general, será hacer la media de las medias. Esto se obtiene mediante la función "mean".

Otro parámetro importante para la correcta interpretación del dimensionamiento y la *saturación* de urgencias son los números de servidores disponibles en el día de inicialización de la simulación. En este caso, no habrá que hacer ningún calculo previo ya que los valores de esta variable los introduce el propio usuario en la interfaz básica.

Seguidamente, se encuentra el parámetro que nos indica el nivel de *saturación*, factor de utilización. Para su cálculo es necesario haber obtenido anteriormente los valores de λ , μ y el número de servidores. En todos los nodos, incluido el sistema en conjunto, su procedimiento de cálculo es el siguiente: $F.U = \frac{\lambda}{n^2 \, servidores * \mu}$. Por tanto, se puede decir que un sistema no está congestionando si $\rho(F.U) < 1$.

La computación del tiempo promedio de duración en los 9 nodos se realiza mediante la media de la diferencia entre el momento de terminación y el instante de llegada de cada lugar del hospital. Para el sistema en general las deducciones resultan más complejas. Como existen dos puntos de salida del sistema, alta y planta, habrá calcular por separado las diferencias de los tiempos. En cuanto a alta, únicamente habrá que calcular la media de los momentos de llegada, ya que cuando se va a este nodo, no existe ningún tipo de servicio. Por el lado de planta, se tiene que calcular la media de la diferencia entre el momento de terminación y el instante de llegada. Posteriormente, se realiza la promedio de las dos medias mencionadas y se obtendrá el tiempo medio de duración en el hospital.

En cuanto al número medio de pacientes en cola, se obtiene realizando la multiplicación entre λ y μ . Esta operación matemática indicará cuantos individuos esperan ser atendidos por minuto.

El último parámetro que se calcula referente a la *teoría de colas* es el número medio de servidores ocupados. Se realiza mediante la multiplicación entre ρ y la cuantía de servidores en cada eje. Por tanto, a mayor valor de este, mayor será la *saturación* de los lugares en el hospital.

4.3.2 Interfaz de usuario básica

Nada más terminar con los respectivos cálculos, se procede a realizar la interfaz básica para poder efectuar las conclusiones. Pero, como todo proceso matemático, se necesita una adecuación de los datos. Para ello se crean "data.frame" que engloban las computaciones de los parámetros anteriores y las trazabilidades de los pacientes.

Como existen 5 posibles pasos de los individuos en el horizonte temporal, la explicación de la creación de las trazabilidades se divide en el mismo número de movimientos.

El primer paso está dotado de un bucle "for" que tendrá tantos índices como clientes haya en el sistema. Dentro de este se encuentran bucles "if" para poder diferenciar donde se dirigen en el primer paso. Una vez identificados los ejes, se procede a consultar los ID, momento de llegada, cuando termina y cuáles son los tiempos de servicio de cada uno de los individuos implementado funciones como "which" y "lenght". Además, se calculan los porcentajes de pacientes que irán a consulta, exploración, observación o RCP viniendo de triaje. Estos datos consultados se guardan en una única variable para, posteriormente, crear un conjunto de datos que contenga toda la información de las personas.

Cuando se habla del paso 2, se refiere a las transiciones que realizan los pacientes del bloque 1 al 2, como se observar en la figura 2.1. En esta parte, el código utilizado es extenso, pero tienen muchas similitudes entre los diferentes itinerarios. Por esta razón, se va a explicar la programación de uno de ellos.

Como todo algoritmo, se declaran las variables a utilizar, que en este caso se refieren a la interacción entre consulta y alta. A continuación, se aplica un bucle "for" encargado de realizar un recorrido por los índices, que tendrán una longitud igual al número de personas que realizan esta ruta. Por consiguiente, se realiza un bucle "if" que compara si los pacientes que han llegado a alta vienen de consulta. Si este se cumple, se

realiza un contador para el dimensionamiento de las nuevas variables comentados anteriormente y se consulta el ID y el momento de llegada. Posteriormente y, de la misma manera que en el paso 1, se calcula el porcentaje de individuos que llegan a alta habiendo pasado por consulta. Para estos valores, se utilizan las funciones "order" y "with".

El mismo formato se aplica para realizar las consultas y cálculos del tercer paso. Pero en este caso, cuando ya se tiene la información de las rutas de los pacientes, se crea un nuevo algoritmo para poder anexar esta información a los datos del primer y segundo paso. Este código se encarga de comprobar el dimensionamiento de las interacciones anteriores y adecuarlo a los resultados del tercer paso. En cuanto a la programación, se han empleado varios bucles "for" y "if", además de funciones como "min", "max", "length", "sum", entre otras muchas. Para el correcto funcionamiento, se ha de tener especial atención a la hora de dimensionar las diferentes variables y matrices e ir jugando con los índices. Esto último, se refiere a ir restando o sumando 1 en los respectivos índices. Además, se ha tenido en cuenta que, si por alguna extraña razón no hay ningún tráfico de personas en este paso, el programa lo identifique y lo manifieste en la interfaz gráfica.

Tanto el paso 4 como el 5, utilizan los algoritmos descritos en los tres pasos anteriores, por lo que se utilizaran el mismo número de variables, eso sí, con distintos nombres, y las mismas funciones que proporciona *Rstudio*.

Una vez, explicado cómo se ha realizado el algoritmo de las trazabilidades de los pacientes en el sistema, se procede a la explicación de la interfaz de usuario.

Para la correcta implementación de esta interfaz se ha utilizado la herramienta Knitr²¹ que proporciona Rmarkdown²² en el software *Rstudio*. Esta función es capaz de crear un archivo HTML para poder visualizar todo tipo de gráficas y tablas, además de garantizar una interacción en estas últimas.

Nada más iniciar la aplicación, aparece una tabla, realizada mediante la librería "kable"²³, que proporciona la información del tipo de *escenario* que se ha simulado en el

²¹ Consulta más información sobre Knitr

²² Consulta más información sobre Rmarkdown

²³ Consulta más información sobre la <u>librería Kable</u>

servicio de urgencias. En esta aparece la nomenclatura del ambiente y el λ correspondiente a la tasa de llegadas de los pacientes. A continuación, se encuentra otra tabla, en la que se muestran los resultados de teoría de colas obtenidos en la simulación. Estas figuras se pueden observar en la siguiente ilustración.

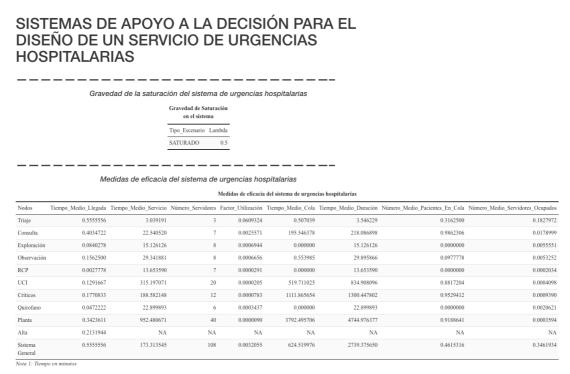


Figura 4.2. Inicio de la interfaz. Fuente: Elaboración propia

Los resultados obtenidos tanto en las dos tablas de la figura 4.2 como en las restantes, se explicarán en el capítulo 5 de este proyecto.

Esta interfaz también está dotada de cuatro gráficos que muestran las trazabilidades de los pacientes (figura 4.3). Todos estos están realizados mediante las librerías "ggplot" y "plotly"²⁴. En estas figuras se utilizan funciones para el diseño, títulos, leyendas, colores, nombre de los ejes, etc. Además, se ha establecido la función "writeXLS" que da la posibilidad de descarga de los datos de la simulación en formato XLSX (Excel). Finalmente, gracias a todos los conjuntos de datos creados en el algoritmo, se puede realizar consultas de todos los pacientes que entrar en el sistema de *urgencias hospitalarias*.

²⁴ Consulta más información sobre las <u>librerías gaplot y plotly</u>

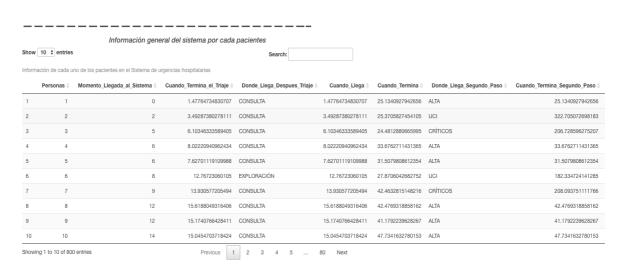


Figura 4. 3. Realización de consultas. Fuente: Elaboración propia

CAPÍTULO 5 Análisis de simulación.

En el presente capítulo se presentan los resultados obtenidos mediante el algoritmo expuesto en los apartados anteriores, además de, realizar una comparación de los niveles de saturación del hospital creando distintos escenarios.

Con la comparación de los resultados que se observarán en la interfaz de usuario básica proporcionada, se pretende conseguir optimizar el dimensionamiento y controlar el grado de *saturación* tanto de los nodos como del sistema en su totalidad.

5.1 Escenarios simulados

Este análisis está compuesto por la realización de 3 escenarios de saturación: Bajo, Medio y Saturado, en los cuales habrá cambios en las distribuciones probabilísticas de la tasa de servicio y en el número de servidores disponibles, para ver cómo afectan estos a la saturación y dimensionamiento del servicio de urgencias de un hospital. Sin embargo, en los 9 escenarios totales, el número de días a simular siempre será el mismo, 1. Para la correcta comparación de los resultados de los 3, se utilizarán las mismas distribuciones y cantidad de servidores en cuanto a los subescenarios se refiere.

El primer escenario a simular será aquel en la que las tasas de llegadas de los pacientes siguen una distribución Poisson con $\lambda = 0.1$ o lo que es lo mismo una tasa Baja. Una vez estos períodos han sido configurados, se procede a realizar 3 subescenarios que hacen referencia a los tiempos de servicio y al número de servidores en los 9 nodos del sistema.

El subescenario inicial es aquel en el que los períodos de servicio siguen una distribución probabilística uniforme. Esta distribución se caracteriza por poseer valores que se encuentran dentro de un intervalo. Los rangos que puede tomar la variable tiempo de servicio, en minutos, en cada nodo del sistema son los siguientes: Triaje= [1,5]²⁵;

²⁵ Número de recepcionistas en los hospitales españoles

Consulta= [15,30]²⁶;Exploración= [10,20]²⁷; Observación= [15,45]²⁸; RCP= [10,20]; UCI=[1900,5760];Críticos=[1440,4320];Quirófano=[15,30];Planta=[1440,10080]. Por otra parte, se encuentran el número de servidores, que pueden ser personal médico en el caso de triaje o camas en los nodos restantes. Por tanto, los valores para los servidores son 3; 7; 8;8;12;7;20;12;6 y 40, respectivamente²⁹. El número de camas en los hospitales varía en función de cuantos habitantes tenga la ciudad donde se ubique, cuanto de grande es y el régimen político de la comunidad autónoma. Es por eso, que las cifras de este subescenario provienen de la media de los hospitales españoles.

A continuación, se procede a explicar la segunda circunstancia. En esta, los únicos parámetros que cambian respecto al anterior escenario son las tasas de servicio, que ahora adoptaran distribuciones probabilísticas distintas dependiendo del bloque del sistema hospitalario, como se mencionó en el capítulo 2 de este mismo documento.

El bloque 1 tendrá una distribución uniforme con unos valores mínimos de 1 minuto y unos máximos de 5. El bloque 2, formado por consulta, exploración, observación y RCP, estarán distribuidas mediante una triangular. Esta distribución se caracteriza por necesitar la introducción de 2 parámetros: valor mínimo y valor máximo. Por lo tanto, los valores mínimos y máximos de los 4 nodos serán los mismo que en la distribución uniforme del primer subescenario. La tercera parte tendrá una distribución log-normal, con una media y desviación típica para cada nodo: UCI con una media de 2430 minutos con una desviación típica de 300; críticos tiene un promedio de 1990 minutos y una desviación estándar de 400 y, por último, quirófano con Media=20 y Desv. Tip. =5. El último bloque, planta, tendrá una distribución Beta ($\beta = 0.5$) multiplicado por el tiempo máximo de servicio correspondiente a la distribución uniforme.

Aplicando las mismas distribuciones anteriores y cambiando el número de servidores de los 9 nodos, se obtiene el tercer subescenario cuando la tasa de llegadas de los pacientes al sistema sigue una distribución Poisson de $\lambda = 0.1$. Ahora la cantidad de camas/personal médico será el siguiente: Triaje=2, Consulta=6, Exploración=5, Observación=10, RCP=3, UCI=10, Críticos=16, Quirófano=4 y Planta=60.

²⁹ Información del número de servidores en los hospitales españoles

²⁶ Número de servidores en consulta en un <u>hospital en general</u>

Número de camas en exploración en un hospital en general
 Número de camas en observación en un hospital en general

Una vez visto el *escenario* Bajo, se procede a realizar la explicación del Medio. Este se diferencia respecto al primero únicamente con la tasa de llegadas de los pacientes, que ahora tendrá un $\lambda = 0.25$. Los 3 subescenarios de dicho apartado estarán compuestos por los mismos números de servidores y las mismas distribuciones probabilísticas con sus respectivos parámetros. No se cambian los valores de las variables ya que se quieren realizar comparaciones de los resultados obtenidos, y para ver las similitudes o discrepancias, se deben tener los mismos parámetros y distribuciones.

Por último, el escenario 3 está compuesto por un $\lambda = 0.5$ y tres subescenarios. Por tanto, la única diferencia existente entre los tres principales escenarios simulados son los valores del parámetro mencionado anteriormente. En este se podrá observar el comportamiento del sistema cuando llegan en un día la escalofriante cifra de 800 pacientes.

Como es lógico, existen miles de combinaciones posibles para los 3 escenarios. Incluso, se pueden crear n escenarios, únicamente, cambiando el valor λ de la tasa de llegadas del sistema. Este proyecto tiene la finalidad de averiguar mediante un simulador cuales son los períodos medios en cola, tiempos de servicio, entre otros objetivos. Es por eso por lo que cabe destacar que con esta simulación se podrían realizar múltiples análisis estadísticos y de optimización, pero no es la finalidad del presente estudio. Un futuro proyecto podría ser la creación de un algoritmo matemático capaz de optimizar el coste que supone tener x servidores en el sistema, además, de indicar la estructura ideal para los desplazamientos de los pacientes.

5.2 Resultados

En el presente apartado se exponen los diferentes resultados obtenidos gracias a la simulación de 3 escenarios dotados de 3 subapartados. Además, se comparan para ver las discrepancias entre ellos y, así, ver de una forma más clara las diferentes saturaciones del sistema de urgencias hospitalarias. Por último, se exponen las medidas de eficacia relacionados con una simulación de un mes entero, para ver la saturación de este.

Las figuras que se exponen y razonan a continuación, se pueden obtener en la interfaz de usuario proporcionada. Además, en la aplicación existe la posibilidad de interacción en las tablas y gráficos realizando consultas.

Para la correcta interpretación de los distintos subescenarios que se encuentran dentro de los 3 apartados simulados, mediante el cambio de la tasa de llegadas, se procede a identificarlos mediante una serie de colores. Los subapartados 1, el color de fondo será el blanco. En el caso de los segundos, será el ivory. Y, por último, el color identificativo será el azure.

En primer lugar, se estudia el *escenario* 1, saturación Baja, que tendrá la peculiaridad de poseer las mismas distribuciones probabilísticas en todos los nodos.

Medidas de eficacia del sistema de urgencias hospitalaria: Nodos Tiempo Medio Llegada Tiempo Medio Servicio Número Servidores Factor Utilización Tiempo Medio Cola Tiempo Medio Duración Número Medio Pacientes En Cola Número Medio Servidores Ocupados Triaie 0.1291667 2.972144 0.0144864 0.0000000 2.972144 0.0000000 0.0434591 Consulta 0.1187500 22.162452 0.0007655 0.1097351 22.272187 0.0175439 0.0053582 Exploración 0.0027778 14.517010 0.0000239 0.0000000 14.517010 0.0000000 0.0001913 Observación 0.0159722 30.487094 0.0000655 0.0000000 30.487094 0.0000000 0.0005239 RCP 0.0020833 16.499181 0.0000180 0.0000000 16.499181 0.0000000 0.0001263 UCI 0.0034722 3696.547900 20 0.0000000 0.0000000 3696.547900 0.0000000 0.0000009 Críticos 0.0062500 3061.225606 12 0.0000002 0.0000000 3061.225606 0.0000000 0.0000020 0.0041667 25.066942 0.0000277 0.0000000 25.066942 0.0000000 0.0001662 Ouirofano 0.0000000 0.0138889 5391.575945 40 0.0000001 5391.575945 0.0000000 0.0000026 Alta 0.1159722 NA NA NA NA NA Sistema 0.1291667 1362,009125 108 0.0000948 0.0121928 3037.576430 0.0019493 0.0102422 General

Tabla 5.1. Medidas de eficacia Escenario 1, Subapartado 1: Fuente: Elaboración propia

Nota 1: Tiempo en minut

Como se puede observar en la tabla anterior, el nivel de *saturación* del sistema en general es escaso. Empezando desde el principio, los tiempos medios de llegadas de los pacientes a cada uno de los nodos son muy bajos. El caso donde este valor es el más elevado es en la entrada del sistema, triaje, que por cada minuto que pasa entra 0.13 individuos. Tanto los tiempos medios de servicio como el número de servidores, son resultados que se extraen de forma sencilla, ya que se conocen estas distribuciones y la cuantía de servidores existentes.

Además, se extrae la conclusión de que no existe cola en ningún nodo salvo en consulta con una media de 0.11 minutos. Por ende, se concluye que el número promedio de pacientes en cola no supera en ningún caso 0.05 clientes por minuto.

Cualquier persona que entre al sistema, de media, su servicio en triaje será de alrededor de 3 minutos. Por el contrario, y lo lógico, el tiempo medio que duración del paciente *j* en planta es de 5391 minutos. Es por esa situación, que el número medio de servidores ocupados en el horizonte temporal simulado, en este caso un día, no supera el 0.05 por minuto.

Para el sistema en su totalidad, el período promedio en cola es de 0.012 minutos con un promedio de 0.019 clientes. Estos valores, son contrastados y afirmados, con el promedio de servidores ocupados, ya que es bajo y reafirma juntamente con $\rho < 0.01$ que el sistema no está congestionado.

Citada la congestión, se presente un gráfico que muestra el nivel de *saturación* en planta durante 24 horas.

Saturación de la Planta durante 24 horas

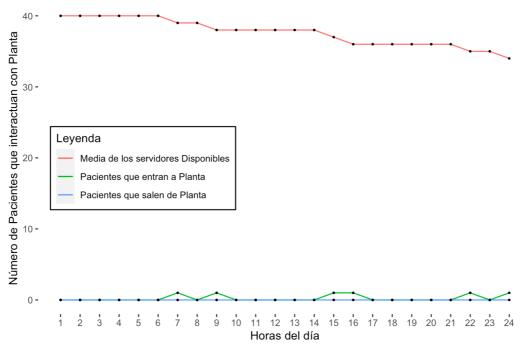


Figura 5.1. Saturación en planta Escenario 1.1. Fuente: Elaboración propia

Mediante la interpretación de la figura 5.1, se puede extraer que el sistema de la planta no se congestiona. Pasadas las 6 horas de inicialización de la simulación el número medio de servidores disponibles empieza a decaer llegando al final de la jornada a unas 35 camas disponibles en promedio.

Además, se observa una pequeña fluctuación en el número de pacientes que entran y pero no los que salen del nodo. Estas oscilaciones resultan interesantes porque se puede observar que cuando el número de pacientes que entran al sistema es mayor al que salen, los servidores disponibles disminuyen. De la misma forma, cuando se alcanza el mayor pico de entradas, se registra la menor salida de individuos. Estas en el modelo de *saturación* Bajo son 0, ya que los pacientes están más de un día en planta.

Estas evasiones ocurren hasta el momento temporal de 24 horas, debido a que se ha simulado únicamente un día y se puede dar el caso, que un paciente entre y salga el mismo día. Del mismo modo, ocurre con el número medio de servidores disponibles y pacientes que entran al sistema, que "terminan" su función pasadas las 30 horas desde la inicialización.

Otro gráfico que exhibe el nivel de *saturación*, pero en este caso de la UCI, es el diagrama de la figura 5.2



Figura 5.2. Duración de los 10 primeros pacientes en UCI Escenario 1.1. Fuente: Elaboración propia

En este caso, queda ilustrado el tiempo que está esperando a ser atendido, el tiempo de servicio y el momento que termina el paciente *j*. Este gráfico es muy útil para analizar el trabajo de los médicos que realizan las operaciones y para saber si el dimensionamiento de la UCI es el correcto, ya que si existen un gran número de individuos que esperan, significa que habrá que remodelar este servicio.

Como se observa en la figura 5.2, el paciente con ID 80, es decir, el 80 individuo que llega al sistema en un día, está siendo operado durante casi 6 horas. Haciendo la diferencia entre el momento que termina y el tiempo de servicio, se puede obtener el instante en el que es dirigido a este nodo. En este caso, el paciente categorizado como 80, entró al sistema pasadas las 10 horas desde la apertura del *servicio de urgencias*. Además, como se ha simulado un *escenario* de *saturación* bajo, el número máximo de pacientes que entran a UCI son 5. La interfaz de usuario proporciona el mismo título para todos los supuestos, es por eso por lo que en el encabezado aparece "primeros 10 pacientes".

Como se mencionó en el capítulo 3, el nodo más concurrido del servicio de urgencias propuesto, y en general, es la consulta. Por esta razón, se ha decido crear el siguiente gráfico.

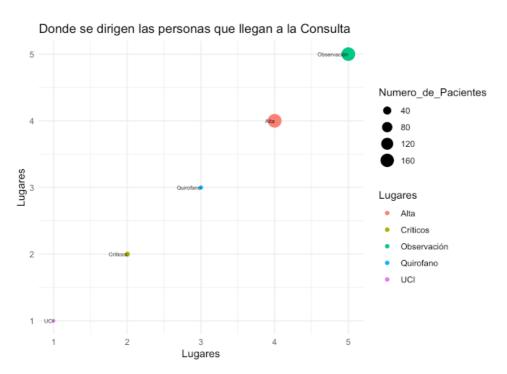


Figura 5.3. Rutas de los pacientes originados en Consulta para el Escenario 1.1. Fuente: Elaboración propia

El presente gráfico proporciona una visión clara de cuáles son los nodos que se dirigen los pacientes después de haber pasado por la consulta. El lugar donde los pacientes no se dirigen prácticamente es a quirófano junto a críticos y UCI. Sin embargo, resulta peculiar que el tamaño de los círculos correspondientes a observación y alta, sean del mismo tamaño. Hay que matizar que, un tamaño grande del círculo significa que el

número de pacientes que realizan esa ruta es elevado. Además, la disposición de estos en la gráfica no implica absolutamente nada en el estudio, simplemente, es diseño.

Del mismo modo que en el capítulo 2, se expuso la estructura/esquema del sistema de urgencias (Figura 2.1), a continuación, se ha realizado un grafo del sistema de urgencias.

Grafo con los porcentajes de translados de los pacientes CONSULTA CRÍTICOS SALIDA ALTA **EXPLORACIÓN** 87 OBSERVACIÓN QUIROFANO **RCP** TRIAJE **CONSULTA** 9 **ENTRADA** TRIAJE **OBSERVACIÓN** 50 QUIROFANORITICOS 00 SALIDA **EXPLORACIÓN** 67 UCI RCP

Figura 5.4. Grafo del sistema de urgencias hospitalarias Escenario 1.1. Fuente: Elaboración propia

Como se observa en la Figura 5.4, se han calculado los porcentajes de pacientes que se dirigen de un nodo a otro. La flecha de color marrón, indica el único punto de entrada al sistema. Por el otro lado, las dos flechas verdes recalcan las salidas de urgencias. Un ejemplo de la interpretación del presente gráfico seria que el 84% de los pacientes que llegan al sistema de *urgencias hospitalarias* con un nivel de *saturación* Bajo acaban siendo derivados a consulta, el 4% a observación, el 2% a RCP y también el 2% de los individuos a exploración.

Para el segundo subescenario de este apartado, se van a utilizar una serie de distribuciones probabilísticas distintas para los bloques que componen el sistema como

se ha explicado en el capítulo 5.1. En este caso, se expondrán las medidas de eficacia y la *saturación* en UCI.

Las cifras obtenidas gracias a la aplicación de la *teoría de colas* en esta simulación se encuentran en la siguiente tabla.

	Medidas de eficacia del sistema de urgencias hospitalarias							
Nodos	Tiempo_Medio_Llegada	Tiempo_Medio_Servicio	Número_Servidores	Factor_Utilización	Tiempo_Medio_Cola	Tiempo_Medio_Duración	Número_Medio_Pacientes_En_Cola	Número_Medio_Servidores_Ocupados
Triaje	0.1291667	2.972144	3	0.0144864	0.0000000	2.972144	0.0000000	0.0434591
Consulta	0.1187500	22.178707	7	0.0007649	0.1015534	22.280261	0.0175439	0.0053542
Exploración	0.0027778	14.563352	8	0.0000238	0.0000000	14.563352	0.0000000	0.0001907
Observación	0.0159722	30.065505	8	0.0000664	0.0000000	30.065505	0.0000000	0.0005312
RCP	0.0020833	15.856924	7	0.0000188	0.0000000	15.856924	0.0000000	0.0001314
UCI	0.0034722	2532.985239	20	0.0000001	0.0000000	2532.985239	0.0000000	0.0000014
Críticos	0.0062500	2005.778416	12	0.0000003	0.0000000	2005.778416	0.0000000	0.0000031
Quirofano	0.0041667	20.353811	6	0.0000341	0.0000000	20.353811	0.0000000	0.0002047
Planta	0.0131944	4987.087755	40	0.0000001	0.0000000	4987.087755	0.0000000	0.0000026
Alta	0.1159722	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
Sistema General	0.1291667	1069.874412	108	0.0001207	0.0112837	2835.332335	0.0019493	0.0130389

Tabla 5.2. Medidas de eficacia para el Escenario 1, subapartado 2. Fuente: Elaboración propia

Cuando el sistema se simula mediante una *saturación* de llegadas Baja pero cambiando las distribuciones de servicio, los tiempos medios de asociados a este rondan el valor 1069 minutos. Tanto los períodos entre llegadas como el número de servidores, son exactamente los mismo que en el subescenario 1 del primer apartado explicado en este capítulo. Todos los factores de utilización (grado de congestión) tienen un valor inferior a 0.05, lo cual permite decir, que no existen indicios de llenado.

Los únicos tiempos medios en cola existentes son los respecticos a consulta, que si se comparan con el subescenario anterior, se han visto ligeramente disminuidos. En estos resultados, existen un dato muy peculiar ya que los períodos promedios de servicio en la consulta son prácticamente idénticos a los anteriores, por lo que la distribución probabilística aplicada en este subapartado proporciona unas cifras casi idénticas.

Para el sistema en general, los parámetros elegidos no proporcionan una congestión del servicio, pero si, unos tiempos de duración elevados, ya que de media el paciente estará dentro del sistema unos 2835 minutos. Sin embargo, el número promedio de sujetos que están esperando a ser atendidos en las distintas colas del sistema serán 0.001 por minuto, es decir, prácticamente nadie tendrá que hacer cola para ser atendido.

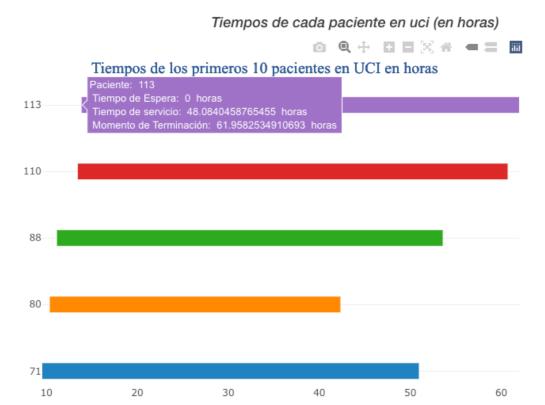


Figura 5.5. Tiempos de servicio en UCI escenario 1.2 Fuente: Elaboración propia

Como se puede observar en la Figura 5.5, los 5 primeros pacientes en entrar a la UCI lo hacen antes de las 9 horas desde haber inicializado el *simulador*. La pestaña que está abierta en dicha figura corresponde al paciente número 113, que espera 0 minutos en cola y es servido en aproximadamente 48 horas de operación. Por tanto, este cliente llegó a las 13 horas al nodo.

La longitud de las barras indica el tiempo de duración de los pacientes dentro de la UCI. Por lo tanto, a mayor longitud de estas, mayor será el tiempo que permanecerán en el eje. Cada individuo se identifica mediante un color y se ordenan en función al tiempo de llegada. Es por eso, que el primer sujeto en ser atendido es el 71 y posteriormente será el 80 y así sucesivamente.

A continuación se procede a la explicación del último subescenario del apartado 1. Este tiene la peculiaridad del cambio del número de servidores en cada nodo, es por eso por lo que se muestra la siguiente figura.

Medidas de eficacia del sistema de urgencias hospitalarias

Nodos	$Tiempo_Medio_Llegada$	$Tiempo_Medio_Servicio$	Número_Servidores	Factor_Utilización	$Tiempo_Medio_Cola$	Tiempo_Medio_Duración	Número_Medio_Pacientes_En_Cola	Número_Medio_Servidores_Ocupados
Triaje	0.1291667	2.972144	2	0.0217295	0.0296191	3.001763	0.0322581	0.0434591
Consulta	0.1187500	22.178707	6	0.0008924	0.1942060	22.372913	0.0350877	0.0053542
Exploración	0.0027778	14.563352	5	0.0000381	0.0000000	14.563352	0.0000000	0.0001907
Observación	0.0159722	30.065505	10	0.0000531	0.0000000	30.065505	0.0000000	0.0005312
RCP	0.0020833	15.856924	3	0.0000438	0.0000000	15.856924	0.0000000	0.0001314
UCI	0.0034722	2532.985239	10	0.0000001	0.0000000	2532.985239	0.0000000	0.0000014
Críticos	0.0062500	2005.778416	16	0.0000002	0.0000000	2005.778416	0.0000000	0.0000031
Quirofano	0.0041667	20.353811	4	0.0000512	0.0000000	20.353811	0.0000000	0.0002047
Planta	0.0131944	4987.087755	60	0.0000000	0.0000000	4987.087755	0.0000000	0.0000026
Alta	0.1159722	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
Sistema General	0.1291667	1069.874412	114	0.0001207	0.0248694	2835.348830	0.0074829	0.0137633
Nota 1: Tiempo en minutos								

Tabla 5.3. Medidas de eficacia para el Escenario 1, subapartado 3. Fuente: Elaboración propia.

En el caso de la baja tasa media de llegadas de los pacientes al sistema, con distribuciones probabilísticas distintas en los 4 bloques y el cambio de número de servidores disponibles en el día de la simulación, se obtienen prácticamente los mismos datos que en los dos supuestos anteriores.

En este caso, el único nodo repercutido ha sido triaje, ya que en los casos antiguos no existen cola alguna y en este el tiempo medio que ha de esperar un cliente en de 0.03 minutos, prácticamente 0.

Analizados los tres subescenarios del apartado 1, se procede a la explicación de los resultados obtenidos mediante una tasa de llegadas según una distribución Poisson con parámetro $\lambda = 0.25$. Dicho supuesto se ha llamado nivel de *saturación* Medio.

Medidas de eficacia del sistema de urgencias hospitalarias

Nodos	Tiempo_Medio_Llegada	Tiempo_Medio_Servicio	Número_Servidores	Factor_Utilización	Tiempo_Medio_Cola	Tiempo_Medio_Duración	Número_Medio_Pacientes_En_Cola	Número_Medio_Servidores_Ocupados
Triaje	0.3076389	2.968353	3	0.0345465	0.0525871	3.02094	0.0564334	0.1036396
Consulta	0.2159722	22.266440	7	0.0013856	1.1733366	23.43978	0.2218650	0.0096994
Exploración	0.0541667	14.902885	8	0.0004543	0.0000000	14.90288	0.0000000	0.0036346
Observación	0.0888889	29.067962	8	0.0003822	0.0000000	29.06796	0.0000000	0.0030580
RCP	0.0027778	15.428181	7	0.0000257	0.0000000	15.42818	0.0000000	0.0001800
UCI	0.0736111	318.646460	20	0.0000116	131.9070477	450.55351	0.6509434	0.0002310
Críticos	0.0937500	194.738192	12	0.0000401	364.1967652	558.93496	0.9111111	0.0004814
Quirofano	0.0284722	21.571207	6	0.0002200	0.0000000	21.57121	0.0000000	0.0013199
Planta	0.1909722	1005.027051	40	0.0000048	2142.0987254	3147.12578	0.8545455	0.0001900
Alta	0.1166667	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
Sistema General	0.3076389	180.183153	108	0.0017074	293.2698291	1936.06464	0.2994331	0.1843957

Tabla 5.4. Medidas de eficacia para el Escenario 2, subapartado 1. Fuente: Elaboración propia.

Nota 1: Tiempo en minuto

Cuando el sistema se simula mediante una saturación de llegadas Media, los tiempos entre llegadas de los pacientes rondan el valor 0.3. Dicho valor significa que cada minuto que transcurre 0.3 son los nuevos pacientes que entran al sistema. Tanto los períodos medios de servicio como el número de servidores son exactamente los mismo que en el subescenario 1. Todos los factores de utilización (grado de congestión) tienen un valor inferior a 0.05, lo cual permite decir, que no existen indicios de llenado en los nodos.

Los tiempos medios en cola tanto de la planta como de críticos, se han visto incrementados. En este escenario, el período que pasará en cola un paciente si quiere ser atendido en planta y resulta que no existe disponibilidad de camas, será de 2142 minutos. En cuanto a críticos, este tiempo es menor, llegando a esperar de media 364 minutos.

Para el sistema en general, los parámetros elegidos no proporcionan una congestión del servicio, pero si, unos tiempos de espera elevados, ya que de media el paciente espera unos 290 minutos. Sin embargo, el número promedio de individuos que están esperando a ser atendidos en las distintas colas del sistema serán 0.29 por minuto.

Saturación de la Planta durante 24 horas

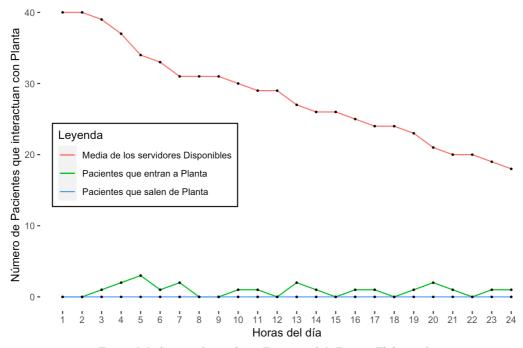


Figura 5.6. Saturación en planta Escenario 2.1. Fuente: Elaboración propia.

En cuanto a la saturación de la planta durante un período de 24 horas, se puede decir que es a partir de las 3 horas desde la inicialización de la simulación que la disponibilidad media de camas va disminuyendo. Esto se debe, a que siempre hay más pacientes que entrar en este nodo que salen, como se puede observar en la Figura 5.6. Además, este fenómeno también se puede demostrar mediante en análisis de los picos tanto de los usuarios que entran como los que salen. El punto máximo de entradas se da en el instante 4, mientras que el de salidas se da en el instante 0. En este último momento, hay que recalcar que como se "plotea" 24 horas y los tiempos de servicio que se dan en planta son como mínimo de 3 días, es por eso que no sale ningún paciente del sistema.



Figura 5.7. Duración de los 10 primeros pacientes en UCI Escenario 2.1. Fuente: Elaboración propia.

Como se puede observar en la Figura 5.7, los 10 primeros pacientes en entrar a la UCI lo hacen antes de las 2 horas desde haber inicializado el *simulador*. La pestaña que está abierta en dicha figura corresponde al paciente número 6, que espera 0 minutos en cola y es servido en aproximadamente 2 horas de operación. Por tanto, este cliente llegó a los 0.52 horas al nodo.

La longitud de las barras indica el tiempo de duración de los pacientes dentro del correspondiente nodo. Por lo tanto, a mayor longitud de estas, mayor será el tiempo que permanecerán en el eje. Cada paciente se identifica mediante un color y se ordenan en función al tiempo de llegada. Es por eso, que el primer individuo en ser atendido es el 2 y posteriormente será el 1 y así sucesivamente.

Como esta es la primera explicación del *escenario* 2, se procede a desarrollar los conceptos relacionados de las rutas que realizan los pacientes que salen de consulta (figura 5.8) y del sistema en general (figura 5.9).

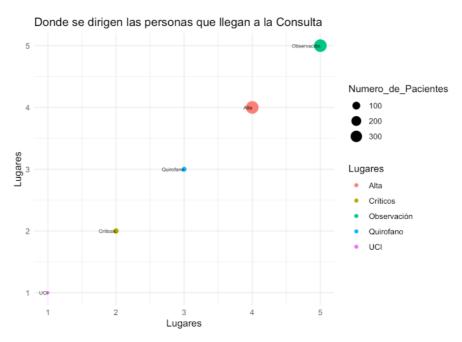


Figura 5.8. Rutas de los pacientes originados en Consulta para el Escenario 2.1. Fuente: Elaboración propia.

En la Figura 5.8, se expone la cantidad de pacientes que realizan las 5 posibles rutas provenientes de consulta. Se puede decir, que el camino más transitado es alta, acompañado de observación. El lugar, cuyo tamaño de círculo indica una cantidad pequeña de individuos, es quirófano y UCI.

Grafo con los porcentajes de translados de los pacientes

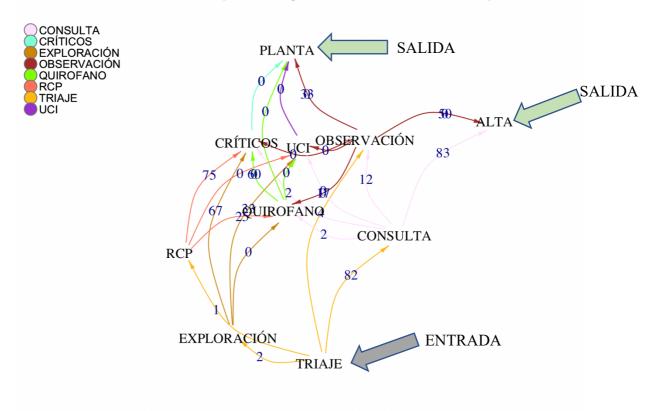


Figura 5.9. Grafo del sistema de urgencias hospitalarias Escenario 2.1. Fuente: Elaboración propia

Como se observa en la figura 5.9, se han calculado los porcentajes de pacientes que se dirigen de un nodo a otro. La flecha de color gris, indica el único punto de entrada al sistema. Por el otro lado, las dos flechas verdes recalcan las salidas de urgencias. Un ejemplo de la interpretación del presente gráfico seria que el 83% de los pacientes que salen de consulta acaban siendo derivados a alta, el 12% a observación, el 2% a críticos, el 2% a quirófano y solamente el 1% de los individuos a UCI.

Además, se puede concluir que dependiendo de las tasas de llegada de los escenarios, los porcentajes de los distintos caminos variaran, ya que en la figura 5.4 el 84% de los pacientes que entraban al sistema eran redirigidos a consulta y, en el caso del segundo *escenario* 1 subescenario, este porcentaje es del 82%.

Para el segundo subescenario del apartado 2, se van a utilizar una serie de distribuciones probabilísticas distintas para los bloques que componen el sistema como se ha explicado en el capítulo 5.1. En este caso, se expondrán las medidas de eficacia y la *saturación* en UCI.

Las cifras obtenidas gracias a la aplicación de la *teoría de colas* en esta simulación se encuentran en la siguiente figura.

	Medidas de eficacia del sistema de urgencias hospitalarias								
Nodos	Tiempo_Medio_Llegada	Tiempo_Medio_Servicio	Número_Servidores	Factor_Utilización	Tiempo_Medio_Cola	Tiempo_Medio_Duración	Número_Medio_Pacientes_En_Cola	Número_Medio_Servidores_Ocupados	
Triaje	0.3076389	2.968353	3	0.0345465	0.0525871	3.02094	0.0564334	0.1036396	
Consulta	0.2861111	22.296737	7	0.0018331	21.8709694	44.16771	0.7208738	0.0128320	
Exploración	0.0062500	14.609527	8	0.0000535	0.0000000	14.60953	0.0000000	0.0004278	
Observación	0.0465278	29.686250	8	0.0001959	0.0000000	29.68625	0.0000000	0.0015673	
RCP	0.0027778	15.126801	7	0.0000262	0.0000000	15.12680	0.0000000	0.0001836	
UCI	0.0048611	2153.914897	20	0.0000001	0.0000000	2153.91490	0.0000000	0.0000023	
Críticos	0.0180556	2013.135967	12	0.0000007	816.7401109	2829.87608	0.5384615	0.0000090	
Quirofano	0.0125000	18.790374	6	0.0001109	0.0000000	18.79037	0.0000000	0.0006652	
Planta	0.0375000	3464.152375	40	0.0000003	0.0000000	3464.15237	0.0000000	0.0000108	
Alta	0.2701389	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	
Sistema General	0.3076389	859.079214	108	0.0003581	93.1848519	2088.85529	0.1461965	0.0386751	

Tabla 5.5. Medidas de eficacia para el Escenario 2.2. Fuente: Elaboración propia.

Nota 1: Tiempo en minutos

Observando la tabla 5.5, se puede observar que aplicando las distribuciones explicadas en el capítulo 1 de este proyecto, los tiempos medios en cola cambian drásticamente. Anteriormente, en planta existía un período de espera muy elevado, sin embargo, este parece ser que se ha trasladado a críticos. Resulta especial el número medio de pacientes que esperarán en cola con el sistema actual. De una simulación a otra ha habido una diferencia significativa, ya que se ha pasado de 0 personas de promedio en cola a 0.53 por minuto en este nodo.

Si los nodos, consulta y críticos, reciben gran afluencia de personas e incluso al borde de la congestión, el sistema en su conjunto no se ve repercutido, ya que sus números medio de servidores ocupados es de 0.03 y su factor de utilización es inferior a 0.001.

Tiempos de los primeros 10 pacientes en UCI en horas



Figura 5.10. Tiempos de servicio en UCI escenario 2.2. Fuente: Elaboración propia.

Como se ha mencionado anteriormente, la UCI no está congestionada en este escenario, en el que las llegadas siguen una distribución Poisson de $\lambda=0.25$ y sus tiempos de servicio siguen 5 distribuciones diferentes. Este nodo está dotado de 20 camas, pues bien, en todo un día solo se han utilizado 7.

El primer paciente en llegar a UCI es el 31, con un tiempo de espera de 0 horas, como se ha estipulado anteriormente, y su tiempo de servicio es de 27 horas. Como llega pasadas las 2 horas, este individuo es finalmente operado a las 29 horas.

A continuación se procede a la explicación del 3 y último subescenario del segundo apartado. Este tiene la peculiaridad del cambio del número de servidores en cada nodo, es por eso por lo que se muestra la siguiente tabla.

Medidas de eficacia del sistema de urgencias hospitalarias

Nodos	Tiempo_Medio_Llegada	Tiempo_Medio_Servicio	Número_Servidores	Factor_Utilización	Tiempo_Medio_Cola	Tiempo_Medio_Duración	Número_Medio_Pacientes_En_Cola	Número_Medio_Servidores_Ocupados
Triaje	0.3076389	2.968353	2	0.0518198	0.4257289	3.394082	0.2708804	0.1036396
Consulta	0.2861111	22.296737	6	0.0021387	70.9801645	93.276901	0.9635922	0.0128320
Exploración	0.0062500	14.609527	5	0.0000856	0.0000000	14.609527	0.0000000	0.0004278
Observación	0.0465278	29.686250	10	0.0001567	0.0000000	29.686250	0.0000000	0.0015673
RCP	0.0027778	15.126801	3	0.0000612	0.0000000	15.126801	0.0000000	0.0001836
UCI	0.0048611	2153.914897	10	0.0000002	0.0000000	2153.914897	0.0000000	0.0000023
Críticos	0.0180556	2013.135967	16	0.0000006	395.8682608	2409.004228	0.3846154	0.0000090
Quirofano	0.0125000	18.790374	4	0.0001663	0.0000000	18.790374	0.0000000	0.0006652
Planta	0.0375000	3464.152375	60	0.0000002	0.0000000	3464.152375	0.0000000	0.0000108
Alta	0.2701389	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
Sistema General	0.3076389	859.079214	114	0.0003581	51.9193505	2089.047662	0.1798987	0.0408237

Nota 1: Tiempo en minutos

Tabla 5.6. Medidas de eficacia para el Escenario 2.3. Fuente: Elaboración propia.

En el caso de la Media tasa promedio de llegadas de los pacientes al sistema, con distribuciones probabilísticas distintas en los 4 bloques y el cambio de número de servidores disponibles en el día de la simulación, se obtienen prácticamente los mismos datos que en los dos supuestos anteriores.

En este caso, ha habido una mejoría respecto al subescenario 2, ya que se ha conseguido disminuir el tiempo medio en cola de críticos y, por ende, el número promedio de pacientes en cola, siendo ahora de 0.34 por minuto

Explicados los tres subescenarios del segundo apartado, se procede a la explicación de los resultados obtenidos mediante una tasa de llegadas según una distribución Poisson con parámetro $\lambda=0.5$. Dicho medio se ha llamado nivel de congestión Saturado.

Medidas de eficacia del sistema de urgencias hospitalaria

Nodos	Tiempo_Medio_Llegada	Tiempo_Medio_Servicio	Número_Servidores	Factor_Utilización	Tiempo_Medio_Cola	Tiempo_Medio_Duración	Número_Medio_Pacientes_En_Cola	Número_Medio_Servidores_Ocupados
Triaje	0.5555556	3.039191	3	0.0609324	0.507039	3.546229	0.3162500	0.1827972
Consulta	0.4034722	22.540520	7	0.0025571	195.546378	218.086898	0.9862306	0.0178999
Exploración	0.0840278	15.126126	8	0.0006944	0.000000	15.126126	0.0000000	0.0055551
Observación	0.1562500	29.341881	8	0.0006656	0.553985	29.895866	0.0977778	0.0053252
RCP	0.0027778	13.653590	7	0.0000291	0.000000	13.653590	0.0000000	0.0002034
UCI	0.1291667	315.197071	20	0.0000205	519.711025	834.908096	0.8817204	0.0004098
Críticos	0.1770833	188.582148	12	0.0000783	1111.865654	1300.447802	0.9529412	0.0009390
Quirofano	0.0472222	22.899893	6	0.0003437	0.000000	22.899893	0.0000000	0.0020621
Planta	0.3423611	952.480671	40	0.0000090	3792.495706	4744.976377	0.9188641	0.0003594
Alta	0.2131944	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
Sistema General	0.555556	173.313545	108	0.0032055	624.519976	2739.375650	0.4615316	0.3461934

Tabla 5.7. Medidas de eficacia para el Escenario 3.1. Fuente: Elaboración propia.

Observando la tabla 5.7, se puede decir con rotundidad que se trata del modelo Saturado ya que los tiempos promedio en cola son exageradamente elevados. Un ejemplo de este es que para que un paciente puede ser atendido en la consulta, de media debe esperar 195 minutos.

Otro indicador que sugiere una congestión elevada es el número medio de clientes en cola, como por ejemplo en la UCI, que habrán 0.88 individuos por minuto. Es por esta razón que los tiempos medios de duración en cada uno de los nodos son extremadamente cuantiosos.

Tanto los tiempos promedios de servicio como el número de servidores en los 9 nodos del sistema, son exactamente los mismos que los dos primeros subescenarios de los 2 apartados explicados anteriormente en este capítulo.

Si se analiza el sistema en general, se puede decir que los tiempos de llegada al sistema son bastantes grandes, ya que por cada minuto que pase entrarán 0.55 pacientes. El nivel de congestión global es de 0.003 que en un principio se puede extraer la conclusión que el servicio de urgencias no está saturado, pero eso es erróneo porque si se tiene en cuenta los tiempos medios de espera y la cantidad promedio de usuarios en cola se deduce que el hospital está bastante saciado.

Esa congestión mencionada anteriormente, se ve reflejada en el siguiente gráfico que muestra las fluctuaciones de los pacientes que entran y salen de la planta durante solo 38 horas.

Saturación de la Planta durante 24 horas

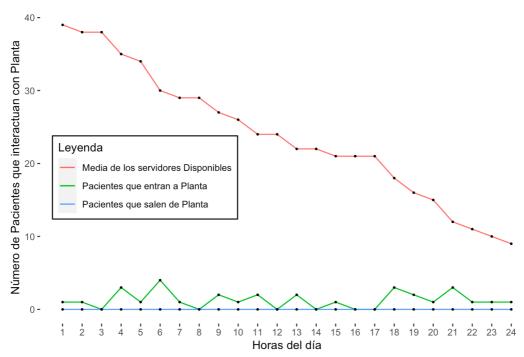


Figura 5.11. Saturación en planta Escenario 3.1. Fuente: Elaboración propia.

En esta representación gráfica, se observa que a partir de las 1 horas desde la inicialización del *simulador*, los servidores medios disponibles optan el valor de 29 Esto se debe a la gran *saturación* que ha soportado el *sistema de urgencias* en este *escenario*. A partir de este instante, los servidores medios disponibles van disminuyendo hasta alcanzar al final del día la cantidad de 10.

Respecto a las fluctuaciones tanto de los pacientes que se incorporan como los que se evaden de planta, existe un patrón muy peculiar. En los instantes 10,14,26 y 36 se observa que estas oscilaciones están relacionadas negativamente, es decir, cuando existen pacientes que salen del nodo, en el mismo momento se produce una llegada insólita de individuos. Sin embargo, como únicamente se ha "ploteado" 24 horas, el total de salidas de este nodo es 0.

Con el gráfico de la figura 5.11, hay que ir con meticulosidad a la hora de realizar interpretaciones ya que si por alguna casualidad el número de pacientes que entrar y salen son valores inferiores a 5 y el número medio de servidores disponibles es 0, no significa que el algoritmo matemático encargado de realizar dicho gráfico este defectuoso. Esta

situación se debe a que en la figura no hay una variable que representa en el instante t cuantos pacientes están siendo atendidos.

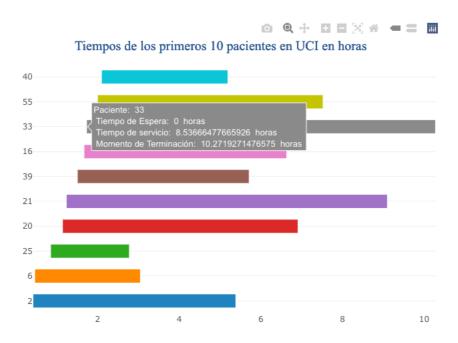


Figura 5.12. Duración de los 10 primeros pacientes en UCI Escenario 3.1. Fuente: Elaboración propia.

Observando la figura 5.12, se puede concluir que los 10 primeros pacientes en acudir a la UCI en el *escenario* 3, cuya tasa de servicio se considera saturada, se encuentran dentro del estándar visto hasta la actualidad, es decir, en todos los *escenarios* analizados anteriormente, los diez individuos siempre han llegado a las primeras dos horas de inicio de la simulación.

El tiempo de duración más extenso corresponde al paciente con ID 33. Este ha estado siendo servido un período de 8.5 horas. Sin embargo, el sujeto con identificación 25, es el que posee menor tiempo de duración ya que está siendo servido 1.91 horas y no tiene que realizar una cola ya que es el tercero en entrar y la UCI está compuesta 20 servidores.

Donde se dirigen las personas que llegan a la Consulta

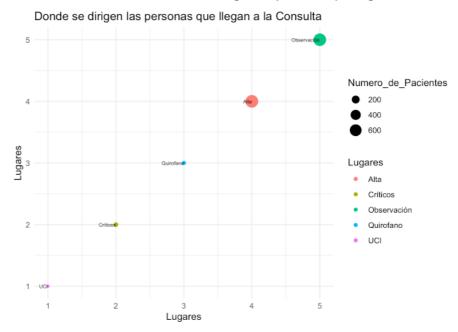


Figura 12. Rutas de los pacientes originados en Consulta para el Escenario 3.1. Fuente: Elaboración propia.

En el anterior gráfico, figura 5.13, se observa la cantidad de pacientes que realizan las 5 posibles rutas provenientes de consulta. Se puede decir, que el camino más transitado es alta, acompañado de observación. El lugar, cuyo tamaño de círculo indica una cantidad pequeña de individuos, es UCI. Para una correcta interpretación del gráfico, se ha ordenador de menor a mayor valor de transiciones en los nodos.

Grafo con los porcentajes de translados de los pacientes

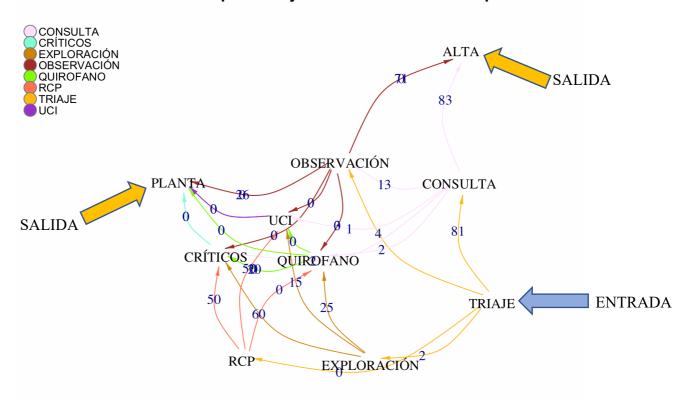


Figura 5.14. Grafo del sistema de urgencias hospitalarias para el Escenario 3.1. Fuente: Elaboración propia.

Como se observa en la figura 5.14, se han calculado los porcentajes de pacientes que se dirigen de un nodo a otro. La flecha de color azul, indica el único punto de entrada al sistema. Por el otro lado, las dos flechas amarillas recalcan las salidas de urgencias. Un ejemplo de la interpretación del presente gráfico seria que el 60% de los pacientes que salen de exploración acaban siendo derivados a críticos, el 25% a quirófano y el 15% de los individuos a observación.

Además, se puede concluir que dependiendo de las tasas de llegada de los escenarios, los porcentajes de los distintos caminos variaran, ya que en la figura 5.4 el 84% de los pacientes que entraban al sistema eran redirigidos a consulta, en el caso de la figura 5.9 el porcentaje es del 82% y, en el supuesto de que las tasas de llegada al sistema de urgencias siguen una distribución Poisson con parámetro $\lambda = 0.5$, es del 81%.

Para el 2 subescenario del tercer apartado, se van a utilizar una serie de distribuciones probabilísticas distintas para los bloques que componen el sistema como se ha explicado en el capítulo 5.1. En este caso, se expondrán las medidas de eficacia y la *saturación* en UCI.

Las cifras obtenidas gracias a la aplicación de la *teoría de colas* en esta simulación se encuentran en la siguiente tabla.

Medidas de eficacia del sistema de urgencias hospitalarias										
Nodos	Tiempo_Medio_Llegada	Tiempo_Medio_Servicio	Número_Servidores	Factor_Utilización	Tiempo_Medio_Cola	Tiempo_Medio_Duración	Número_Medio_Pacientes_En_Cola	Número_Medio_Servidores_Ocupados		
Triaje	0.5555556	3.039191	3	0.0609324	0.507039	3.546229	0.3162500	0.1827972		
Consulta	0.5145833	22.603701	7	0.0032522	463.376040	485.979741	0.9905533	0.0227654		
Exploración	0.0138889	14.929315	8	0.0001163	0.000000	14.929315	0.0000000	0.0009303		
Observación	0.0902778	29.582535	8	0.0003815	0.000000	29.582535	0.0000000	0.0030517		
RCP	0.0027778	15.867485	7	0.0000250	0.000000	15.867485	0.0000000	0.0001751		
UCI	0.0125000	2414.497924	20	0.0000003	0.000000	2414.497924	0.0000000	0.0000052		
Críticos	0.0250000	2113.162493	12	0.0000010	1450.742411	3563.904904	0.6666667	0.0000118		
Quirofano	0.0201389	19.664012	6	0.0001707	0.000000	19.664012	0.0000000	0.0010241		
Planta	0.0652778	4496.870583	40	0.0000004	790.309399	5287.179982	0.4787234	0.0000145		
Alta	0.4902778	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA		
Sistema General	0.555556	1014.130894	108	0.0005478	300.548321	3007.976350	0.2724659	0.0591640		

Tabla 5.8. Medidas de eficacia para el Escenario 3.2. Fuente: Elaboración propia.

Observando la tabla 5.8, se puede observar que aplicando las distribuciones explicadas en el capítulo 1 de este proyecto, los tiempos medios en cola cambian drásticamente. Anteriormente, en planta existía un período de espera muy elevado, sin embargo, este parece ser que se ha trasladado a críticos. Resulta especial el número promedio de pacientes que esperarán en cola con el sistema actual. De una simulación a otra ha habido una diferencia significativa, ya que se ha pasado de 0.95 persones de media en cola a 0.67 por minuto en este nodo. Por lo tanto con las distribuciones elegidas se han conseguido bajar los tiempos y el número medio de clientes en cola en planta pero no en críticos.

Si los nodos, consulta y críticos, reciben gran afluencia de personas e incluso al borde de la congestión, el sistema en su conjunto no se ve repercutido, ya que sus números medio de servidores ocupados es de 0.06 y su factor de utilización es inferior a 0.001.

Tiempos de los primeros 10 pacientes en UCI en horas

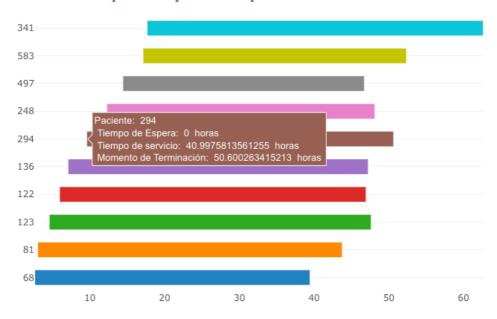


Figura 5.15. Tiempos de servicio en UCI escenario 3.2. Fuente: Elaboración propia.

Como se ha mencionado anteriormente, la UCI no está congestionada en este escenario, en el que las llegadas siguen una distribución Poisson de $\lambda=0.5$ y sus tiempos de servicio siguen 5 distribuciones diferentes. Este nodo está dotado de 20 camas, pues bien, en todo un día solo se han utilizado 10.

El sexto paciente en llegar a UCI es el 294, con un tiempo de espera de 0 horas, como se ha estipulado anteriormente, y su tiempo de servicio es de 40 horas. Como llega pasadas las 9 horas, este sujeto es finalmente operado a las 50 horas.

A continuación se procede a la explicación del 3 y último subescenario del tercer apartado. Este tiene la peculiaridad del cambio del número de servidores en cada nodo, es por eso por lo que se muestra la siguiente tabla.

Medidas de eficacia del sistema de urgencias hospitalarias

Nodos	Tiempo_Medio_Llegada	Tiempo_Medio_Servicio	Número_Servidores	Factor_Utilización	Tiempo_Medio_Cola	Tiempo_Medio_Duración	Número_Medio_Pacientes_En_Cola	Número_Medio_Servidores_Ocupados
Triaje	0.5555556	3.039191	2	0.0913986	4.785269	7.824459	0.8000000	0.1827972
Consulta	0.5145833	22.603701	6	0.0037942	656.789910	679.393612	0.9919028	0.0227654
Exploración	0.0138889	14.929315	5	0.0001861	0.000000	14.929315	0.0000000	0.0009303
Observación	0.0902778	29.582535	10	0.0003052	0.000000	29.582535	0.0000000	0.0030517
RCP	0.0027778	15.867485	3	0.0000584	0.000000	15.867485	0.0000000	0.0001751
UCI	0.0125000	2414.497924	10	0.0000005	339.077834	2753.575758	0.4444444	0.0000052
Críticos	0.0250000	2113.162493	16	0.0000007	737.858167	2851.020660	0.555556	0.0000118
Quirofano	0.0201389	19.664012	4	0.0002560	0.000000	19.664012	0.0000000	0.0010241
Planta	0.0652778	4496.870583	60	0.0000002	0.000000	4496.870583	0.0000000	0.0000145
Alta	0.4902778	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
Sistema General	0.555556	1014.130894	114	0.0005478	193.167909	2614.885158	0.3102114	0.0624508

Nota 1: Tiempo en minutos

Tabla 5.9. Medidas de eficacia para el Escenario 3.3. Fuente: Elaboración propia.

En el caso de la Saturada tasa promedio de llegadas de los pacientes al sistema, con distribuciones probabilísticas distintas en los 4 bloques y el cambio de número de servidores disponibles en el día de la simulación, se obtienen prácticamente los mismos datos que en los dos supuestos anteriores.

En este caso, ha habido una mejoría respecto al subescenario 2, ya que se ha conseguido disminuir el tiempo medio en cola de críticos y, por ende, el número promedio de pacientes en cola, siendo ahora de 0.55 por minuto

Por consiguiente, gracias a los resultados obtenidos en los 9 escenarios anteriores, cada uno de ellos con tasas de llegadas de las pacientes distintas, se puede realizar una comparación de las medidas de eficacia del modelo de colas, para poder concluir que dimensionamiento es el óptima para los recursos disponibles.

Dichas comparaciones se construyen en base a los subescenarios simulados, es decir, se dimensionan tres tablas en las que se encontraran las cifras calculadas del *Escenario1*, *Escenario2*, *Escenario3* agrupadas por los subapartados. Para entender mejor estos supuestos, se proceden a explicar.

Medidas de eficacia para el sistema general con los Subescenearios 1

	Tiempo_Medio_Llegadas	Factor_Utilización	Tiempo_Medio_en_Cola	Número_Medio_Pacientes_en_Cola	Número_Medio_Servidores_Ocupados
Escenario1	0.1291667	0.0000948	0.0121928	0.0194939	0.0124220
Escenario2	0.3076389	0.0017674	293.2698291	0.2994331	0.1843957
Escenario3	0.555556	0.0032055	624.5199760	0.4615316	0.3461934

Nota 1: Tiempo en minutos

Tabla 5.10. Comparación Subescenarios 1. Fuente: Elaboración propia.

En la tabla 5.10, están representadas aquellas medidas de eficacia de modelos de colas que se han calculado mediante la simulación de los diferentes subescenarios 1. En general, a mayor *saturación* del sistema, es decir, del *Escenario* 1 al 3, mayor será el tiempo medio de llegadas al sistema, pasando de 0.13 pacientes por minuto a un máximo de 0.55 por minuto.

A simple vista se observa que los factores de utilización poseen unos valores similares, pero esto no significa que el sistema no esté saturado, sino lo contrario. Como existen 9 nodos y en cada uno de ellos las cifras de estos parámetros varían bastante, la media es un poco dispar. Por lo que para poder decir de si se trata o no de un sistema congestionado se tendrá que hacer un análisis de las medidas restantes que se indican en la tabla 5.10.

Las últimas tres variables expuestas en la tabla anterior son las más importantes a la hora de realizar una correcta conclusión. Estas nos indican el tiempo medio que pasará un paciente dentro del sistema, cuantos sujetos habrá delante de él y cuál es el promedio de servidores dando servicio. Un ejemplo claro del aumento progresivo de las cifras de estas variables es el incremento en el tiempo promedio de espera en cola, ya que en el primer subescenario del apartado 1 se obtuvo que los individuos esperaban de media unos 0.012 minutos mientras que en el 1 subsescenario del apartado 3 se obtuvo una media de 624 minutos.

Por tanto, se demuestra que a mayor número de llegadas de pacientes al sistema, mayores serán los tiempos de espera, el número medio de servidores ocupados y la congestión del sistema de *urgencias hospitalarias*.

El siguiente aspecto por contrastar, son las medidas de eficacia del sistema en su totalidad que se coordinan con los subescenarios 2 de los 3 apartados/bloques simulados. En estos los tiempos de servicio se diversifican en 5 distribuciones: uniforme; triangular; beta; log-normal y Poisson, dejando las mismas cuantías de servidores que en el caso anterior.

Medidas de eficacia para el sistema general con los Subescenearios 2

	$Tiempo_Medio_Llegadas$	Factor_Utilización	$Tiempo_Medio_en_Cola$	Número_Medio_Pacientes_en_Cola	Número_Medio_Servidores_Ocupados
Escenario1	0.1291667	1e-04	0.0112837	0.0194939	0.0139283
Escenario2	0.3076389	2e-04	156.3855360	0.1461865	0.0323075
Escenario3	0.555556	4e-03	321.7786530	0.2535534	0.0531591

Nota 1: Tiempo en minutos

Tabla 5.11. Comparación Subescenarios 2. Fuente: Elaboración propia.

En la tabla 5.11, están representadas aquellas medidas de eficacia de modelos de colas que se han calculado mediante la simulación de los diferentes subescenarios 2. En general, a mayor *saturación* del sistema, es decir, del *Escenario* 1 al 3, mayor será el tiempo medio de llegadas al sistema, pasando de 0.13 pacientes por minuto a un máximo de 0.55 por minuto.

A simple vista se observa que los factores de utilización poseen unos valores similares, pero esto no significa que el sistema no esté saturado, sino lo contrario. Como existen 9 nodos y en cada uno de ellos las cifras de estos parámetros varían bastante, la media es un poco dispar. Por lo que para poder decir de si se trata o no de un sistema congestionado se tendrá que hacer un análisis de las medidas restantes que se indican en la tabla 5.11.

Las últimas tres variables expuestas en la tabla anterior son las más importantes a la hora de realizar una correcta conclusión. Estas nos indican el tiempo medio que pasará un paciente dentro del sistema, cuantos individuos habrá delante de él y cuál es el promedio de servidores dando servicio. Un ejemplo claro del aumento progresivo de las cifras de estas variables es el incremento en el tiempo promedio de espera en cola, ya que en el segundo subescenario del apartado 1 se obtuvo que los sujetos esperaban de media unos 0.01 minutos mientras que en el 2 subsescenario del apartado 3 se obtuvo una media de 321 minutos. La diferencia en este caso no es tan drástica como en la comparación anterior, pero sigue siendo una variabilidad muy elevada.

Por tanto, se demuestra que a mayor número de llegadas de pacientes al sistema, mayores serán los tiempos de espera, el número medio de servidores ocupados y la *congestión* del sistema de *urgencias hospitalarias*.

El siguiente aspecto por contrastar, son las medidas de eficacia del sistema en su totalidad que se coordinan con los subescenarios 3 de los tres bloques simulados. En estos los tiempos de servicio son los mismos que en caso anterior, sin embargo, los números de servidores disponibles en la inicialización del *simulador* son distintos, como ya se explicó en el capítulo 5.1.

Medidas de eficacia para el sistema general con los Subescenearios 3

	Tiempo_Medio_Llegadas	Factor_Utilización	Tiempo_Medio_en_Cola	Número_Medio_Pacientes_en_Cola	Número_Medio_Servidores_Ocupados
Escenario1	0.1291667	0.0001290	0.0248694	0.0748290	0.0147021
Escenario2	0.3076389	0.0002991	83.0612425	0.1798170	0.0340971
Escenario3	0.5555556	0.0049220	251.0472830	0.3102114	0.0561240

Nota 1: Tiempo en minutos

Tabla 5.12. Comparación Subescenarios 3. Fuente: Elaboración propia.

En la tabla 5.12, están representadas aquellas medidas de eficacia de modelos de colas que se han calculado mediante la simulación de los diferentes subescenarios 3. En general, a mayor *saturación* del sistema, es decir, del *Escenario* 1 al 3, mayor será el tiempo medio de llegadas al sistema, pasando de 0.13 pacientes por minuto a un máximo de 0.55 por minuto.

A simple vista se observa que los factores de utilización poseen unos valores similares, pero esto no significa que el sistema no esté saturado, sino lo contrario. Como existen 9 nodos y en cada uno de ellos las cifras de estos parámetros varían bastante, la media es un poco dispar. Por lo que para poder decir de si se trata o no de un sistema congestionado se tendrá que hacer un análisis de las medidas restantes que se indican en la tabla 5.12.

Las últimas tres variables expuestas en la tabla anterior son las más importantes a la hora de realizar una correcta conclusión. Estas nos indican el tiempo medio que pasará un paciente dentro del sistema, cuantos sujetos habrá delante de él y cuál es el promedio de servidores dando servicio. Un ejemplo claro del aumento progresivo de las cifras de estas variables es el incremento en el tiempo promedio de espera en cola, ya que en el tercer subescenario del apartado 1 se obtuvo que las personas esperaban de media unos 0.02 minutos mientras que en el 3 subsescenario del apartado 3 se obtuvo una media de 251 minutos. Esta diferencia es la menor respecto a las 3 comparaciones realizadas, por

lo que con las 5 distribuciones distintas y el cambio de la cantidad de servidores disponibles en la inicialización del sistema, se consigue unos menores tiempos de espera.

Sin embargo, se demuestra que a mayor número de llegadas de pacientes al sistema, mayores serán los tiempos de espera, el número medio de servidores ocupados y la congestión del sistema de *urgencias hospitalarias*.

Concluyendo con las múltiples comparaciones de la simulación, se propone una simulación de un mes entero, 31 días, mediante los 3 *escenarios* con los subapartados 1, ya que estos son los más habituales en urgencias.

Para este contraste se utilizará el algoritmo realizado, y la única modificación/diferencia que habrá que hacer es indicar en el parámetro "Días" la cantidad a simular. En la interfaz gráfica se pueden realizar las respectivas consultas de los pacientes, el grafo del sistema y las saturaciones en planta y en UCI.

En la figura 5.16 se expone el nivel de *saturación* que soporta planta en esta simulación en un entorno Bajo, es decir, con un λ de 0.1.

Saturación de la Planta durante 3 días

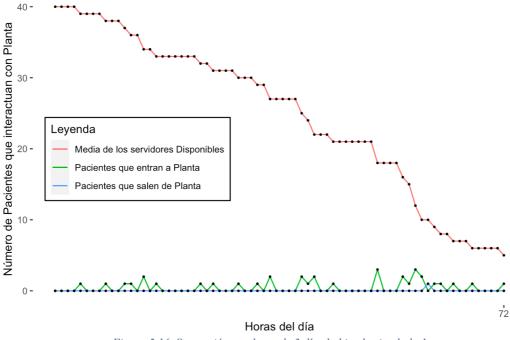


Figura 5.16. Saturación en planta de 3 días habiendo simulado 1 mes

Medidas de eficacia para el sistema general en el período de 31 días

	$Tiempo_Medio_Llegadas$	Factor_Utilización	Tiempo_Medio_en_Cola	Número_Medio_Pacientes_en_Cola	Número_Medio_Servidores_Ocupados
Escenario1	0.1291667	0.0000926	4280.667	0.2536347	0.0099987
Escenario2	0.3076389	0.0022191	17180.255	0.4047827	0.0236627
Escenario3	0.5555556	0.0039690	35981.420	0.4736210	0.0428610

Nota 1: Tiempo en minutos

Tabla 5.13. Medidas de eficacia para los 3 Escenarios período de 31 días. Fuente: Elaboración propia.

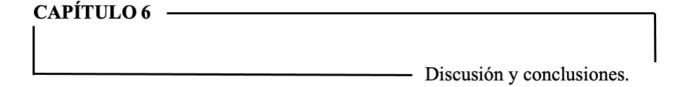
En la tabla 5.13, están representadas aquellas medidas de eficacia de modelos de colas que se han calculado mediante la simulación de los diferentes *escenarios*. En general, a mayor *saturación* del sistema, es decir, del *Escenario* 1 al 3, mayor será el tiempo medio de llegadas al sistema, pasando de 0.13 pacientes por minuto a un máximo de 0.55 por minuto.

A simple vista se observa que los factores de utilización poseen unos valores similares, pero esto no significa que el sistema no esté saturado, sino lo contrario. Como existen 9 nodos y en cada uno de ellos las cifras de estos parámetros varían bastante, la media es un poco dispar. Por lo que para poder decir de si se trata o no de un sistema congestionado se tendrá que hacer un análisis de las medidas restantes que se indican en la tabla 5.13.

Las últimas tres variables expuestas en la tabla anterior son las más importantes a la hora de realizar una correcta conclusión. Estas nos indican el tiempo medio que pasará un paciente dentro del sistema, cuantos usuarios habrá delante de él y cuál es el promedio de servidores dando servicio. Un ejemplo claro del aumento progresivo de las cifras de estas variables es el incremento en el tiempo promedio de espera en cola, ya que en el escenario 1 se obtuvo que los individuos esperaban de media unos 4280 minutos mientras que en el tercer escenario se obtuvo una media de 35981 minutos. Estos períodos son tan elevados ya que se está simulando un mes entero, y el algoritmo calcula la media de esos días. Además, se puede observar una gran diferencia de tiempos dependiendo de si se trata de un sistema de congestión Bajo, Medio o Saturado. Por otro lado, tanto el número medio de pacientes en cola como del promedio de servidores/camas ocupadas aumenta de forma constante en función del grado de saturación. A simple vista, se podría decir que 0.4 clientes esperando por minuto en cola no parece tan grave, pero si se da la casualidad de que esto le pasa a cualquier individuo que este leyendo este proyecto, se pondría nervioso y con principios de ansiedad.

En la figura 5.16, se puede observar que la *saturación* en planta cada vez que transcurre el tiempo empeora, por lo que se tendría que revisar el sistema interno de esta. Además, los pacientes que salen durante estos 3 días es 0. Por esa razón, la congestión del nodo empeora conforme aumenta el tiempo de simulación.

Por lo tanto, queda argumentado que a mayor número de llegadas de pacientes al sistema, mayores serán los tiempos de espera, el número medio de servidores ocupados y la congestión del sistema de *urgencias hospitalarias*.



Las listas de espera son uno de los principales problemas del sistema público sanitario español. Estas se crean inicialmente por la necesidad de planificación y por el uso incorrecto de los recursos disponibles. Es a partir de aquí, que la percepción de estabilidad de los pacientes se ve claramente dañada.

Por eso, el objetivo del presente proyecto era analizar por simulación un *servicio* de urgencias en un hospital. Para ello se desarrolló una herramienta para la toma de decisiones que permite analizar los tiempos de servicio de los pacientes que acuden a urgencias dependiendo de los parámetros que definan dicho servicio. Con esta herramienta se puede optimizar el diseño y dimensionamiento de las unidades que componen el servicio de *urgencias en un hospital*.

En este proyecto se explicó un ambiente de desarrollo para la modelización y simulación de redes de colas en un hospital que cuenta con una interfaz de usuario en el lenguaje R lo que permite obtener los resultados del simulador en cualquier sistema operativo. Esta simulación se fundamenta en un *simulador* de eventos que proporciona unos valores que hacen referencia a la *teoría de colas* mediante el uso de la generación de números aleatorios.

Mediante la herramienta informática establecida se ha podido crear 9 tipos de marcos en un hospital, además de la realización de 3 *escenarios* en un período de 31 días. Estas situaciones se han creado implementando distribuciones de llegada Poisson, y con 5 distribuciones a la hora de promulgar los tiempos de servicio en cada uno de los 9 nodos que componen el sistema de urgencias.

Los resultados obtenidos mediante este *simulador* proporcionan una visión del tráfico existente en el hospital, cuanto tiempo estará de media un individuo dentro de este y cuál es la *saturación* de aquellos nodos más importantes.

Independientemente, de las tasas de llegadas, es decir, del parámetro λ elegido, el factor de utilización del sistema en su conjunto nunca llega a sobrepasar los 0.01, lo que es una muy buena noticia. Sin embargo, los tiempos medios en cola y el número promedio de pacientes en espera si se ven repercutidos, ya que en un *escenario* Saturado estos períodos se disparan llegando a valores de incluso horas de espera. Los nodos más importantes para el análisis de la simulación son UCI y planta. En los marcos en que las tasas de llegada son bajas o medias y la simulación realizada es de únicamente un día, estas no se ven repercutidas, en cuanto a la *saturación* se refiere, pero si al tráfico de pacientes.

Sin embargo, cuando se simula un mes, estos dos ejes se ven sobrepasados, y se tendría que pensar sobre la disponibilidad de las camas, incluso fijando un número de servidores más elevado para evitar a toda costa esta congestión.

Por tanto, como esta herramienta no necesita un gran nivel de hardware, se podrían hacer simulaciones cada dos días para "predecir" si la planificación actual de cualquier hospital es capaz de soportar una gran afluencia de pacientes. Si en los hospitales, se sobrepone este algoritmo matemático, se observaría el nivel óptimo en camas tanto en UCI como en planta.

De la totalidad de las comparaciones realizadas se extrae la conclusión que la saturación del hospital en general es muy complicada que se dé, pero la congestión en los nodos es más fácil que ocurra. Los ejes que se han visto más repercutidos son consulta, críticos, UCI y planta. Por lo que el director del sistema hospitalario tendrá que realizar una gestión más compleja y efectiva del sistema de *urgencias hospitalarias* que tutela.

Por último, hay que matizar que existe trabajo futuro a la hora de realizar un sistema de urgencias más complejo. Al final, cuantas más interacciones haya entre los distintos nodos mayor será la precisión de los resultados obtenidos en el *simulador* en comparación a la vida real. De la misma forma, la interfaz de usuario se podría ver mejorada, creando una aplicación en el propio ordenador, que se encarga de obtener una serie de inputs e imprimir los resultados en pocos minutos. Esta "app" estaría en los ordenadores de los responsables de la planificación y gestión del sistema de *urgencias hospitalarias*.

CAPÍTULO 7 Bibliografía.

- [1] P. Borja Velázquez Martí. Aplicación de modelos de teoría de colas a la gestión asistencial en los centros de salud. *Universidad Técnica de Ambato*, 2017
- [2] P. Ricardo Cao Abad. Introducción a la Simulación y a la Teoría de Colas. *Facultad de Informática. Universidad de Coruña.* 2002.
- [3] P. José León Paniagua. Unidad de urgencias hospitalaria. *Instituto de salud Carlos III, Madrid, 2016*
- [4] P. Frank Kronthaler. Data Analysis with RStudio. 2020
- [5] P. François Chollet. Deep learning with R. 2018

CAPÍTULO 8 Anexo.

Se comparte de forma libre el código empleado en *Rstudio* para los cálculos pertinentes en este proyecto.

```
install.packages("ggplot2")
install.packages("tidyverse")
install.packages("plotly")
install.packages("ggraph")
install.packages("ggthemes")
install.packages("dplyr")
install.packages("igraph")
install.packages("pander")
install.packages("shiny")
install.packages("quantmod")
install.packages("DT")
install.packages("kableExtra")
install.packages("gt")
install.packages("WriteXLS")
install.packages("triangle")
######## CARGAMOS LAS LIBRERÍAS NECESARIAS ######################
library(ggplot2)
library(tidyverse)
library(plotly)
library(ggraph)
library(ggthemes)
library(dplyr)
library(igraph)
library(pander)
library(shiny)
library(quantmod)
library(DT)
library(kableExtra)
library(gt)
library(WriteXLS)
library(triangle)
Días<- 1
Escenario<- 3 #1=Bajo; 2=Medio; 3=Saturado
Disponible Tri<- 3 #Número de Servidores para TRIAJE #2 #3
Disponible Con<- 7 #Número de Servidores para CONSULTA #6 #7
Disponible Exp<- 8 #Número de Servidores para EXPLORACIÓN #5 #8
Disponible RCP<- 7 #Número de Servidores para RCP # 3 #7
Disponible Obs<- 8 #Número de Servidores para OBSERVACIÓN #10 #8
Disponible_QUI<- 6 #Número de Servidores para QUIROFANO #4 #6
Disponible_CRI<- 12 #Número de Servidores para CRÍTICOS #16 #12
```

```
Disponible_UCI<- 20 #Número de Servidores para UCI #10 #20
S Disponible PLA2<- 40 #Número de Servidores para PLANTA #60 #40
###
if(Escenario==1){
  lambda=0.1
  Escenarios<- "BAJO"
if(Escenario==2){
  lambda=0.25
  Escenarios<- "MEDIO"
if(Escenario==3){
 lambda=0.5
 Escenarios<- "SATURADO"
}
Tipo_Escenario<- data.frame(Tipo_Escenario=Escenarios, Lambda=lambda)</pre>
set.seed(57)
t<- 1440*Días
clientes<- round(rpois(1:100,lambda)) #Dist Poisson</pre>
nclientes<- NULL
data<- NULL
Pacientes<- 0
Pos<- 0
si<-0
Tiempo_Entre_Llegadas<- 0
Momento Llegada<- 0
for (i in 1:t) {
 #Para cada minuto que pase cuantos clientes llegan
 nclientes[i]<- c(sample(clientes,1))</pre>
 Pos[i]<- i
 #TIEMPO ENTRE LLEGADAS DE LOS DIFERENTES PACIENTES
 #Para saber que clientes llegan en cada minuto. MOMENTO DE LLEGADA
  si[i]<- nclientes[i]</pre>
  if (i==1){
    if (si[i]>1){
      Momento_Llegada[i:si[i]]<- Pos[i]</pre>
    }
  }
  if(i>1){
    if (si[i]>1){
      Momento Llegada[length(Momento Llegada)+nclientes[i-1]+1:si[i]]<
- Pos[i]
    if (si[i]==1){
     Momento Llegada[length(Momento Llegada)+nclientes[i-1]+si[i]]<-</pre>
Pos[i]
```

```
Momento_Llegada<- na.omit(Momento_Llegada)</pre>
  #Tiempo entre llegadas
  for (k in 1:length(Momento Llegada)) {
    Tiempo Entre Llegadas[1]<- 0
    if(k>1){
      Tiempo Entre Llegadas[k]<- Momento Llegada[k]-Momento Llegada[k-
1]
      i<- i +1
    }
  Tiempo_Entre_Llegadas
#Declaración de nuevas variables
Clientes_prioridad<- NULL
Clientes prioridad2<- NULL
Clientes prioridad3<- NULL
Pacientes<- 1:sum(nclientes)</pre>
Primer_Step<- 0
Segundo_Step<- 0
Segundo Step QUI<- 0
Segundo Step CRI<- 0
Segundo Step UCI<- 0
#VARIBALES TRIAJE
contadorTRI<- 0; P Triaje<- 0; Momento Terminación Triaje<- 0; Tiempo
Espera Triaje<- 0
Tiempo servicio Triaje<- 0; Llegada Triaje<- 0; minimo Triaje<- 0
reajueste Triaje<- 0; Tiempo reajustado Triaje<- 0; Tiempo para reajus
te_Triaje<- 0
#VARIABLES CONSULTA
contadorCon<- 0; P_Consulta<- 0; Momento_Terminación_Consulta<- 0; Tie
mpo_Espera_Consulta<- 0</pre>
Tiempo servicio Consulta<- 0; Llegada Consulta<- 0; minimo Consulta<-
reajueste Consulta<- 0; Tiempo reajustado Consulta<- 0; Tiempo para re
ajuste Consulta<- 0
contador_pacientes_Con<-0; Pacientes_Cola_Con<- 0</pre>
#VARIABLES EXPLORACIÓN
contadorExp<- 0; P Exploracion<- 0; Momento Terminación Exploracion<-
0; Tiempo_Espera_Exploracion<- 0
Tiempo servicio Exploracion<- 0; Llegada Exploracion<- 0; minimo Explo
racion<- 0
reajueste_Exploracion<- 0; Tiempo_reajustado_Exploracion<- 0; Tiempo_p</pre>
ara reajuste Exploracion<- 0
#VARIABLES OBSERVACIÓN
contadorObs<- 0; P_Observacion<- 0; Momento Terminación Observacion<-</pre>
```

```
0; Tiempo_Espera_Observacion<- 0
Tiempo servicio Observacion<- 0; Llegada Observacion<- 0; minimo Obser
vacion<- 0
reajueste Observacion<- 0; Tiempo reajustado Observacion<- 0; Tiempo p
ara reajuste Observacion<- 0
c<- 0; c2<- 0; v<- 0; L Obs<- 0; Momento Llegada1<- 0; P O<- 0; P O2<-
0; Nodo_anterior_Obs1<- 0
Nodo_anterior_Obs2<- 0; Nodo_anterior_Obs3<- 0
#VARIABLES RCP
contadorRCP<- 0; P RCP<- 0; Momento Terminación RCP<- 0; Tiempo Espera
Tiempo servicio RCP<- 0; Llegada RCP<- 0; minimo RCP<- 0
reajueste RCP<- 0; Tiempo reajustado RCP<- 0; Tiempo para reajuste RCP
#VARIABLES QUIROFANO
contadorQUI<- 0; Llegada_QUI<- 0; Nodo_anterior_QUI<- 0; P_QUI<- 0</pre>
contadorOUI2<-0; P OUI2<- 0; Momento Terminación OUI2<- 0; Tiempo Espe
ra QUI2<- 0
Tiempo servicio QUI2<- 0; Llegada QUI2<- 0; minimo QUI2<- 0
reajueste QUI2<- 0; Tiempo reajustado QUI2<- 0; Tiempo para reajuste Q
UI2<- 0
p qui<- 0; Obs QUI SPLIT<- 0; nada split<-0
#VARIABLES CRÍTICOS
contadorCRI<- 0; Llegada CRI<- 0; Nodo_anterior_CRI<- 0; P_CRI<- 0</pre>
contadorCRI2<-0; P CRI2<-0; Momento Terminación CRI2<-0; Tiempo Espe
ra CRI2<- 0
Tiempo servicio CRI2<- 0; Llegada CRI2<- 0; minimo CRI2<- 0
reajueste CRI2<- 0; Tiempo reajustado CRI2<- 0; Tiempo para reajuste C
RI2<- 0
p_cri<- 0; Obs_CRI_SPLIT<- 0</pre>
contadorCRI3<- 0; P_CRI3<- 0; Llegada_CRI3<- 0; Nodo anterior CRI3<- 0
QUI CRI_SPLIT<- 0; anterior_CRI<- 0
#VARIABLES UCI
contadorUCI<- 0; Llegada UCI<- 0; Nodo anterior UCI<- 0; P UCI<- 0
contadorUCI2<-0; P UCI2<-0; Momento Terminación UCI2<-0; Tiempo Espe
ra UCI2<- 0
Tiempo_servicio_UCI2<- 0; Llegada_UCI2<- 0; minimo_UCI2<- 0
reajueste_UCI2<- 0; Tiempo_reajustado_UCI2<- 0; Tiempo_para_reajuste_U</pre>
CI2<- 0
p uci<- 0; Obs UCI SPLIT<- 0
contadorUCI3<- 0; P_UCI3<- 0; Llegada_UCI3<- 0; Nodo_anterior_UCI3<- 0
QUI_UCI_SPLIT<- 0; anterior_UCI<-0
```

```
#VARIABLES ALTA
contadorALT<- 0; Llegada ALT<- 0; Nodo anterior ALT<- 0; P ALT<- 0
Obs_ALT_SPLIT<- 0; Momento_Llegada_Incial_ALT<- 0
#VARIABLES PLANTA
contadorPLA<- 0; Llegada PLA<- 0; Nodo anterior PLA<- 0; P PLA<- 0
contadorPLA2<-0; P_PLA2<- 0; Momento Terminación PLA2<- 0; Tiempo Espe
ra PLA2<- 0
Tiempo servicio PLA2<- 0; Llegada PLA2<- 0; minimo PLA2<- 0
reajueste PLA2<- 0; Tiempo reajustado PLA2<- 0; Tiempo para reajuste P
LA2<- 0
p_pla<- 0
P OBS PLA<- 0; MOMENTO OBS PLA<- 0; NODO OBS PLA<- 0; contadorOBS PLA<
P QUI PLA<- 0; MOMENTO QUI PLA<- 0; NODO QUI PLA<- 0; contadorQUI PLA<
- 0
Obs PLA SPLIT<- 0; QUI PLA SPLIT<-0; Disponible PLA2<-0
#SE EMPIEZA REALIZANDO EL TRIAJE.
#Con: Consulta; Exp: Exploracion; Obs: Observación; RCP: RCP
#SIENDO LA PRIMERA LA MENOS GRAVE Y LA ÚLTIMA LA MÁS GRAVE.
for (j in 1:sum(nclientes)) {
  contadorTRI<- contadorTRI+1</pre>
  Llegada Triaje[contadorTRI]<- Momento Llegada[j]</pre>
 P_Triaje[j]<- Pacientes[j]</pre>
 Tiempo servicio Triaje[contadorTRI]<- runif(1, min = 1, max = 5)</pre>
    if (contadorTRI<=Disponible Tri){</pre>
     Momento Terminación Triaje[contadorTRI]<- na.omit(Momento Llegad
a[j] + Tiempo_servicio_Triaje[contadorTRI])
     Tiempo Espera Triaje[contadorTRI]<- 0</pre>
     reajueste Triaje[contadorTRI]<- Momento Terminación Triaje[conta
dorTRI]
    }
    else{
     minimo_Triaje<-min(reajueste_Triaje)</pre>
     ordenar Triaje<- order(minimo Triaje, decreasing = T)[1]</pre>
     if(Momento Llegada[j]==Momento Llegada[ordenar Triaje]){
       Tiempo_Espera_Triaje[contadorTRI]=minimo_Triaje
     }
     else{
       Tiempo Espera Triaje[contadorTRI]<- minimo Triaje - Momento Ll
egada[j]
       if(Tiempo Espera Triaje[contadorTRI]<0){</pre>
         Tiempo_Espera_Triaje[contadorTRI]<- 0</pre>
```

```
Momento Terminación Triaje[contadorTRI]<- Momento Llegada[j]+Tiemp
o Espera Triaje[contadorTRI]+Tiempo_servicio_Triaje[contadorTRI]
    Tiempo para reajuste Triaje<- reajueste Triaje
    Tiempo_reajustado_Triaje<- replace(Tiempo_para_reajuste_Triaje,Tie</pre>
mpo_para_reajuste_Triaje==minimo_Triaje ,Momento_Terminación_Triaje[co
ntadorTRI])
    reajueste_Triaje<- Tiempo_reajustado_Triaje</pre>
 #Para cada cliente que entra en el sistema, indicamos su prioridad,
esto es la ruta del primer paso de cada paciente que entra al sistema
 Clientes_prioridad[j]<- sample(c("Con","Exp","Obs","RCP"), size = 1,</pre>
replace = FALSE, prob = c(0.9, 0.03, 0.06, 0.01)
#PARA VER TODOS LOS PACIENTES DE TRIAJE EN CADA UNO DE LOS SERVIDORES
Pacientes Triaje<- data.frame(P Triaje=P Triaje,Llegada Triaje=Llegada
_Triaje,
                             Tiempo_Espera_Triaje=Tiempo_Espera_Triaj
e,
                             Tiempo servicio Triaje=Tiempo servicio T
riaje,
                             Momento Terminación Triaje=Momento Termi
nación_Triaje)
#Pacientes Triaje
for (j in 1:sum(nclientes)) {
if (Clientes_prioridad[j]=="Con"){
     contadorCon<- contadorCon +1 #para poder realizar los cálculos
     Llegada Consulta[contadorCon]<- Pacientes Triaje$Momento Termina
ción Triaje[j]
     Primer Step[j]<- "Con"</pre>
     P_Consulta[j]<- Pacientes_Triaje$P_Triaje[j]</pre>
     P_Consulta[P_Consulta==0]<- NA
     P Consulta<- na.omit(P Consulta)</pre>
     Tiempo servicio Consulta[contadorCon]<- runif(1, min = 15, max =</pre>
30) #rtriangle(1,15,30)
       if (contadorCon<=Disponible_Con){</pre>
         Momento Terminación Consulta[contadorCon]<- na.omit(Paciente</pre>
s Triaje$Momento Terminación Triaje[j] + Tiempo servicio Consulta[cont
adorCon1)
         Tiempo_Espera_Consulta[contadorCon]<- 0</pre>
         reajueste_Consulta[contadorCon]<- Momento_Terminación_Consul</pre>
ta[contadorCon]
       else{
         minimo Consulta<-min(reajueste Consulta)</pre>
         ordenar_Consulta<- order(minimo_Consulta,decreasing = T)[1]</pre>
         if(Pacientes_Triaje$Momento_Terminación_Triaje[j]==Pacientes
_Triaje$Momento_Terminación_Triaje[ordenar_Consulta]){
```

```
Tiempo_Espera_Consulta[contadorCon]=minimo_Consulta
          }
          else{
            Tiempo Espera Consulta[contadorCon]<- minimo Consulta - Pa
cientes Triaje$Momento Terminación Triaje[j]
            if(Tiempo Espera Consulta[contadorCon]<0){</pre>
              Tiempo Espera Consulta[contadorCon]<- 0
          }
        }
        Momento Terminación Consulta[contadorCon]<- Pacientes Triaje$M
omento Terminación Triaje[j]+Tiempo Espera Consulta[contadorCon]+Tiemp
o_servicio_Consulta[contadorCon]
        Tiempo_para_reajuste_Consulta<- reajueste_Consulta</pre>
        Tiempo_reajustado_Consulta<- replace(Tiempo_para_reajuste_Cons</pre>
ulta, Tiempo para reajuste Consulta==minimo Consulta ,Momento Terminac
ión Consulta[contadorCon])
        reajueste_Consulta<- Tiempo_reajustado_Consulta
      #INDICAMOS LOS PACIENTES DE PRIORIDAD CON DONDE IRAN DESPUES:
      # ALT: ALTA, OBS: OBSERVACION, UCI: UCI, CRI: CRITICOS, QUI: QUI
ROFANO
      Clientes_prioridad2[j]<- sample(c("ALT","OBS","UCI","CRI","QUI")</pre>
, size = 1, replace = FALSE, prob = c(0.85, 0.1, 0.01, 0.02, 0.02))
if (Clientes prioridad[j]=="Exp"){
      contadorExp<- contadorExp +1 #para poder realizar los cálculos</pre>
      Llegada Exploracion[contadorExp]<-Pacientes Triaje$Momento Termi</pre>
nación_Triaje[j]
      Primer Step[j]<- "Exp"</pre>
      P Exploracion[j]<- Pacientes Triaje$P Triaje[j]</pre>
      P_Exploracion[P_Exploracion==0]<- NA</pre>
      P_Exploracion<- na.omit(P_Exploracion)</pre>
      Tiempo servicio Exploracion[contadorExp]<- runif(1, min = 10, ma
x = 20) #rtriangle(1,10,20)
      if (contadorExp<=Disponible_Exp){</pre>
        Momento Terminación Exploracion[contadorExp]<- na.omit(Pacient
es Triaje$Momento Terminación Triaje[j] + Tiempo servicio Exploracion[
contadorExpl)
        Tiempo Espera Exploracion[contadorExp]<- 0</pre>
        reajueste Exploracion[contadorExp]<- Momento Terminación Explo</pre>
racion[contadorExp]
      else{
        minimo Exploracion<-min(reajueste Exploracion)</pre>
        ordenar Exploracion<- order(minimo Exploracion, decreasing = T)</pre>
[1]
        if(Pacientes_Triaje$Momento_Terminación_Triaje[j]==Pacientes_T
riaje$Momento_Terminación_Triaje[ordenar_Exploracion]){
```

```
Tiempo_Espera_Exploracion[contadorExp]=minimo_Exploracion
        }
        else{
          Tiempo Espera Exploracion[contadorExp]<- minimo Exploracion-
Pacientes Triaje$Momento Terminación Triaje[j]
          if(Tiempo Espera Exploracion[contadorExp]<0){</pre>
            Tiempo Espera Exploracion[contadorExp]<- 0</pre>
          }
        }
      }
        Momento Terminación Exploracion[contadorExp]<- Pacientes Triaj
e$Momento_Terminación_Triaje[j]+Tiempo_Espera_Exploracion[contadorExp]
+Tiempo_servicio_Exploracion[contadorExp]
        Tiempo_para_reajuste_Exploracion<- reajueste_Exploracion
        Tiempo reajustado Exploracion<-replace(Tiempo para reajuste Ex
ploracion, Tiempo para reajuste Exploracion==minimo Exploracion , Momen
to Terminación Exploracion[contadorExp])
        reajueste_Exploracion<- Tiempo_reajustado_Exploracion</pre>
      #INDICAMOS LOS PACIENTES DE PRIORIDAD Exp DONDE IRAN DESPUES:
      # UCI: UCI, CRI: CRITICOS, QUI: QUIROFANO
      Clientes_prioridad2[j]<- sample(c("UCI","CRI","QUI"), size = 1,r</pre>
eplace = FALSE, prob = c(0.35, 0.4, 0.25))
if (Clientes prioridad[j]=="RCP"){
    contadorRCP<- contadorRCP +1 #para poder realizar los cálculos</pre>
    Llegada RCP[contadorRCP]<- Pacientes Triaje$Momento Terminación Tr
iaje[j]
    Primer_Step[j]<- "RCP"</pre>
    P_RCP[j]<- Pacientes_Triaje$P_Triaje[j]</pre>
    P_RCP[P_RCP==0] < - NA
    P RCP<- na.omit(P RCP)
    Tiempo servicio RCP[contadorRCP]<- runif(1, min = 10, max = 20) #r
triangle(1,10,20)
    if (contadorRCP<=Disponible RCP){</pre>
      Momento Terminación RCP[contadorRCP]<- na.omit(Pacientes Triaje$
Momento_Terminación_Triaje[j] + Tiempo_servicio_RCP[contadorRCP])
      Tiempo Espera RCP[contadorRCP]<- 0
      reajueste RCP[contadorRCP]<- Momento Terminación RCP[contadorRCP
]
    else{
      minimo RCP<-min(reajueste RCP)</pre>
      ordenar_RCP<- order(reajueste_RCP, decreasing = T)[1]</pre>
      {
        if(Pacientes_Triaje$Momento_Terminación_Triaje[j]==Pacientes_T
riaje$Momento Terminación Triaje[ordenar RCP]){
          Tiempo Espera RCP[contadorRCP]=minimo RCP
        }
        else{
          Tiempo_Espera_RCP[contadorRCP]<- minimo_RCP- Pacientes_Triaj</pre>
e$Momento_Terminación_Triaje[j]
```

```
if(Tiempo_Espera_RCP[contadorRCP]<0){</pre>
            Tiempo_Espera_RCP[contadorRCP]<- 0</pre>
          }
        }
      }
    }
    Momento Terminación RCP[contadorRCP]<- Pacientes Triaje$Momento Te
rminación Triaje[j]+Tiempo Espera RCP[contadorRCP]+Tiempo servicio RCP
[contadorRCP]
    Tiempo para reajuste RCP<- reajueste RCP
    Tiempo reajustado RCP<- replace(Tiempo para reajuste RCP, Tiempo p
ara_reajuste_RCP==minimo_RCP ,Momento_Terminación_RCP[contadorRCP])
    reajueste_RCP<- Tiempo_reajustado_RCP
  #INDICAMOS LOS PACIENTES DE PRIORIDAD RCP DONDE IRAN DESPUES:
  # UCI: UCI, CRI: CRITICOS, QUI: QUIROFANO
  Clientes_prioridad2[j]<- sample(c("UCI","CRI","QUI"), size = 1,repla</pre>
ce = FALSE, prob = c(0.25, 0.6, 0.15))
# CÁLCULAMOS LOS CLIENTES PRIORIDAD2 PARA OBSERVACIÓN, PARA QUE NO DE
ERROR A LA HORA DE CALCULAR LOS MOMENTOS DE LLEGADA Y TERMINACIÓN DE O
BSERVACIÓN
  if (Clientes prioridad[j]=="Obs"){
  #INDICAMOS LOS PACIENTES DE PRIORIDAD Obs DONDE IRAN DESPUES:
  # UCI: UCI, CRI: CRITICOS, QUI: QUIROFANO, ALT: ALTA, PLA: PLANTA
    Clientes prioridad2[j]<- sample(c("UCI","CRI","QUI","ALT","PLA"),</pre>
size = 1, replace = \frac{FALSE}{FALSE}, prob = c(0.01, 0.04, 0.1, 0.7, 0.15))
    Primer Step[j]<- "Obs"</pre>
###### CÁLCULAMOS LOS MOMENTOS DE LLEGADA A OBSERVACIÓN #############
for (j in 1:sum(nclientes)) {
    if(Clientes prioridad2[j]=="OBS"){
      c < - c + 1
      P_O[c]<- Pacientes[j]
      P_0[P_0=0]<-NA
      P 0<- na.omit(P 0)
      L Obs[c]<- Momento Terminación Consulta[which(P Consulta== P O[c
1)1
      L_Obs[L_Obs==0]<-NA
      L_Obs<- na.omit(L_Obs)
      Nodo_anterior_Obs2[c]<- "CONSULTA"
      Clientes_prioridad2[j]<- sample(c("UCI","CRI","QUI","ALT","PLA")</pre>
, size = 1, replace = FALSE, prob = c(0.01, 0.04, 0.1, 0.7, 0.15))
      Primer Step[j]<- "Obs"</pre>
    else{
      if (Clientes_prioridad[j]=="Obs"){
        c2<- c2 +1
        Momento Llegada1[c2]<- Pacientes Triaje$Momento Terminación Tr
iaje[j]
        Momento_Llegada1[Momento_Llegada1==0]<- NA</pre>
        Momento_Llegada1<- na.omit(Momento_Llegada1)</pre>
        P_02[c2]<- Pacientes[j]
```

```
P_02[P_02=0]<-NA
        P_02<- na.omit(P_02)
        Nodo_anterior_Obs3[c2]<- "NINGUNO"
      }
  v<- c(Momento Llegada1,L Obs)</pre>
  P Observacion1<- c(P 02,P 0)
  Nodo anterior Obs1<- c(Nodo anterior Obs3, Nodo anterior Obs2)
Momento Llegada1<- v
Pacientes Observacion1<- data.frame(P Observacion=P Observacion1,Momen
to_Llegada1=Momento_Llegada1,Nodo_anterior_Obs=Nodo_anterior_Obs1)
Pacientes Observacion1<- Pacientes Observacion1[with(Pacientes Observa
cion1, order(Pacientes Observacion1$Momento Llegada1)), ]
#################### PRIORIDAD Obs --> OBSERVACIÓN ############
for (j in 1:length(Pacientes Observacion1$P Observacion)) {
contadorObs<- contadorObs + 1 #para poder realizar los cálculos
 Tiempo servicio Observacion[contadorObs]<- runif(1, min = 15, max =</pre>
45) #rtriangle(1,15,45)
 {
    if (contadorObs<=Disponible Obs){</pre>
      Momento_Terminación_Observacion[contadorObs]<- na.omit(Pacientes</pre>
Observacion1$Momento Llegada1[contadorObs] + Tiempo servicio Observac
ion[contadorObs])
      Tiempo Espera Observacion[contadorObs]<- 0</pre>
      reajueste Observacion[contadorObs]<- Momento Terminación Observa
cion[contadorObs]
    else{
      minimo Observacion<-min(reajueste Observacion)</pre>
      ordenar Observacion<- order(minimo Observacion, decreasing = T)[1
      if(Pacientes Observacion1$Momento Llegada1[contadorObs]==Pacient
es_Observacion1$Momento_Llegada1[ordenar_Observacion]){
        Tiempo_Espera_Observacion[contadorObs]=minimo_Observacion
      }
      else{
        Tiempo Espera Observacion[contadorObs]<- minimo Observacion- P
acientes Observacion1$Momento Llegada1[contadorObs]
        if(Tiempo_Espera_Observacion[contadorObs]<0){</pre>
          Tiempo Espera Observacion[contadorObs]<- 0</pre>
        }
      }
    }
    Momento Terminación Observacion[contadorObs]<- Pacientes Observaci
on1$Momento Llegada1[contadorObs]+Tiempo Espera Observacion[contadorOb
s]+Tiempo_servicio_Observacion[contadorObs]
    Tiempo para reajuste Observacion<- reajueste Observacion
    Tiempo reajustado Observacion<- replace(Tiempo para reajuste Obser
vacion, Tiempo para reajuste Observacion==minimo Observacion ,Momento
Terminación_Observacion[contadorObs])
    reajueste_Observacion<- Tiempo_reajustado_Observacion</pre>
```

```
#PARA VER TODOS LOS PACIENTES DE PRIOPRIDAD CON EN CADA UNO DE LOS SER
VIDORES
Pacientes Consulta<- data.frame(P Consulta=P Consulta,Llegada Consulta
=Llegada Consulta, Tiempo Espera Consulta = Tiempo Espera Consulta, Tiempo
servicio Consulta=Tiempo servicio Consulta, Momento Terminación Consul
ta=Momento_Terminación_Consulta)
#Pacientes Consulta
#PARA VER TODOS LOS PACIENTES DE PRIOPRIDAD EXP EN CADA UNO DE LOS SER
VIDORES
Pacientes Exploracion<-data.frame(P Exploracion=P Exploracion,Llegada
Exploracion=Llegada_Exploracion,Tiempo_Espera_Exploracion=Tiempo_Esper
a Exploracion, Tiempo servicio Exploracion=Tiempo servicio Exploracion
, Momento Terminación Exploracion=Momento Terminación Exploracion)
#Pacientes Exploracion
#PARA VER TODOS LOS PACIENTES DE PRIOPRIDAD Obs EN CADA UNO DE LOS SER
VIDORES
Pacientes Observacion<-data.frame(P Observacion=Pacientes Observacion1
$P Observacion ,Llegada Observacion=Pacientes Observacion1$Momento Lle
gada1,
                Tiempo Espera Observacion=Tiempo Espera Observacion,
Tiempo servicio Observacion=Tiempo servicio Observacion,
Momento Terminación Observacion=Momento Terminación Observacion, Nodo a
nterior Obs1=Pacientes Observacion1$Nodo anterior Obs)
#Pacientes Observacion
#PARA VER TODOS LOS PACIENTES DE PRIOPRIDAD RCP EN CADA UNO DE LOS SER
VIDORES
Pacientes_RCP<- data.frame(P_RCP=P_RCP,Llegada_RCP=Llegada_RCP,Tiempo_</pre>
Espera RCP=Tiempo Espera RCP, Tiempo servicio RCP=Tiempo servicio RCP,
Momento_Terminación_RCP=Momento_Terminación_RCP)
#Pacientes RCP
for (q in 1:sum(nclientes)) {
if (Clientes prioridad2[q]=="UCI"){
     contadorUCI<- contadorUCI +1 #para poder realizar los cálculos
     if(Primer_Step[q]=="Con"){
       P UCI[contadorUCI]<- Pacientes[q]</pre>
       Llegada UCI[contadorUCI]<- as.numeric(Pacientes Consulta$Momen</pre>
to Terminación Consulta[which(Pacientes Consulta$P Consulta==P UCI[con
tadorUCI])])
       Nodo anterior UCI[contadorUCI]<- "Con"
       Obs_UCI_SPLIT[contadorUCI]<- "NADA"
     if(Primer_Step[q]=="Exp") {
       P_UCI[contadorUCI]<- Pacientes[q]</pre>
       Llegada UCI[contadorUCI]<- as.numeric(Pacientes Exploracion$Mo</pre>
mento_Terminación_Exploracion[which(Pacientes_Exploracion$P_Exploracio
n==P_UCI[contadorUCI])])
       Nodo_anterior_UCI[contadorUCI]<- "Exp"
       Obs_UCI_SPLIT[contadorUCI]<- "NADA"
```

```
if(Primer_Step[q]=="Obs"){
        P_UCI[contadorUCI]<- Pacientes[q]</pre>
        Llegada_UCI[contadorUCI]<- as.numeric(Pacientes_Observacion$Mo</pre>
mento_Terminación_Observacion[which(Pacientes_Observacion$P_Observacio
n==P_UCI[contadorUCI])])
        Nodo_anterior_UCI[contadorUCI]<- "Obs"
        Obs_UCI_SPLIT[contadorUCI]<- Pacientes_Observacion$Nodo_anteri</pre>
or_Obs1[which(Pacientes_Observacion$P_Observacion==P_UCI[contadorUCI])
      if(Primer_Step[q]=="RCP"){
        P_UCI[contadorUCI]<- Pacientes[q]</pre>
        Llegada_UCI[contadorUCI]<- as.numeric(Pacientes_RCP$Momento_Te</pre>
rminación_RCP[which(Pacientes_RCP$P_RCP==P_UCI[contadorUCI])])
        Nodo_anterior_UCI[contadorUCI]<- "RCP"
        Obs_UCI_SPLIT[contadorUCI]<- "NADA"
    }
if (Clientes_prioridad2[q]=="CRI"){
    contadorCRI<- contadorCRI +1 #para poder realizar los cálculos</pre>
      if(Primer_Step[q]=="Con"){
        P CRI[contadorCRI]<- Pacientes[q]</pre>
        Llegada_CRI[contadorCRI]<- as.numeric(Pacientes_Consulta$Momen</pre>
to_Terminación_Consulta[which(Pacientes_Consulta$P_Consulta==P_CRI[con
tadorCRI])])
        Nodo_anterior_CRI[contadorCRI]<- "Con"
        Obs_CRI_SPLIT[contadorCRI]<- "NADA"
      if(Primer_Step[q]=="Exp") {
        P_CRI[contadorCRI]<- Pacientes[q]</pre>
        Llegada_CRI[contadorCRI]<- as.numeric(Pacientes_Exploracion$Mo</pre>
mento_Terminación_Exploracion[which(Pacientes_Exploracion$P_Exploracio
n==P_CRI[contadorCRI])])
        Nodo_anterior_CRI[contadorCRI]<- "Exp"
        Obs_CRI_SPLIT[contadorCRI]<- "NADA"
      if(Primer_Step[q]=="Obs"){
        P_CRI[contadorCRI]<- Pacientes[q]</pre>
        Llegada_CRI[contadorCRI]<- as.numeric(Pacientes_Observacion$Mo</pre>
mento_Terminación_Observacion[which(Pacientes_Observacion$P_Observacio
n==P_CRI[contadorCRI])])
        Nodo_anterior_CRI[contadorCRI]<- "Obs"
        Obs_CRI_SPLIT[contadorCRI]<- Pacientes_Observacion$Nodo_anteri
or_Obs1[which(Pacientes_Observacion$P_Observacion==P_CRI[contadorCRI])
      if(Primer_Step[q]=="RCP"){
        P_CRI[contadorCRI]<- Pacientes[q]</pre>
        Llegada_CRI[contadorCRI]<- as.numeric(Pacientes_RCP$Momento_Te
rminación RCP[which(Pacientes RCP$P RCP==P CRI[contadorCRI])])
```

```
Nodo_anterior_CRI[contadorCRI]<- "RCP"
       Obs_CRI_SPLIT[contadorCRI]<- "NADA"
     }
    }
  }
if (Clientes_prioridad2[q]=="QUI"){
    contadorQUI<- contadorQUI +1 #para poder realizar los cálculos
     if(Primer Step[q]=="Con"){
       P_QUI[contadorQUI]<- Pacientes[q]</pre>
       Llegada_QUI[contadorQUI]<- as.numeric(Pacientes_Consulta$Momen</pre>
to Terminación Consulta[which(Pacientes Consulta$P Consulta==P QUI[con
tadorQUI])])
       Nodo anterior QUI[contadorQUI]<- "Con"
       Obs QUI SPLIT[contadorQUI]<- "NADA"
     if(Primer_Step[q]=="Exp") {
       P_QUI[contadorQUI]<- Pacientes[q]</pre>
       Llegada_QUI[contadorQUI]<- as.numeric(Pacientes_Exploracion$Mo</pre>
mento_Terminación_Exploracion[which(Pacientes_Exploracion$P_Exploracio
n==P QUI[contadorQUI])])
       Nodo_anterior_QUI[contadorQUI]<- "Exp"
       Obs_QUI_SPLIT[contadorQUI]<- "NADA"
     if(Primer Step[q]=="Obs"){
       P QUI[contadorQUI]<- Pacientes[q]
       Llegada_QUI[contadorQUI]<- as.numeric(Pacientes_Observacion$Mo</pre>
mento Terminación Observacion[which(Pacientes Observacion$P Observacio
n==P_QUI[contadorQUI])])
       Nodo_anterior_QUI[contadorQUI]<- "Obs"
       Obs QUI SPLIT[contadorQUI]<- Pacientes_Observacion$Nodo_anteri
or_Obs1[which(Pacientes_Observacion$P_Observacion==P_QUI[contadorQUI])
     if(Primer_Step[q]=="RCP"){
       P QUI[contadorQUI]<- Pacientes[q]</pre>
       Llegada_QUI[contadorQUI]<- as.numeric(Pacientes_RCP$Momento_Te</pre>
rminación_RCP[which(Pacientes_RCP$P_RCP==P_QUI[contadorQUI])])
       Nodo_anterior_QUI[contadorQUI]<- "RCP"
       Obs_QUI_SPLIT[contadorQUI]<- "NADA"
     }
    }
 if (Clientes_prioridad2[q]=="ALT"){
    contadorALT<- contadorALT +1 #para poder realizar los cálculos</pre>
    if(Primer_Step[q]=="Con"){
     P_ALT[contadorALT]<- Pacientes[q]</pre>
     Llegada_ALT[contadorALT]<- as.numeric(Pacientes_Consulta$Momento</pre>
_Terminación_Consulta[which(Pacientes_Consulta<mark>$</mark>P_Consulta==P_ALT[conta
dorALT])])
     Nodo_anterior_ALT[contadorALT]<- "Con"
     Obs_ALT_SPLIT[contadorALT]<- "NADA"
```

```
Momento_Llegada_Incial_ALT[contadorALT]<- Pacientes_Triaje$Momen
to_Terminación_Triaje[q]
   if(Primer Step[q]=="Obs"){
     P ALT[contadorALT]<- Pacientes[q]</pre>
     Llegada ALT[contadorALT]<- as.numeric(Pacientes Observacion$Mome</pre>
nto Terminación Observacion[which(Pacientes Observacion$P Observacion=
=P_ALT[contadorALT])])
     Nodo_anterior_ALT[contadorALT]<- "Obs"
     Obs ALT SPLIT[contadorALT]<- Pacientes Observacion$Nodo anterior
Obs1[which(Pacientes Observacion$P Observacion==P ALT[contadorALT])]
     Momento Llegada Incial ALT[contadorALT]<- Pacientes Triaje$Momen
to_Terminación_Triaje[q]
  }
#PARA VER LOS MOMENTOS DE LLEGADAS DE LOS PACIENTES A LA UCI(SEGUNDO S
Momento Llegada UCI<- data.frame(P UCI=P UCI, Nodo anterior UCI=Nodo an
terior UCI, Llegada UCI=Llegada UCI, Obs UCI SPLIT=Obs UCI SPLIT)
Momento_Llegada_UCI<- Momento_Llegada_UCI[with(Momento_Llegada_UCI, or</pre>
der(Momento Llegada UCI$Llegada UCI)), ]
#Momento_Llegada_UCI
#PARA VER LOS MOMENTOS DE LLEGADAS DE LOS PACIENTES A CRITICOS(SEGUNDO
STEP)
Momento Llegada CRI<- data.frame(P CRI=P CRI, Nodo anterior CRI=Nodo an
terior CRI, Llegada CRI=Llegada CRI, Obs CRI SPLIT=Obs CRI SPLIT)
Momento Llegada CRI<- Momento Llegada CRI[with(Momento Llegada CRI, or
der(Momento Llegada CRI$Llegada CRI)), ]
#Momento_Llegada_CRI
#PARA VER LOS MOMENTOS DE LLEGADAS DE LOS PACIENTES A QUIROFANO(SEGUND
O STEP)
Momento Llegada QUI<- data.frame(P QUI=P QUI, Nodo anterior QUI=Nodo an
terior QUI, Llegada QUI=Llegada QUI, Obs QUI SPLIT=Obs QUI SPLIT)
Momento_Llegada_QUI<- Momento_Llegada_QUI[with(Momento_Llegada_QUI, or</pre>
der(Momento Llegada QUI$Llegada QUI)), ]
#Momento Llegada QUI
#PARA VER LOS MOMENTOS DE LLEGADAS DE LOS PACIENTES A ALTA(SEGUNDO STE
P)
Momento Llegada ALT<- data.frame(P ALT=P ALT, Nodo anterior ALT=Nodo an
terior_ALT, Llegada_ALT=Llegada_ALT,
                                                              0bs
ALT SPLIT=Obs ALT SPLIT, Momento Llegada Incial ALT=Momento Llegada Inc
ial ALT)
Momento Llegada ALT<- Momento Llegada ALT[with(Momento Llegada ALT, or
der(Momento_Llegada_ALT$Llegada_ALT)), ]
#Momento_Llegada_ALT
for (w in 1:contadorQUI){ #lo hacemos desde 1 hasta el numero de pacie
ntes que
  #vayan a quirofano
  contadorQUI2<- contadorQUI2 +1 #para saber cuantos servidores hay</pre>
Llegada_QUI2[w]<- Momento_Llegada_QUI$Llegada_QUI[w]</pre>
```

```
Segundo_Step_QUI[w]<- "QUI"</pre>
  nada_split[w]<- Momento_Llegada_QUI$Obs_QUI_SPLIT[w]</pre>
  #para saber de que pacientes se trata
  p qui<- which(Momento Llegada QUI$Llegada QUI==Momento Llegada QUI$L
legada_QUI[w])
  P_QUI2[w]<- Momento Llegada QUI$P_QUI[p_qui]
  Tiempo_servicio_QUI2[w]<- runif(1, min = 15, max = 30) #max(Días*10,
rnorm(1, 20, 5))
  {
    if (contadorQUI2<=Disponible QUI){</pre>
      Momento Terminación QUI2[w]<- na.omit(Momento Llegada QUI$Llegad
a_QUI[w]+ Tiempo_servicio_QUI2[w])
      Tiempo Espera QUI2[w]<- 0
      reajueste QUI2[w]<- Momento Terminación QUI2[w]
    }
    else{
      minimo QUI2<-min(reajueste QUI2)</pre>
      ordenar QUI2<- order(minimo QUI2, decreasing = T)[1]
      if(Momento Llegada QUI$Llegada QUI[w]==Momento Llegada QUI$Llega
da QUI[ordenar QUI2]){
       Tiempo Espera QUI2[w]=minimo QUI2
      }
      else{
        Tiempo Espera QUI2[w]<- minimo QUI2 - Momento Llegada QUI$Lleg
ada QUI[w]
        if(Tiempo_Espera_QUI2[w]<0){</pre>
          Tiempo Espera QUI2[w]<- 0
        }
      }
    }
    Momento Terminación QUI2[w]<- Momento Llegada QUI$Llegada QUI[w] +
Tiempo Espera QUI2[w]+Tiempo servicio QUI2[w]
    Tiempo_para_reajuste_QUI2<- reajueste_QUI2
    Tiempo_reajustado_QUI2<- replace(Tiempo_para_reajuste_QUI2, Tiempo</pre>
_para_reajuste_QUI2==minimo_QUI2 ,Momento_Terminación_QUI2[w])
    reajueste QUI2<- Tiempo reajustado QUI2
  }
  #INDICAMOS LOS PACIENTES DE PRIORIDAD QUI DONDE IRAN DESPUES:
  # UCI: UCI, CRI: CRITICOS, PLA: PLANTA
  Clientes_prioridad3[w]<- sample(c("UCI","CRI", "PLA"), size = 1,repl</pre>
ace = FALSE, prob = c(0.25,0.25,0.5))
######## MOMENTOS DE LLEGADA A CRITICOS Y UCI DESDE EL QUIROFANO ####
for (o in 1:contadorQUI) {
  if(Clientes_prioridad3[o] =="UCI"){
    contadorUCI3<- contadorUCI3 + 1</pre>
    P UCI3[contadorUCI3]<- P QUI2[o]</pre>
    Llegada UCI3[contadorUCI3]<- as.numeric(Momento Terminación QUI2[w
hich(P_QUI2==P_UCI3[contadorUCI3])])
    Nodo_anterior_UCI3[contadorUCI3]<- "QUI_P3"
    QUI_UCI_SPLIT[contadorUCI3]<- nada_split[which(P_QUI2==P_UCI3[cont</pre>
```

```
adorUCI3])]
 if(Clientes_prioridad3[o] =="CRI"){
   contadorCRI3<- contadorCRI3 + 1</pre>
   P CRI3[contadorCRI3]<- P_QUI2[o]</pre>
   Llegada CRI3[contadorCRI3]<- as.numeric(Momento Terminación QUI2[w
hich(P_QUI2==P_CRI3[contadorCRI3])])
   Nodo_anterior_CRI3[contadorCRI3]<- "QUI_P3"
   QUI_CRI_SPLIT[contadorCRI3]<- nada_split[which(P_QUI2==P_CRI3[cont
adorCRI31)1
# UNIMOS LOS MOMENTOS DE LLEGADAS CALCULADOS ANTERIORMENTE CON LOS NUE
# PACIENTES QUE VIENEN DESDE QUIROFANO
Momento Llegada CRI1<- data.frame(P CRI=c(P CRI,P CRI3),Nodo anterior
CRI=c(Nodo anterior_CRI, Nodo anterior_CRI3), Llegada CRI=c(Llegada CRI,
Llegada_CRI3),SPLIT_CRI1=c(Obs_CRI_SPLIT,QUI_CRI_SPLIT))
Momento Llegada CRI1<- Momento Llegada CRI1[with(Momento Llegada CRI1,
order(Momento Llegada CRI1$Llegada CRI)), ]
#Momento Llegada CRI1
Momento Llegada UCI1<- data.frame(P UCI=c(P UCI,P UCI3),Nodo anterior
UCI=c(Nodo anterior_UCI, Nodo anterior_UCI3), Llegada UCI=c(Llegada UCI,
Llegada UCI3),SPLIT UCI1=c(Obs UCI SPLIT,QUI UCI SPLIT))
Momento Llegada UCI1<- Momento Llegada UCI1[with(Momento Llegada UCI1,
order(Momento Llegada UCI1$Llegada UCI)), ]
#Momento Llegada UCI1
for (e in 1:nrow(Momento Llegada CRI1)){ #Lo hacemos desde 1 hasta el
numero de pacientes que vayan a criticos
 contadorCRI2<- contadorCRI2 +1 #para saber cuantos servidores hay
  Llegada_CRI2[e]<- Momento_Llegada_CRI1$Llegada_CRI[e]</pre>
 Segundo_Step_CRI[e]<- "CRI"</pre>
 anterior CRI[e]<- Momento Llegada CRI1$Nodo anterior CRI[e]
 #para saber de que pacientes se trata
 p_cri<- which(Momento Llegada CRI1$Llegada CRI==Momento Llegada CRI1
$Llegada_CRI[e])
 P_CRI2[e]<- Momento_Llegada_CRI1$P_CRI[p_cri]
 Tiempo_servicio_CRI2[e]<- runif(1, min = 1440, max = 4320) #max(Días</pre>
*1440, rnorm(1, 1990, 400))
   if (contadorCRI2<=Disponible CRI){</pre>
     Momento Terminación CRI2[e]<- na.omit(Momento Llegada CRI1$Llega
da_CRI[e]+ Tiempo_servicio_CRI2[e])
     Tiempo Espera CRI2[e]<- 0
     reajueste CRI2[e]<- Momento Terminación CRI2[e]
   }
   else{
     minimo_CRI2<-min(reajueste_CRI2)</pre>
     ordenar_CRI2<- order(minimo_CRI2, decreasing = T)[1]</pre>
```

```
if(Momento Llegada CRI1$Llegada CRI[e]==Momento Llegada CRI1$Lle
gada_CRI[ordenar_CRI2]){
        Tiempo_Espera_CRI2[e]=minimo_CRI2
      }
      else{
        Tiempo_Espera_CRI2[e]<- minimo_CRI2 - Momento_Llegada_CRI1$Lle</pre>
gada_CRI[e]
        if(Tiempo_Espera_CRI2[e]<0){</pre>
          Tiempo Espera CRI2[e]<- 0
        }
      }
    }
    Momento Terminación CRI2[e]<- Momento Llegada CRI1$Llegada CRI[e]
+ Tiempo_Espera_CRI2[e]+Tiempo_servicio_CRI2[e]
    Tiempo_para_reajuste_CRI2<- reajueste_CRI2
    Tiempo reajustado CRI2<- replace(Tiempo para reajuste CRI2, Tiempo
para reajuste CRI2==minimo CRI2 ,Momento Terminación CRI2[e])
    reajueste_CRI2<- Tiempo_reajustado_CRI2
}
for (l in 1:nrow(Momento Llegada UCI1)){ #Lo hacemos desde 1 hasta el
numero de pacientes que vayan a la uci
  contadorUCI2<- contadorUCI2 +1 #para saber cuantos servidores hay</pre>
  Llegada_UCI2[1]<- Momento_Llegada_UCI1$Llegada_UCI[1]</pre>
  Segundo Step UCI[1]<- "UCI"
  anterior UCI[1]<- Momento Llegada UCI1$Nodo anterior UCI[1]
  #para saber de que pacientes se trata
  p uci<- which(Momento Llegada UCI1$Llegada UCI==Momento Llegada UCI1
$Llegada_UCI[1])
  P UCI2[1]<- Momento Llegada UCI1$P UCI[p uci]
  Tiempo servicio UCI2[1]<- runif(1, min = 1900, max =5760) #max(Días*
1440, rnorm(1, 2430, 300))
  {
    if (contadorUCI2<=Disponible_UCI){</pre>
      Momento Terminación UCI2[1]<- na.omit(Momento Llegada UCI1$Llega
da UCI[1]+ Tiempo servicio UCI2[1])
      Tiempo Espera UCI2[1]<- 0
      reajueste_UCI2[1]<- Momento Terminación_UCI2[1]</pre>
    }
    else{
      minimo UCI2<-min(reajueste UCI2)</pre>
      ordenar UCI2<- order(minimo UCI2, decreasing = T)[1]
      if(Momento Llegada UCI1$Llegada UCI[1]==Momento Llegada UCI1$Lle
gada_UCI[ordenar_UCI2]){
        Tiempo Espera UCI2[1]=minimo UCI2
      }
      else{
        Tiempo Espera UCI2[1]<- minimo UCI2 - Momento Llegada UCI1$Lle
gada UCI[1]
        if(Tiempo_Espera_UCI2[1]<0){</pre>
          Tiempo_Espera_UCI2[1]<- 0</pre>
```

```
Momento Terminación UCI2[1]<- Momento Llegada UCI1$Llegada UCI[1]
+ Tiempo Espera UCI2[1]+Tiempo servicio UCI2[1]
   Tiempo_para_reajuste_UCI2<- reajueste_UCI2</pre>
   Tiempo_reajustado_UCI2<- replace(Tiempo_para_reajuste_UCI2, Tiempo</pre>
_para_reajuste_UCI2==minimo_UCI2 ,Momento_Terminación_UCI2[1])
   reajueste_UCI2<- Tiempo_reajustado_UCI2
 }
}
#PARA VER TODOS LOS PACIENTES DE PRIOPRIDAD QUI EN CADA UNO DE LOS SER
VIDORES
Pacientes_QUI2<- data.frame(P_QUI2=P_QUI2,Llegada_QUI2=Llegada_QUI2,Ti
empo Espera QUI2=Tiempo Espera QUI2, Tiempo servicio QUI2=Tiempo servic
io QUI2, Momento Terminación QUI2=Momento Terminación QUI2)
#Pacientes QUI2
#PARA VER TODOS LOS PACIENTES DE PRIOPRIDAD CRI EN CADA UNO DE LOS SER
VIDORES
Pacientes CRI2<- data.frame(P CRI2=P CRI2,Llegada CRI2=Llegada CRI2,Ti
empo Espera CRI2=Tiempo Espera CRI2, Tiempo servicio CRI2=Tiempo servic
io CRI2, Momento Terminación CRI2=Momento Terminación CRI2, Anterior CRI
2=anterior_CRI)
#Pacientes_CRI2
#PARA VER TODOS LOS PACIENTES DE PRIOPRIDAD UCI EN CADA UNO DE LOS SER
VIDORES
Pacientes UCI2<- data.frame(P UCI2=P UCI2,Llegada UCI2=Llegada UCI2,Ti
empo_Espera_UCI2=Tiempo_Espera_UCI2,Tiempo_servicio_UCI2=Tiempo_servic
io UCI2, Momento Terminación UCI2 = Momento Terminación UCI2, Anterior UCI
2=anterior UCI,Llegada Hora Paciente=round(Llegada UCI2/60,0),Salida H
ora_Paciente=round(Momento_Terminación_UCI2/60,0))
#Pacientes UCI2
#HACEMOS ESTE BUCLE PARA IDENTIFICAR LOS PACIENTES QUE VIENEN DE OBSER
VACIÓN A PLANTA
for (p in 1:sum(nclientes)) {
 if(Clientes prioridad2[p]=="PLA"){
   contadorOBS PLA<- contadorOBS PLA + 1
   P_OBS_PLA[contadorOBS_PLA]<- Pacientes[p]</pre>
   MOMENTO OBS PLA[contadorOBS PLA]<- as.numeric(Pacientes Observacio
n$Momento Terminación Observacion[which(Pacientes Observacion$P Observ
acion==P OBS PLA[contadorOBS PLA])])
   NODO_OBS_PLA[contadorOBS_PLA]<- "OBS"
   Obs PLA SPLIT[contadorOBS_PLA]<- Pacientes_Observacion$Nodo_anteri
or Obs1[which(Pacientes Observacion P Observacion P OBS PLA[contador0
BS PLA])]
  }
#HACEMOS ESTE BUCLE PARA IDENTIFICAR LOS PACIENTES QUE VIENEN DE QUIRO
FANO A PLANTA
for (a in 1:contadorQUI) {
if(Clientes_prioridad3[a]=="PLA"){
```

```
contadorQUI PLA<- contadorQUI PLA + 1</pre>
    P_QUI_PLA[contadorQUI_PLA]<- P_QUI2[a]</pre>
    MOMENTO QUI PLA[contadorQUI PLA]<- as.numeric(Pacientes QUI2$Momen
to Terminación QUI2[which(Pacientes QUI2$P QUI2==P QUI PLA[contadorQUI
PLA])])
    NODO QUI PLA[contadorQUI PLA]<- "QUI P3"
    QUI_PLA_SPLIT[contadorQUI_PLA]<- Momento_Llegada_QUI$Obs_QUI_SPLIT
[which(Momento_Llegada_QUI$P_QUI==P_QUI_PLA[contadorQUI_PLA])]
  }
}
#CREAMOS UNA MATRIZ PARA PODER CALCULAR LOS MOMENTOS DE LLEGADAS PARAR
EL TERCER STEP
longitud1<- length(Segundo Step CRI) + length(Segundo Step UCI) + leng</pre>
th(P_OBS_PLA) + length(P_QUI_PLA)
Momento Llegada PLA<- data.frame(P PLA, Nodo anterior PLA= NA, Llegada
_PLA= longitud1, SPLIT=NA, ANTERIOR_P4=NA)
#PACIENTES DE CRITICOS
Momento_Llegada_PLA[1:length(Segundo_Step_CRI),1]<- Pacientes_CRI2$P_C</pre>
Momento_Llegada_PLA[1:length(Segundo_Step_CRI),2]<- Segundo_Step_CRI</pre>
Momento Llegada PLA[1:length(Segundo Step CRI),3]<- Pacientes CRI2$Mom
ento_Terminación_CRI2
Momento Llegada PLA[1:length(Segundo Step CRI),4]<- Momento Llegada CR
I1$SPLIT CRI1
Momento Llegada PLA[1:length(Segundo Step CRI),5]<- Pacientes CRI2$Ant
erior_CRI2
#PACIENTES DE UCI
añadir1<- length(Segundo_Step_CRI) + 1</pre>
longitud2<- length(Segundo Step CRI) + length(Segundo Step UCI)</pre>
Momento Llegada PLA[añadir1:longitud2,1]<- Pacientes UCI2$P UCI2
Momento Llegada PLA[añadir1:longitud2,2]<- Segundo Step UCI
Momento Llegada PLA[añadir1:longitud2,3]<- Pacientes UCI2$Momento Term
inación UCI2
Momento Llegada PLA[añadir1:longitud2,4]<- Momento Llegada UCI1$SPLIT
Momento Llegada PLA[añadir1:longitud2,5]<- Pacientes UCI2$Anterior UCI
2
#PACIENTES DE OBSERVACIÓN
añadir2<- <pre>nrow(Momento Llegada PLA) + 1
longitud3<- nrow(Momento Llegada PLA) + length(P OBS PLA)</pre>
Momento Llegada PLA[añadir2:longitud3,1]<- P OBS PLA
Momento_Llegada_PLA[añadir2:longitud3,2]<- NODO_OBS_PLA
Momento Llegada PLA[añadir2:longitud3,3]<- MOMENTO OBS PLA
Momento_Llegada_PLA[añadir2:longitud3,4]<- Obs_PLA_SPLIT</pre>
#PACIENTES DE QUIROFANO
añadir3<- <pre>nrow(Momento_Llegada_PLA) + 1
longitud4<- nrow(Momento_Llegada_PLA) + length(P_QUI_PLA)</pre>
Momento_Llegada_PLA[añadir3:longitud4,1]<- P_QUI_PLA</pre>
Momento_Llegada_PLA[añadir3:longitud4,2]<- NODO_QUI_PLA
```

```
Momento Llegada PLA[añadir3:longitud4,3]<- MOMENTO QUI PLA
Momento Llegada PLA[añadir3:longitud4,4]<- QUI PLA SPLIT
Momento Llegada PLA<- Momento Llegada PLA[with(Momento Llegada PLA, or
der(Momento Llegada PLA$Llegada PLA)), ]
#Momento Llegada PLA
for (u in 1:nrow(Momento_Llegada_PLA)){ #lo hacemos desde 1 hasta el n
umero de pacientes que vayan a planta
  contadorPLA<- contadorPLA +1 #para saber cuantos servidores hay
  Llegada PLA2[u]<- Momento Llegada PLA$Llegada PLA[u]
 #para saber de que pacientes se trata
  p pla<- which(Momento Llegada PLA$Llegada PLA==Momento Llegada PLA$L
legada PLA[u])
  P PLA2[u]<- Momento Llegada PLA$P PLA[p pla]
 Tiempo servicio_PLA2[u]<- runif(1, min = 1440, max = 10080) #rbeta(
1,0.5,0.5)*9000
 {
   if (contadorPLA<=S Disponible PLA2){</pre>
     Momento_Terminación_PLA2[u]<- na.omit(Momento_Llegada_PLA$Llegad
a PLA[u]+ Tiempo servicio PLA2[u])
     Tiempo_Espera_PLA2[u]<- 0
     reajueste_PLA2[u]<- Momento_Terminación_PLA2[u]</pre>
     if(contadorPLA==1){
       Disponible PLA2[u]<- S Disponible PLA2-1
     if(contadorPLA>1){
       if(min(reajueste_PLA2)>Llegada_PLA2[contadorPLA]){
         Disponible_PLA2[u]<- Disponible_PLA2[u-1] - 1</pre>
       if(min(reajueste PLA2)<Llegada PLA2[contadorPLA]){</pre>
         if(Disponible PLA2[u-1]<S Disponible PLA2){</pre>
         Disponible_PLA2[u]<- Disponible_PLA2[u-1] -1</pre>
         if(Disponible PLA2[u-1]==S Disponible PLA2){
           Disponible PLA2[u]<- Disponible PLA2[u-1]
       }
     }
   }
   else{
     minimo PLA2<-min(reajueste PLA2)</pre>
     ordenar PLA2<- order(minimo PLA2, decreasing = T)[1]</pre>
     if(Momento Llegada PLA$Llegada PLA[u]==Momento Llegada PLA$Llega
da_PLA[ordenar_PLA2]){
       Tiempo_Espera_PLA2[u]=minimo_PLA2
      }
     else{
       Tiempo Espera PLA2[u]<- minimo PLA2 - Momento Llegada PLA$Lleg
ada_PLA[u]
       Disponible PLA2[u]<- Disponible PLA2[u-1] - 1
       if(Disponible_PLA2[u-1]==0){
```

```
Disponible_PLA2[u]<- 0</pre>
       if(Tiempo_Espera_PLA2[u]<=0){</pre>
         Tiempo Espera PLA2[u]<- 0
         if(Disponible PLA2[u-1]<S Disponible PLA2){</pre>
         Disponible_PLA2[u]<- Disponible_PLA2[u-1] +1</pre>
         if(Disponible_PLA2[u-1]==S_Disponible_PLA2){
           Disponible_PLA2[u]<- Disponible_PLA2[u-1]</pre>
         }
       }
     }
   }
   Momento_Terminación_PLA2[u]<- Momento_Llegada_PLA$Llegada_PLA[u] +
Tiempo Espera PLA2[u]+Tiempo servicio PLA2[u]
   Tiempo para reajuste PLA2<- reajueste PLA2
   Tiempo_reajustado_PLA2<- replace(Tiempo_para_reajuste_PLA2, Tiempo_
para reajuste PLA2==minimo PLA2 ,Momento Terminación PLA2[u])
   reajueste_PLA2<- Tiempo_reajustado_PLA2</pre>
 }
}
#PARA VER TODOS LOS PACIENTES DE PRIOPRIDAD PLA EN CADA UNO DE LOS SER
Pacientes PLA2<- data.frame(P PLA2=P PLA2, Llegada PLA2=Llegada PLA2, Ti
empo Espera PLA2=Tiempo Espera PLA2, Tiempo servicio PLA2=Tiempo servic
io PLA2, Momento Terminación PLA2=Momento Terminación PLA2, Disponible P
LA2=Disponible PLA2,Llegada Hora Paciente= round(Llegada PLA2/60,0),Sa
lida Hora Paciente=round(Momento Terminación PLA2/60,0))
#Pacientes PLA2
}
Tiempo Medio Llegada Tri<- (length(Pacientes Triaje$P Triaje)/t)</pre>
Tiempo_Medio_Llegada_Con<- (length(Pacientes_Consulta$P_Consulta)/t)
Tiempo Medio Llegada Exp<- (length(Pacientes Exploracion P Exploracion
)/t)
Tiempo Medio Llegada Obs<- (length(Pacientes Observacion$P Observacion
)/t)
Tiempo Medio Llegada RCP<- (length(Pacientes RCP$P_RCP)/t)</pre>
Tiempo Medio Llegada UCI<- (length(Pacientes UCI2$P UCI2)/t)</pre>
Tiempo Medio Llegada CRI<- (length(Pacientes CRI2$P CRI2)/t)
Tiempo Medio Llegada OUI<- (length(Pacientes OUI2$P OUI2)/t)
Tiempo Medio Llegada PLA<- (length(Pacientes PLA2$P PLA2)/t)
Tiempo_Medio_Llegada_ALT<- (length(Momento_Llegada_ALT$P_ALT)/t)</pre>
Tiempo Medio Llegada SIST<- (length(Pacientes Triaje$P Triaje)/t)
Tiempo Medio Ser Tri<- mean(Pacientes Triaje$Tiempo servicio Triaje)
Tiempo Medio Ser Con<- mean(Pacientes Consulta$Tiempo servicio Consult
a)
Tiempo Medio Ser Exp<- mean(Pacientes Exploracion$Tiempo servicio Expl
oracion)
Tiempo Medio Ser Obs<- mean(Pacientes Observacion$Tiempo servicio Obse
```

```
rvacion)
Tiempo_Medio_Ser_RCP<- mean(Pacientes_RCP$Tiempo_servicio_RCP)</pre>
Tiempo Medio Ser UCI<- mean(Pacientes UCI2$Tiempo servicio UCI2)
Tiempo Medio Ser CRI<- mean(Pacientes CRI2$Tiempo servicio CRI2)
Tiempo_Medio_Ser_QUI<- mean(Pacientes_QUI2$Tiempo_servicio_QUI2)</pre>
Tiempo Medio Ser PLA<- mean(Pacientes PLA2$Tiempo servicio PLA2)
Tiempo Medio Ser ALT<- NA
Tiempo Medio Ser SIST<- (Tiempo Medio Ser Con+Tiempo Medio Ser Exp+
                            Tiempo Medio Ser Obs+Tiempo Medio Ser RCP
                            Tiempo Medio Ser UCI+Tiempo Medio Ser CRI
                            Tiempo Medio Ser QUI+Tiempo Medio Ser PLA
)/9
Tiempo Medio Cola Tri<- mean(Pacientes Triaje$Tiempo Espera Triaje)
Tiempo Medio Cola Con<- mean(Pacientes Consulta Tiempo Espera Consulta
Tiempo Medio Cola Exp<- mean(Pacientes Exploracion$Tiempo Espera Explo
racion)
Tiempo Medio Cola Obs<- mean(Pacientes Observacion$Tiempo Espera Obser
vacion)
Tiempo Medio Cola RCP<- mean(Pacientes RCP$Tiempo Espera RCP)
Tiempo Medio Cola UCI<- mean(Pacientes UCI2$Tiempo Espera UCI2)
Tiempo_Medio_Cola_CRI<- mean(Pacientes_CRI2$Tiempo_Espera_CRI2)</pre>
Tiempo Medio Cola QUI<- mean(Pacientes QUI2$Tiempo Espera QUI2)
Tiempo Medio Cola PLA<- mean(Pacientes PLA2$Tiempo Espera PLA2)
Tiempo Medio Cola ALT<- NA
Tiempo Medio Cola SIST<- (Tiempo Medio Cola Tri+Tiempo Medio Cola Con+
Tiempo Medio Cola Exp+
                           Tiempo Medio Cola Obs+Tiempo Medio Cola RC
P+Tiempo Medio Cola UCI+
                          Tiempo Medio Cola CRI+Tiempo Medio Cola QU
I+Tiempo Medio Cola PLA)/9
####################### NÚMERO DE SERVIDORES ##################
Número_Servidores_Tri<- Disponible_Tri
Número Servidores Con<- Disponible Con
Número Servidores Exp<- Disponible Exp
Número_Servidores_Obs<- Disponible_Obs
Número_Servidores_RCP<- Disponible_RCP
Número_Servidores_UCI<- Disponible UCI
Número_Servidores_CRI<- Disponible_CRI
Número Servidores QUI<- Disponible QUI
Número Servidores PLA<- S Disponible PLA2
Número Servidores ALT<- NA
Número Servidores SIST<- sum(Número Servidores Con, Número Servidores E
xp,
                            Número Servidores Obs, Número Servidores R
CP,
                            Número Servidores UCI, Número Servidores C
RI,
                            Número Servidores QUI, Número Servidores P
LA)
```

```
Factor Uti Tri<- Tiempo Medio Llegada Tri/(Número Servidores Tri*Tiemp
o Medio Ser Tri)
Factor Uti Con<- Tiempo Medio Llegada Con/(Número Servidores Con*Tiemp
o Medio Ser Con)
Factor Uti Exp<- Tiempo Medio Llegada Exp/(Número Servidores Exp*Tiemp
o Medio Ser Exp)
Factor Uti Obs<- Tiempo Medio Llegada Obs/(Número Servidores Obs*Tiemp
o Medio Ser Obs)
Factor_Uti_RCP<- Tiempo_Medio_Llegada_RCP/(Número_Servidores_RCP*Tiemp
o Medio Ser RCP)
Factor_Uti_UCI<- Tiempo Medio Llegada_UCI/(Número_Servidores_UCI*Tiemp
o Medio Ser UCI)
Factor Uti CRI<- Tiempo Medio Llegada CRI/(Número Servidores CRI*Tiemp
o_Medio_Ser_CRI)
Factor Uti QUI<- Tiempo Medio Llegada QUI/(Número Servidores QUI*Tiemp
o Medio Ser QUI)
Factor Uti PLA<- Tiempo Medio Llegada PLA/(Número Servidores PLA*Tiemp
o Medio Ser PLA)
Factor_Uti_ALT<- NA
Factor Uti SIST<- Tiempo Medio Llegada SIST/ Tiempo Medio Ser SIST
Tiempo Medio Duración Tri<- mean(Pacientes Triaje$Momento Terminación
Triaje - Pacientes Triaje$Llegada Triaje)
Tiempo Medio Duración Con<- mean(Pacientes Consulta$Momento Terminació
n_Consulta - Pacientes_Consulta$Llegada_Consulta)
Tiempo Medio Duración Exp<- mean(Pacientes Exploracion $Momento Termina
ción Exploracion - Pacientes Exploracion$Llegada Exploracion)
Tiempo Medio Duración Obs<- mean(Pacientes Observacion $Momento Termina
ción Observacion - Pacientes Observacion$Llegada Observacion)
Tiempo Medio Duración RCP<- mean(Pacientes RCP$Momento Terminación RCP
Pacientes_RCP$Llegada_RCP)
Tiempo Medio Duración UCI<- mean(Pacientes UCI2$Momento Terminación UC
I2 - Pacientes UCI2$Llegada UCI2)
Tiempo Medio Duración CRI<- mean(Pacientes CRI2$Momento Terminación CR
I2 - Pacientes_CRI2$Llegada_CRI2)
Tiempo_Medio_Duración_QUI<- mean(Pacientes_QUI2$Momento_Terminación_QU
I2 - Pacientes QUI2$Llegada QUI2)
Tiempo Medio Duración PLA<- mean(Pacientes PLA2$Momento Terminación PL
A2 - Pacientes PLA2$Llegada PLA2)
Tiempo Medio Duración ALT<- NA
Tiempo Medio Duración SIST<- (mean(Momento Llegada ALT$Momento Llegada
                                   mean(Pacientes_PLA2$Momento_Termin
_Incial_ALT)+
ación_PLA2-Pacientes_PLA2$Llegada_PLA2))/2
##################### NÚMERO MEDIO DE PACIENTES EN COLA #########
Número Medio Pa Cola Tri<-length(which(Pacientes Triaje$Tiempo Espera
Triaje>0))/length(Pacientes_Triaje$P_Triaje)
Número Medio Pa Cola Con<-length(which(Pacientes Consulta$Tiempo Esper
a Consulta>0))/length(Pacientes_Consulta$P_Consulta)
Número Medio Pa Cola Exp<-length(which(Pacientes Exploracion$Tiempo Es
pera Exploracion>0))/length(Pacientes Exploracion$P Exploracion)
Número Medio Pa Cola Obs<-length(which(Pacientes Observacion$Tiempo Es
pera_Observacion>0))/length(Pacientes_Observacion$P_Observacion)
Número_Medio_Pa_Cola_RCP<-length(which(Pacientes_RCP$Tiempo_Espera_RCP
>0))/length(Pacientes_RCP$P_RCP)
```

```
Número Medio Pa Cola UCI<-length(which(Pacientes UCI2$Tiempo Espera UC
I2>0))/length(Pacientes_UCI2$P_UCI2)
Número Medio Pa Cola CRI<-length(which(Pacientes CRI2$Tiempo Espera CR
I2>0))/length(Pacientes CRI2$P CRI2)
Número Medio Pa Cola OUI<-length(which(Pacientes OUI2$Tiempo Espera OU
I2>0))/length(Pacientes QUI2$P QUI2)
Número Medio Pa Cola PLA<-length(which(Pacientes PLA2$Tiempo Espera PL
A2>0))/length(Pacientes_PLA2$P_PLA2)
Número Medio Pa Cola ALT<- NA
Número Medio Pa Cola SIST<- (Número Medio Pa Cola Tri+Número Medio Pa
Cola Con+
                             Número Medio Pa Cola Exp+Número Medio Pa
Cola Obs+
                              Número_Medio_Pa_Cola_RCP+Número_Medio_Pa
Cola UCI+
                             Número Medio Pa Cola CRI+Número Medio Pa
Cola QUI+
                               Número Medio Pa Cola PLA)/9
########### NÚMERO MEDIO DE SERVIDORES OCUPADOS ###############
Número Medio Ser Ocu Tri<- Factor Uti Tri*Número Servidores Tri
Número Medio Ser Ocu Con<- Factor Uti Con*Número Servidores Con
Número_Medio_Ser_Ocu_Exp<- Factor_Uti_Exp*Número_Servidores_Exp
Número Medio Ser Ocu Obs<- Factor Uti Obs*Número Servidores Obs
Número Medio Ser Ocu RCP<- Factor Uti RCP*Número Servidores RCP
Número Medio Ser Ocu UCI<- Factor Uti UCI*Número Servidores UCI
Número Medio Ser Ocu CRI<- Factor Uti CRI*Número Servidores CRI
Número Medio Ser Ocu QUI<- Factor Uti QUI*Número Servidores QUI
Número Medio Ser Ocu PLA<- Factor Uti PLA*Número Servidores PLA
Número Medio Ser Ocu ALT<- NA
Número Medio Ser Ocu SIST<- Factor Uti SIST*Número Servidores SIST
########### CREAMOS EL DATA.FRAME DE LOS DATOS #################
Parametros<- data.frame(Nodos=c("Triaje", "Consulta", "Exploración", "Obs
ervación",
                                "RCP", "UCI", "Críticos", "Quirofano",
                                "Planta", "Alta", "Sistema General"),
Tiempo Medio Llegada=c(Tiempo Medio Llegada Tri, Tiempo Medio Llegada C
on, Tiempo Medio Llegada Exp, Tiempo Medio Llegada Obs, Tiempo Medio Lleg
ada RCP, Tiempo Medio Llegada UCI, Tiempo Medio Llegada CRI, Tiempo Medio
Llegada QUI, Tiempo Medio Llegada PLA, Tiempo Medio Llegada ALT, Tiempo
Medio Llegada SIST),
                        Tiempo Medio Servicio=c(Tiempo Medio Ser_Tri,T
iempo Medio Ser Con, Tiempo Medio Ser Exp, Tiempo Medio Ser Obs, Tiempo M
edio Ser RCP, Tiempo Medio Ser UCI, Tiempo Medio Ser CRI, Tiempo Medio Se
r QUI, Tiempo Medio Ser PLA, Tiempo Medio Ser ALT, Tiempo Medio Ser SIST)
                        Número Servidores=c(Número Servidores Tri, Núme
ro Servidores Con, Número Servidores Exp, Número Servidores Obs, Número S
ervidores_RCP, Número_Servidores_UCI, Número_Servidores_CRI, Número_Servi
dores OUI, Número Servidores PLA, Número Servidores ALT, Número Servidore
s SIST),
                        Factor Utilización=c(Factor Uti Tri, Factor Uti
Con, Factor Uti Exp, Factor Uti Obs, Factor Uti RCP, Factor Uti UCI, Facto
r_Uti_CRI,Factor_Uti_QUI,Factor_Uti_PLA,Factor_Uti_ALT,Factor_Uti_SIST
```

```
Tiempo Medio Cola=c(Tiempo Medio Cola Tri, Tiem
po_Medio_Cola_Con,Tiempo_Medio_Cola_Exp,Tiempo_Medio_Cola_Obs,Tiempo_M
edio Cola RCP, Tiempo Medio Cola UCI, Tiempo Medio Cola CRI, Tiempo Medio
Cola QUI, Tiempo Medio Cola PLA, Tiempo Medio Cola ALT, Tiempo Medio Col
a SIST),
                       Tiempo Medio Duración=c(Tiempo Medio Duración
Tri, Tiempo Medio Duración Con, Tiempo Medio Duración Exp, Tiempo Medio D
uración_Obs, Tiempo_Medio_Duración_RCP, Tiempo_Medio_Duración_UCI, Tiempo
Medio Duración CRI, Tiempo Medio Duración QUI, Tiempo Medio Duración PL
A, Tiempo Medio Duración ALT, Tiempo Medio Duración SIST),
                       Número Medio Pacientes En Cola=c(Número Medio
Pa Cola Tri, Número Medio Pa Cola Con, Número Medio Pa Cola Exp, Número M
edio Pa Cola Obs, Número Medio Pa Cola RCP, Número Medio Pa Cola UCI, Núm
ero_Medio_Pa_Cola_CRI,Número_Medio_Pa_Cola_QUI,Número_Medio_Pa_Cola_PL
A, Número Medio Pa Cola_ALT, Número_Medio_Pa_Cola_SIST),
                       Número Medio Servidores Ocupados=c(Número Medi
o Ser Ocu Tri, Número Medio Ser Ocu Con, Número Medio Ser Ocu Exp, Número
Medio Ser Ocu Obs, Número Medio Ser Ocu RCP, Número Medio Ser Ocu UCI, N
umero_Medio_Ser_Ocu_CRI,Número_Medio_Ser_Ocu_QUI,Número_Medio_Ser_Ocu_
PLA, Número Medio Ser Ocu ALT, Número Medio Ser Ocu SIST))
contadorDatos<- 0
Donde Llega Despues Triaje<- 0
Cuando Llega<- 0
Cuando Termina<- 0
Personas<- 0
Donde_se_va<- 0
Momento_Llegada_al_Sistema<-0
Cuando Termina el Triaje<- 0
contador por Con<-0
contador_por_Exp<-0
contador_por_RCP<- 0
contador_por_Obs<- 0</pre>
for (s in 1:sum(nclientes)) {
  contadorDatos<- contadorDatos + 1</pre>
  if(Primer Step[s]== "Con"){
    Personas[contadorDatos]<- contadorDatos</pre>
    Momento Llegada al Sistema[contadorDatos]<- Pacientes Triaje$Llega
da Triaje[which(Pacientes Triaje$P Triaje==Personas[contadorDatos])]
    Cuando Termina el Triaje[contadorDatos]<- Pacientes Triaje$Momento
Terminación Triaje[which(Pacientes Triaje$P Triaje==Personas[contador
Datos])]
    Donde_Llega_Despues_Triaje[contadorDatos]<- "CONSULTA"</pre>
    Cuando Llega[contadorDatos]<- Pacientes Consulta$Llegada Consulta[
which(Pacientes_Consulta$P_Consulta==Personas[contadorDatos])]
    Cuando Termina[contadorDatos]<- Pacientes Consulta$Momento Termina
ción Consulta[which(Pacientes Consulta$P Consulta==Personas[contadorDa
tos])]
    contador_por_Con<- contador_por_Con+1</pre>
if(Primer_Step[s]== "Exp"){
```

```
Personas[contadorDatos]<- contadorDatos</pre>
    Momento Llegada al Sistema[contadorDatos]<- Pacientes Triaje$Llega
da Triaje[which(Pacientes_Triaje$P_Triaje==Personas[contadorDatos])]
    Cuando Termina el Triaje[contadorDatos]<- Pacientes Triaje$Momento
Terminación Triaje[which(Pacientes Triaje$P Triaje==Personas[contador
Datos])]
    Donde_Llega_Despues_Triaje[contadorDatos]<- "EXPLORACIÓN"</pre>
    Cuando Llega[contadorDatos]<- Pacientes Exploracion$Llegada Explor</pre>
acion[which(Pacientes_Exploracion$P_Exploracion==Personas[contadorDato
    Cuando Termina[contadorDatos]<- Pacientes Exploracion$Momento Term
inación Exploracion[which(Pacientes Exploracion$P Exploracion==Persona
s[contadorDatos])]
    contador_por_Exp<- contador_por_Exp +1</pre>
  if(Primer Step[s]== "RCP"){
    Personas[contadorDatos]<- contadorDatos</pre>
    Momento Llegada al Sistema[contadorDatos]<- Pacientes Triaje$Llega
da_Triaje[which(Pacientes_Triaje$P_Triaje==Personas[contadorDatos])]
    Cuando Termina el Triaje[contadorDatos]<- Pacientes Triaje$Momento
Terminación Triaje[which(Pacientes Triaje$P Triaje==Personas[contador
Datos1)1
    Donde_Llega_Despues_Triaje[contadorDatos]<- "RCP"</pre>
    Cuando Llega[contadorDatos]<- Pacientes RCP$Llegada RCP[which(Paci</pre>
entes_RCP$P_RCP==Personas[contadorDatos])]
    Cuando_Termina[contadorDatos]<- Pacientes_RCP$Momento_Terminación
RCP[which(Pacientes RCP$P RCP==Personas[contadorDatos])]
    contador por RCP<- contador por RCP +1</pre>
  if(Primer_Step[s] == "Obs"){
    Personas[contadorDatos]<- contadorDatos</pre>
    Momento Llegada al Sistema[contadorDatos]<- Pacientes_Triaje$Llega
da Triaje[which(Pacientes Triaje$P Triaje==Personas[contadorDatos])]
    Cuando_Termina_el_Triaje[contadorDatos]<- Pacientes_Triaje$Momento
_Terminación_Triaje[which(Pacientes_Triaje$P_Triaje==Personas[contador
Datos])]
    Donde Llega Despues Triaje[contadorDatos]<- Pacientes Observacion$
Nodo anterior Obs1[which(Pacientes Observacion P Observacion==Personas
[contadorDatos])]
    if(Donde_Llega_Despues_Triaje[contadorDatos]=="NINGUNO"){
      Donde_Llega_Despues_Triaje[contadorDatos]<- "OBSERVACIÓN"</pre>
      Cuando_Llega[contadorDatos]<- Pacientes_Observacion$Llegada_Obse</pre>
rvacion[which(Pacientes Observacion$P Observacion==Personas[contadorDa
tos])]
      Cuando Termina[contadorDatos]<- Pacientes Observacion$Momento Te
rminación Observacion[which(Pacientes Observacion P Observacion==Perso
nas[contadorDatos])]
      contador_por_Obs<- contador_por_Obs+1</pre>
    else{
    Cuando Llega[contadorDatos]<- Pacientes Consulta$Llegada Consulta[
which(Pacientes_Consulta$P_Consulta==Personas[contadorDatos])]
    Cuando_Termina[contadorDatos]<- Pacientes_Consulta$Momento_Termina</pre>
ción Consulta[which(Pacientes Consulta$P Consulta==Personas[contadorDa
```

```
tos])]
  }
Porcentaje Consulta Paso1<- (contador por Con/sum(nclientes))*100
Porcentaje_Exploracion_Paso1<- (contador_por_Exp/sum(nclientes))*100
Porcentaje_RCP_Paso1<- (contador_por_RCP/sum(nclientes))*100</pre>
Porcentaje Observacion Paso1<- (contador por Obs/sum(nclientes))*100
Origen_Paso1<- c("TRIAJE","TRIAJE","TRIAJE","TRIAJE")</pre>
Destino Paso1<- c("CONSULTA", "EXPLORACIÓN", "RCP", "OBSERVACIÓN")</pre>
Porcentaje Paso1<- c(Porcentaje Consulta Paso1, Porcentaje Exploracion
Paso1,
                     Porcentaje RCP_Paso1, Porcentaje Observacion_Paso1
)
datos<- data.frame(Personas=Pacientes, Momento Llegada al Sistema=Momen</pre>
to Llegada al Sistema, Cuando Termina el Triaje=Cuando Termina el Triaj
e,Donde_Llega_Despues_Triaje=Donde_Llega_Despues_Triaje,Cuando_Llega=C
uando Llega, Cuando Termina = Cuando Termina)
#DE CONSULTA A ALTA
contador_Con_ALT<- 0
nodo_Con_ALT<- 0
numero paciente Con ALT<- 0
Momento terminacion Con ALT<- 0
for (d in 1:length(Momento Llegada ALT$P ALT)) {
  if(Momento Llegada_ALT$Nodo_anterior_ALT[d]=="Con"){
    contador Con ALT<- contador Con ALT + 1
    nodo_Con_ALT[contador_Con_ALT]<- "ALTA"</pre>
    numero paciente Con ALT[contador Con ALT]<- Momento Llegada ALT$P
ALT[d]
    Momento terminacion Con ALT[contador Con ALT]<- Momento Llegada AL
T$Llegada_ALT[d]
  }
Porcentaje Con Alta Paso2<- (contador Con ALT/length(Pacientes Consult
a$P Consulta))*100
Con ALT<- data.frame(numero paciente Con ALT=numero paciente Con ALT,
                     Momento terminacion Con ALT=Momento terminacion C
on ALT,
                 nodo Con ALT=nodo Con ALT)
Con ALT- Con ALT[with(Con ALT, order(Con ALT$numero paciente Con ALT)
), ]
#DE CONSULTA A OBSERVACIÓN
contador Con OBS<- 0
nodo Con OBS<- 0
numero paciente Con OBS<- 0
Momento_terminacion_Con_OBS<- 0
for (f in 1:length(Pacientes_Observacion1$P_Observacion)) {
if(Pacientes Observacion1$Nodo anterior Obs[f]=="CONSULTA"){
```

```
contador_Con_OBS<- contador_Con_OBS + 1</pre>
    nodo_Con_OBS[contador_Con_OBS]<- "OBSERVACIÓN"
    numero paciente Con OBS[contador Con OBS]<- Pacientes Observacion1
$P Observacion[f]
    Momento terminacion Con OBS[contador Con OBS]<- Pacientes Observac
ion$Momento Terminación Observacion[which(Pacientes Observacion$P Obse
rvacion==numero_paciente_Con_OBS[contador_Con_OBS])]
Porcentaje Con Observacion Paso2<- (contador Con OBS/length(Pacientes
Consulta$P_Consulta))*100
Con OBS<- data.frame(numero paciente Con OBS=numero paciente Con OBS,
                     Momento_terminacion_Con_OBS=Momento_terminacion_C
on OBS,
                     nodo Con OBS=nodo Con OBS)
Con OBS<- Con OBS[with(Con OBS, order(Con OBS$numero paciente Con OBS)
), ]
#DE CONSULTA A UCI
contador Con UCI<- 0
nodo Con UCI<- 0
numero paciente Con UCI<- 0
Momento_terminacion_Con_UCI<- 0
for (g in 1:length(Momento_Llegada_UCI1$P_UCI)) {
  if(Momento Llegada UCI1$Nodo anterior UCI[g]=="Con"){
    if(Momento Llegada UCI1$SPLIT UCI1[g]!="CONSULTA"){
      contador Con UCI<- contador Con UCI + 1</pre>
      nodo Con UCI[contador_Con_UCI]<- "UCI"</pre>
      numero paciente Con UCI[contador Con UCI]<- Momento Llegada UCI1
$P UCI[g]
      Momento terminacion Con UCI[contador Con UCI]<- Pacientes UCI2$M
omento Terminación UCI2[which(Pacientes UCI2$P UCI2==numero paciente C
on UCI[contador_Con_UCI])]
    }
  }
Porcentaje Con UCI Paso2<- (contador Con UCI/length(Pacientes Consulta
$P Consulta))*100
Con UCI<- data.frame(numero paciente Con UCI=numero paciente Con UCI,
                     Momento terminacion Con UCI=Momento terminacion C
on UCI,
                     nodo Con UCI=nodo Con UCI)
Con UCI<- Con UCI[with(Con UCI, order(Con UCI$numero paciente Con UCI)
), ]
#DE CONSULTA A CRÍTICOS
contador Con CRI<- 0
nodo Con CRI<- 0
numero paciente Con CRI<- 0
Momento_terminacion_Con_CRI<- 0
for (h in 1:length(Momento_Llegada_CRI1$P_CRI)) {
if(Momento Llegada CRI1$Nodo anterior CRI[h]=="Con"){
```

```
if(Momento Llegada CRI1$SPLIT CRI1[h]!="CONSULTA"){
      contador Con CRI<- contador Con CRI + 1</pre>
      nodo_Con_CRI[contador_Con_CRI]<- "CRÍTICOS"</pre>
      numero paciente Con CRI[contador Con CRI]<- Momento Llegada CRI1
$P CRI[h]
      Momento terminacion Con CRI[contador Con CRI]<- Pacientes CRI2$M
omento Terminación CRI2[which(Pacientes CRI2$P CRI2==numero paciente C
on_CRI[contador_Con_CRI])]
    }
  }
Porcentaje Con CRI Paso2<- (contador Con CRI/length(Pacientes Consulta
$P_Consulta))*100
Con CRI<- data.frame(numero paciente Con CRI=numero paciente Con CRI,
                     Momento terminacion Con CRI=Momento terminacion C
on_CRI,
                     nodo Con CRI=nodo Con CRI)
Con CRI<- Con CRI[with(Con CRI, order(Con CRI$numero paciente Con CRI)</pre>
), ]
#DE CONSULTA A QUIROFANO
contador Con QUI<- 0
nodo_Con_QUI<- 0
numero_paciente_Con_QUI<- 0</pre>
Momento terminacion Con QUI<- 0
for (ñ in 1:length(Momento Llegada QUI$P QUI)) {
  if(Momento Llegada QUI$Nodo anterior QUI[ñ]=="Con"){
    if(Momento_Llegada_QUI$Obs_QUI_SPLIT[ñ]!="CONSULTA"){
      contador_Con_QUI<- contador_Con_QUI + 1</pre>
      nodo_Con_QUI[contador_Con_QUI]<- "QUIROFANO"</pre>
      numero paciente Con OUI[contador Con OUI]<- Momento Llegada OUI$
P QUI[ñ]
      Momento terminacion Con QUI[contador Con QUI]<- Pacientes QUI2$M
omento Terminación QUI2[which(Pacientes QUI2$P QUI2==numero paciente C
on_QUI[contador_Con_QUI])]
    }
  }
Porcentaje Con QUI Paso2<- (contador Con QUI/length(Pacientes Consulta
$P_Consulta))*100
Con QUI<- data.frame(numero paciente Con QUI=numero paciente Con QUI,
                     Momento terminacion Con QUI=Momento terminacion C
on QUI,
                     nodo Con QUI=nodo Con QUI)
Con QUI<- Con QUI[with(Con QUI, order(Con QUI$numero paciente Con QUI)
),]
#DE EXPLORACIÓN A UCI
contador Exp UCI<- 0
nodo Exp_UCI<- 0
numero_paciente_Exp_UCI<- 0</pre>
Momento terminacion Exp_UCI<- 0
```

```
for (z in 1:length(Momento Llegada UCI1$P UCI)) {
  if(Momento Llegada_UCI1$Nodo anterior_UCI[z]=="Exp"){
    if(Momento_Llegada_UCI1$SPLIT_UCI1[z]!="CONSULTA"){
      contador Exp UCI<- contador Exp UCI + 1
      nodo Exp UCI[contador Exp UCI]<- "UCI"</pre>
      numero paciente Exp UCI[contador Exp UCI]<- Momento Llegada UCI1
$P UCI[z]
      Momento terminacion Exp UCI[contador Exp UCI]<- Pacientes UCI2$M
omento_Terminación_UCI2[which(Pacientes_UCI2$P_UCI2==numero_paciente_E
xp UCI[contador Exp UCI])]
  }
Porcentaje_Exp_UCI_Paso2<- (contador_Exp_UCI/length(Pacientes Explorac</pre>
ion$P Exploracion))*100
Exp UCI<- data.frame(numero paciente Exp UCI=numero paciente Exp UCI,
                     Momento terminacion Exp UCI=Momento terminacion E
xp_UCI,
                     nodo Exp UCI=nodo Exp UCI)
Exp UCI<- Exp UCI[with(Exp UCI, order(Exp UCI$numero paciente Exp UCI)</pre>
#DE EXPLORACIÓN A CRÍTICOS
contador_Exp_CRI<- 0
nodo Exp CRI<- 0
numero paciente Exp CRI<- 0
Momento terminacion Exp CRI<- 0
for (x in 1:length(Momento Llegada CRI1$P CRI)) {
  if(Momento_Llegada_CRI1$Nodo_anterior_CRI[x]=="Exp"){
    if(Momento_Llegada_CRI1$SPLIT_CRI1[x]!="CONSULTA"){
      contador_Exp_CRI<- contador Exp CRI + 1</pre>
      nodo Exp CRI[contador Exp CRI]<- "CRÍTICOS"
      numero paciente Exp CRI[contador Exp CRI]<- Momento Llegada CRI1
$P CRI[x]
      Momento terminacion Exp CRI[contador Exp CRI]<- Pacientes CRI2$M
omento Terminación CRI2[which(Pacientes CRI2$P CRI2==numero paciente E
xp CRI[contador Exp CRI])]
    }
Porcentaje Exp CRI Paso2<- (contador Exp CRI/length(Pacientes Explorac
ion$P Exploracion))*100
Exp CRI<- data.frame(numero paciente Exp CRI=numero paciente Exp CRI,
                     Momento terminacion Exp CRI=Momento terminacion E
xp_CRI,
                     nodo Exp CRI=nodo Exp CRI)
Exp CRI<- Exp CRI[with(Exp CRI, order(Exp CRI$numero paciente Exp CRI)</pre>
#DE EXPLORACIÓN A QUIROFANO
contador_Exp_QUI<- 0</pre>
nodo_Exp_QUI<- 0
```

```
numero paciente Exp QUI<- 0
Momento_terminacion_Exp_QUI<- 0
for (c in 1:length(Momento_Llegada_QUI$P_QUI)) {
  if(Momento Llegada QUI$Nodo anterior QUI[c]=="Exp"){
    if(Momento Llegada QUI$Obs QUI SPLIT[c]!="CONSULTA"){
      contador Exp QUI<- contador Exp QUI + 1
      nodo Exp QUI[contador Exp QUI]<- "QUIROFANO"</pre>
      numero paciente Exp QUI[contador Exp QUI]<- Momento Llegada QUI$
P_QUI[c]
      Momento terminacion Exp OUI[contador Exp OUI]<- Pacientes OUI2$M
omento Terminación QUI2[which(Pacientes QUI2$P QUI2==numero paciente E
xp_QUI[contador_Exp_QUI])]
    }
  }
Porcentaje Exp QUI Paso2<- (contador Exp QUI/length(Pacientes Explorac
ion$P Exploracion))*100
Exp_QUI<- data.frame(numero_paciente_Exp_QUI=numero_paciente_Exp_QUI,</pre>
                     Momento terminacion Exp QUI=Momento terminacion E
xp_QUI,
                     nodo Exp QUI=nodo Exp QUI)
Exp QUI<- Exp QUI[with(Exp QUI, order(Exp QUI$numero paciente Exp QUI)</pre>
), ]
#DE RCP A UCI
contador RCP UCI<- 0
nodo RCP UCI<- 0
numero paciente RCP_UCI<- 0
Momento_terminacion_RCP_UCI<- 0
for (v in 1:length(Momento Llegada UCI1$P UCI)) {
  if(Momento Llegada UCI1$Nodo anterior UCI[v]=="RCP"){
    if(Momento Llegada UCI1$SPLIT UCI1[v]!="CONSULTA"){
      contador RCP UCI<- contador RCP UCI + 1</pre>
      nodo RCP UCI[contador RCP UCI]<- "UCI"
      numero paciente RCP UCI[contador RCP UCI]<- Momento Llegada UCI1
$P UCI[v]
      Momento terminacion RCP UCI[contador RCP UCI]<- Pacientes UCI2$M
omento Terminación UCI2[which(Pacientes UCI2$P UCI2==numero paciente R
CP_UCI[contador_RCP_UCI])]
    }
  }
Porcentaje RCP UCI Paso2<- (contador RCP UCI/length(Pacientes RCP$P RC
P))*100
RCP UCI<- data.frame(numero paciente RCP UCI=numero paciente RCP UCI,
                     Momento terminacion RCP UCI=Momento terminacion R
CP UCI,
                     nodo RCP UCI=nodo RCP UCI)
RCP UCI<- RCP UCI[with(RCP UCI, order(RCP UCI$numero paciente RCP UCI)</pre>
), ]
#DE RCP A CRÍTICOS
```

```
contador_RCP_CRI<- 0
nodo RCP CRI<- 0
numero_paciente_RCP_CRI<- 0
Momento terminacion RCP CRI<- 0
for (b in 1:length(Momento Llegada CRI1$P CRI)) {
  if(Momento Llegada CRI1$Nodo anterior CRI[b]=="RCP"){
    if(Momento_Llegada_CRI1$SPLIT_CRI1[b]!="CONSULTA"){
      contador_RCP_CRI<- contador_RCP_CRI + 1</pre>
      nodo_RCP_CRI[contador_RCP_CRI]<- "CRÍTICOS"</pre>
      numero paciente RCP CRI[contador RCP CRI]<- Momento Llegada CRI1
$P CRI[b]
      Momento terminacion RCP CRI[contador RCP CRI]<- Pacientes CRI2$M
omento Terminación CRI2[which(Pacientes CRI2$P CRI2==numero paciente R
CP_CRI[contador_RCP_CRI])]
   }
  }
Porcentaje RCP CRI Paso2<- (contador RCP CRI/length(Pacientes RCP$P RC
P))*100
RCP CRI<- data.frame(numero paciente RCP CRI=numero paciente RCP CRI,
                     Momento terminacion RCP CRI=Momento terminacion R
CP_CRI,
                     nodo RCP CRI=nodo RCP CRI)
RCP CRI<- RCP CRI[with(RCP CRI, order(RCP CRI$numero paciente RCP CRI)</pre>
), ]
#DE RCP A QUIROFANO
contador_RCP_QUI<- 0
nodo_RCP_QUI<- 0
numero_paciente_RCP_QUI<- 0
Momento terminacion_RCP_QUI<- 0
for (n in 1:length(Momento Llegada QUI$P QUI)) {
  if(Momento_Llegada_QUI$Nodo_anterior_QUI[n]=="RCP"){
    if(Momento_Llegada_QUI$Obs_QUI_SPLIT[n]!="CONSULTA"){
      contador_RCP_QUI<- contador_RCP_QUI + 1</pre>
      nodo RCP QUI[contador RCP QUI]<- "QUIROFANO"</pre>
      numero paciente RCP QUI[contador RCP QUI]<- Momento Llegada QUI$
P QUI[n]
      Momento terminacion RCP QUI[contador RCP QUI]<- Pacientes QUI2$M
omento Terminación QUI2[which(Pacientes QUI2$P QUI2==numero paciente R
CP_QUI[contador_RCP_QUI])]
    }
  }
Porcentaje RCP QUI Paso2<- (contador RCP QUI/length(Pacientes RCP$P RC
P))*100
RCP_QUI<- data.frame(numero_paciente_RCP_QUI=numero_paciente_RCP_QUI,
                     Momento terminacion RCP QUI=Momento terminacion R
CP_QUI,
                     nodo RCP QUI=nodo RCP QUI)
RCP_QUI<- RCP_QUI[with(RCP_QUI, order(RCP_QUI$numero_paciente_RCP_QUI)</pre>
```

```
#DE OBSERVACIÓN A UCI
contador_Obs_UCI<- 0
nodo Obs UCI<- 0
numero paciente Obs UCI<- 0
Momento terminacion Obs UCI<- 0
for (q in 1:length(Momento Llegada UCI1$P UCI)) {
  if(Momento Llegada_UCI1$Nodo anterior_UCI[q]=="Obs"){
    if(Momento_Llegada_UCI1$SPLIT_UCI1[q]=="NINGUNO"){
      contador Obs UCI<- contador Obs UCI + 1
      nodo Obs UCI[contador Obs UCI]<- "UCI"
      numero_paciente_Obs_UCI[contador_Obs_UCI]<- Momento_Llegada_UCI1</pre>
$P_UCI[q]
      Momento_terminacion_Obs_UCI[contador_Obs_UCI]<- Pacientes_UCI2$M
omento Terminación UCI2[which(Pacientes UCI2$P UCI2==numero paciente 0
bs_UCI[contador_Obs_UCI])]
  }
Porcentaje Obs UCI Paso2<- (contador Obs UCI/length(which(Pacientes Ob
servacion$Nodo_anterior_Obs1=="NINGUNO")))*100
Obs UCI<- data.frame(numero paciente Obs UCI=numero paciente Obs UCI,
                     Momento terminacion Obs UCI=Momento terminacion O
bs_UCI,
                     nodo Obs UCI=nodo Obs UCI)
Obs UCI<- Obs UCI[with(Obs UCI, order(Obs UCI$numero paciente Obs UCI)
), ]
#DE OBSERVACIÓN A CRÍTICOS
contador_Obs_CRI<- 0
nodo Obs CRI<- 0
numero paciente Obs CRI<- 0
Momento_terminacion_Obs_CRI<- 0
for (n in 1:length(Momento_Llegada_CRI1$P_CRI)) {
  if(Momento_Llegada_CRI1$Nodo_anterior_CRI[n]=="Obs"){
    if(Momento Llegada CRI1$SPLIT CRI1[n]=="NINGUNO"){
      contador Obs CRI<- contador Obs CRI + 1</pre>
      nodo_Obs_CRI[contador_Obs_CRI]<- "CRÍTICOS"
      numero paciente Obs CRI[contador Obs CRI]<- Momento Llegada CRI1
$P_CRI[n]
      Momento terminacion Obs CRI[contador Obs CRI]<- Pacientes CRI2$M
omento Terminación CRI2[which(Pacientes CRI2$P CRI2==numero paciente 0
bs_CRI[contador_Obs_CRI])]
    }
  }
Porcentaje_Obs_CRI_Paso2<- (contador_Obs_CRI/length(which(Pacientes_Ob
servacion$Nodo anterior Obs1=="NINGUNO")))*100
Obs CRI<- data.frame(numero paciente Obs CRI=numero paciente Obs CRI,
                     Momento terminacion Obs CRI=Momento terminacion O
bs_CRI,
                     nodo Obs CRI=nodo Obs CRI)
```

```
Obs CRI<- Obs CRI[with(Obs CRI, order(Obs CRI$numero paciente Obs CRI)
), ]
#DE OBSERVACIÓN A QUIROFANO
contador Obs QUI<- 0
nodo Obs QUI<- 0
numero_paciente_Obs_QUI<- 0
Momento_terminacion_Obs_QUI<- 0
for (w in 1:length(Momento Llegada QUI$P QUI)) {
  if(Momento Llegada OUI$Nodo anterior OUI[w]=="Obs"){
    if(Momento Llegada QUI$Obs QUI SPLIT[w]=="NINGUNO"){
      contador_Obs_QUI<- contador_Obs_QUI + 1</pre>
      nodo Obs QUI[contador_Obs_QUI]<- "QUIROFANO"</pre>
      numero_paciente_Obs_QUI[contador_Obs_QUI]<- Momento_Llegada_QUI$</pre>
P QUI[w]
      Momento terminacion Obs QUI[contador Obs QUI]<- Pacientes QUI2$M
omento Terminación QUI2[which(Pacientes QUI2$P QUI2==numero paciente 0
bs QUI[contador Obs QUI])]
    }
  }
Porcentaje Obs QUI Paso2<- (contador Obs QUI/length(which(Pacientes Ob
servacion$Nodo anterior Obs1=="NINGUNO")))*100
Obs QUI<- data.frame(numero paciente Obs QUI=numero paciente Obs QUI,
                     Momento terminacion Obs QUI=Momento terminacion O
bs QUI,
                     nodo Obs QUI=nodo Obs QUI)
Obs QUI<- Obs QUI[with(Obs QUI, order(Obs QUI$numero paciente Obs QUI)
), ]
#DE OBSERVACIÓN A ALTA
contador Obs ALT<- 0
nodo_Obs_ALT<- 0
numero paciente Obs ALT<- 0
Momento_terminacion_Obs_ALT<- 0
for (e in 1:length(Momento Llegada ALT$P ALT)) {
  if(Momento Llegada ALT$Nodo anterior ALT[e]=="Obs"){
    if(Momento_Llegada_ALT$Obs_ALT_SPLIT[e]=="NINGUNO"){
      contador Obs ALT<- contador Obs ALT + 1
      nodo_Obs_ALT[contador_Obs_ALT]<- "ALTA"
      numero paciente Obs ALT[contador Obs ALT]<- Momento Llegada ALT$
P ALT[e]
      Momento terminacion Obs ALT[contador Obs ALT]<- Momento Llegada
ALT$Llegada ALT[e]
    }
  }
}
Porcentaje_Obs_ALT_Paso2<- (contador_Obs_ALT/length(which(Pacientes Ob
servacion$Nodo anterior Obs1=="NINGUNO")))*100
Obs ALT<- data.frame(numero paciente Obs ALT=numero paciente Obs ALT,
                     Momento_terminacion_Obs_ALT=Momento_terminacion_O
bs_ALT,
```

```
nodo Obs ALT=nodo Obs ALT)
Obs_ALT<- Obs_ALT[with(Obs_ALT, order(Obs_ALT$numero paciente Obs_ALT)
), ]
#DE OBSERVACIÓN A PLANTA
contador Obs PLA<- 0
nodo Obs PLA<- 0
numero paciente Obs PLA<- 0
Momento_terminacion_Obs_PLA<- 0
for (r in 1:length(Momento Llegada PLA$P PLA)) {
    if(Momento Llegada PLA$Nodo anterior PLA[r]=="OBS"){
        if(Momento Llegada PLA$SPLIT[r]=="NINGUNO"){
             contador_Obs_PLA<- contador_Obs_PLA + 1</pre>
             nodo_Obs_PLA[contador_Obs_PLA]<- "PLANTA"</pre>
             numero paciente Obs PLA[contador Obs PLA]<- Momento Llegada PLA$
P PLA[r]
             Momento terminacion Obs PLA[contador Obs PLA]<- Pacientes PLA2$M
omento Terminación PLA2[which(Pacientes PLA2$P PLA2==numero paciente O
bs_PLA[contador_Obs_PLA])]
        }
    }
Porcentaje Obs PLA Paso2<- (contador Obs PLA/length(which(Pacientes Ob
servacion$Nodo_anterior_Obs1=="NINGUNO")))*100
Obs PLA<- data.frame(numero paciente Obs PLA=numero paciente Obs PLA,
                                             Momento terminacion Obs PLA=Momento terminacion O
bs PLA,
                                             nodo Obs PLA=nodo Obs PLA)
Obs PLA<- Obs PLA[with(Obs PLA, order(Obs PLA$numero paciente Obs PLA)
Origen Paso2<- c("CONSULTA", "CONSULTA", "
                                    "EXPLORACIÓN", "EXPLORACIÓN", "EXPLORACIÓN",
                                    "RCP", "RCP", "OBSERVACIÓN", "OBSERVACIÓN",
                                    "OBSERVACIÓN", "OBSERVACIÓN", "OBSERVACIÓN")
Destino Paso2<- c("ALTA", "OBSERVACIÓN", "UCI", "CRÍTICOS", "QUIROFANO",
                                       "UCI", "CRÍTICOS", "QUIROFANO", "UCI",
                                       "CRÍTICOS", "QUIROFANO", "UCI", "CRÍTICOS",
                                       "QUIROFANO", "ALTA", "PLANTA")
Porcentaje Paso2<- c(Porcentaje Con Alta Paso2, Porcentaje Con Observac
ion Paso2,
                                             Porcentaje Con UCI Paso2, Porcentaje Con CRI Paso2
                                             Porcentaje Con QUI Paso2, Porcentaje Exp UCI Paso2
                                             Porcentaje Exp CRI Paso2, Porcentaje Exp QUI Paso2
                                             Porcentaje RCP UCI Paso2, Porcentaje RCP CRI Paso2
                                             Porcentaje RCP_QUI_Paso2,Porcentaje_Obs_UCI_Paso2
                                             Porcentaje Obs CRI_Paso2, Porcentaje Obs QUI_Paso2
```

```
Porcentaje Obs ALT Paso2, Porcentaje Obs PLA Paso2
Numero Paciente Segundo Paso<- c(Con ALT$numero paciente Con ALT,
                                  Con OBS$numero paciente Con OBS,
                                  Con UCI$numero paciente Con UCI,
                                  Con_CRI$numero_paciente_Con_CRI,
                                  Con QUI$numero paciente Con QUI,
                                  Exp_UCI$numero paciente Exp_UCI,
                                  Exp CRI$numero paciente Exp CRI,
                                  Exp QUI$numero paciente Exp QUI,
                                  RCP_UCI$numero_paciente_RCP_UCI,
                                  RCP_CRI$numero_paciente_RCP_CRI,
                                  RCP_QUI$numero_paciente_RCP_QUI,
                                  Obs UCI$numero paciente Obs UCI,
                                  Obs CRI$numero paciente Obs CRI,
                                  Obs QUI$numero paciente Obs QUI,
                                  Obs_ALT$numero_paciente_Obs_ALT,
                                  Obs_PLA$numero_paciente_Obs_PLA)
Numero Paciente Segundo Paso[Numero Paciente Segundo Paso==0]<- NA
Numero_Paciente_Segundo_Paso<- na.omit(Numero_Paciente_Segundo_Paso)</pre>
Donde Llega Segundo Paso<- c(Con ALT$nodo Con ALT,
                              Con OBS$nodo Con OBS,
                              Con UCI$nodo Con UCI,
                              Con CRI$nodo Con CRI,
                              Con QUI$nodo Con QUI,
                              Exp UCI$nodo Exp UCI,
                              Exp_CRI$nodo_Exp_CRI,
                              Exp_QUI$nodo_Exp_QUI,
                              RCP UCI$nodo RCP UCI,
                              RCP CRI$nodo RCP CRI,
                              RCP QUI$nodo RCP QUI,
                              Obs_UCI$nodo_Obs_UCI,
                              Obs_CRI$nodo_Obs_CRI,
                              Obs QUI$nodo Obs QUI,
                              Obs ALT$nodo Obs ALT,
                              Obs PLA$nodo Obs PLA)
Donde_Llega_Segundo_Paso[Donde_Llega_Segundo_Paso==0]<- NA
Donde Llega Segundo Paso<- na.omit(Donde Llega Segundo Paso)</pre>
Cuando Termina Segundo Paso<- c(Con ALT$Momento terminacion Con ALT,
                              Con OBS$Momento terminacion Con OBS,
                              Con_UCI$Momento_terminacion_Con_UCI,
                              Con_CRI$Momento_terminacion_Con_CRI,
                              Con_QUI$Momento_terminacion_Con_QUI,
                               Exp UCI$Momento terminacion Exp UCI,
                               Exp CRI$Momento terminacion Exp CRI,
                               Exp QUI$Momento terminacion Exp QUI,
                              RCP_UCI$Momento_terminacion_RCP_UCI,
                              RCP_CRI$Momento_terminacion_RCP_CRI,
                               RCP_QUI$Momento_terminacion_RCP_QUI,
```

```
Obs_UCI$Momento_terminacion_Obs_UCI,
                              Obs_CRI$Momento_terminacion_Obs_CRI,
                              Obs_QUI$Momento_terminacion_Obs_QUI,
                              Obs ALT$Momento terminacion Obs ALT,
                              Obs PLA$Momento terminacion Obs PLA)
Cuando Termina Segundo Paso[Cuando Termina Segundo Paso==0]<- NA
Cuando Termina Segundo Paso<- na.omit(Cuando Termina Segundo Paso)</pre>
Segundo Paso<- data.frame(Numero Paciente Segundo Paso=Numero Paciente
Segundo Paso,
                          Donde Llega Segundo Paso=Donde Llega Segundo
_Paso,
                          Cuando_Termina_Segundo_Paso=Cuando_Termina_S
egundo Paso)
Segundo Paso<- Segundo Paso[with(Segundo Paso, order(Segundo Paso$Nume
ro Paciente Segundo Paso)), ]
datos<- data.frame(Personas=Pacientes, Momento Llegada al Sistema=Momen</pre>
to Llegada al Sistema, Cuando Termina el Triaje = Cuando Termina el Triaj
e,Donde_Llega_Despues_Triaje=Donde_Llega_Despues_Triaje,Cuando_Llega=C
uando Llega, Cuando Termina=Cuando Termina, Donde Llega Segundo Paso=Seg
undo Paso$Donde Llega Segundo Paso,Cuando Termina Segundo Paso=Segundo
Paso$Cuando_Termina_Segundo_Paso)
#DE OBSERVACIÓN A UCI
contador Obs UCI P3<- 0
nodo_Obs_UCI_P3<- 0
numero paciente Obs UCI P3<- 0
Momento terminacion Obs UCI P3<- 0
for (q in 1:length(Momento Llegada UCI1$P UCI)) {
  if(Momento Llegada_UCI1$Nodo anterior_UCI[q]=="Obs"){
    if(Momento_Llegada_UCI1$SPLIT_UCI1[q]=="CONSULTA"){
      contador Obs UCI P3<- contador Obs UCI P3 + 1
      nodo_Obs_UCI_P3[contador_Obs_UCI_P3]<- "UCI"</pre>
      numero_paciente_Obs_UCI_P3[contador_Obs_UCI_P3]<- Momento_Llegad</pre>
a UCI1$P UCI[q]
      Momento terminacion Obs UCI P3[contador Obs UCI P3]<- Pacientes
UCI2$Momento Terminación UCI2[which(Pacientes UCI2$P UCI2==numero paci
ente Obs UCI P3[contador Obs UCI P3])]
    }
  }
Porcentaje Obs UCI Paso3<- (contador Obs UCI P3/length(which(Pacientes
_Observacion$Nodo_anterior_Obs1=="CONSULTA")))*100
nodo Obs UCI P3[nodo Obs UCI P3==0]<- NA
nodo Obs UCI P3<- na.omit(nodo Obs UCI P3)</pre>
Porcentaje_Obs_UCI_Paso3[Porcentaje_Obs_UCI_Paso3==0]<- NA
Porcentaje Obs UCI Paso3<- na.omit(Porcentaje Obs UCI Paso3)</pre>
numero_paciente_Obs_UCI_P3[numero_paciente_Obs_UCI_P3==0]<- NA</pre>
numero paciente Obs UCI P3<- na.omit(numero paciente Obs UCI P3)</pre>
```

```
Momento_terminacion_Obs_UCI_P3[Momento_terminacion_Obs_UCI_P3==0]<- NA
Momento terminacion Obs UCI P3<- na.omit(Momento terminacion Obs UCI P
Obs UCI P3<- data.frame(numero_paciente_Obs_UCI_P3=numero_paciente_Obs
_UCI_P3,
                     Momento terminacion Obs UCI_P3=Momento terminacio
n_Obs_UCI_P3,
                     nodo Obs UCI P3=nodo Obs UCI P3)
Obs UCI P3<- Obs UCI P3[with(Obs UCI P3, order(Obs UCI P35numero pacie
nte_Obs_UCI_P3)), ]
#DE OBSERVACIÓN A CRÍTICOS
contador Obs CRI P3<- 0
nodo Obs CRI P3<- 0
numero paciente Obs CRI P3<- 0
Momento terminacion Obs CRI P3<- 0
for (n in 1:length(Momento_Llegada_CRI1$P_CRI)) {
  if(Momento_Llegada_CRI1$Nodo_anterior_CRI[n]=="Obs"){
    if(Momento Llegada CRI1$SPLIT CRI1[n]=="CONSULTA"){
      contador Obs CRI P3<- contador Obs CRI P3 + 1
      nodo_Obs_CRI_P3[contador_Obs_CRI_P3]<- "CRÍTICOS"
      numero paciente Obs CRI P3[contador Obs CRI P3]<- Momento Llegad
a_CRI1$P_CRI[n]
      Momento_terminacion_Obs_CRI_P3[contador_Obs_CRI_P3]<- Pacientes
CRI2$Momento Terminación CRI2[which(Pacientes CRI2$P CRI2==numero paci
ente Obs CRI P3[contador Obs CRI P3])]
  }
Porcentaje_Obs_CRI_Paso3<- (contador_Obs_CRI_P3/length(which(Pacientes
_Observacion$Nodo_anterior_Obs1=="CONSULTA")))*100
nodo Obs CRI P3[nodo Obs CRI P3==0]<- NA
nodo Obs_CRI_P3<- na.omit(nodo_Obs_CRI_P3)</pre>
Porcentaje_Obs_CRI_Paso3[Porcentaje_Obs_CRI_Paso3==0]<- NA
Porcentaje Obs CRI Paso3<- na.omit(Porcentaje Obs CRI Paso3)</pre>
numero paciente Obs CRI P3[numero paciente Obs CRI P3==0]<- NA
numero_paciente_Obs_CRI_P3<- na.omit(numero_paciente_Obs_CRI_P3)</pre>
Momento_terminacion_Obs_CRI_P3[Momento_terminacion_Obs_CRI_P3==0]<- NA
Momento terminacion Obs CRI P3<- na.omit(Momento terminacion Obs CRI P
3)
Obs CRI P3<- data.frame(numero paciente Obs CRI P3=numero paciente Obs
_CRI_P3,
                     Momento terminacion Obs CRI_P3=Momento terminacio
n_Obs_CRI_P3,
                     nodo Obs CRI P3=nodo Obs CRI P3)
Obs CRI P3<- Obs CRI P3[with(Obs CRI P3, order(Obs CRI P3$numero pacie
nte Obs CRI P3)), ]
#DE OBSERVACIÓN A QUIROFANO
contador_Obs_QUI_P3<- 0
nodo Obs QUI P3<- 0
```

```
numero_paciente_Obs_QUI_P3<- 0
Momento terminacion Obs QUI P3<- 0
for (w in 1:length(Momento_Llegada_QUI$P_QUI)) {
  if(Momento Llegada QUI$Nodo anterior QUI[w]=="Obs"){
    if(Momento_Llegada_QUI$Obs_QUI_SPLIT[w]=="CONSULTA"){
      contador Obs QUI P3<- contador Obs QUI P3 + 1
      nodo_Obs_QUI_P3[contador_Obs_QUI_P3]<- "QUIROFANO"
      numero paciente Obs QUI P3[contador Obs QUI P3]<- Momento Llegad
a QUI$P QUI[w]
      Momento terminacion Obs QUI P3[contador Obs QUI P3]<- Pacientes
QUI2$Momento_Terminación_QUI2[which(Pacientes_QUI2$P_QUI2==numero_paci
ente_Obs_QUI_P3[contador_Obs_QUI_P3])]
  }
Porcentaje Obs QUI Paso3<- (contador Obs QUI P3/length(which(Pacientes
Observacion$Nodo anterior Obs1=="CONSULTA")))*100
Obs QUI P3<- data.frame(numero paciente Obs QUI P3=numero paciente Obs
_QUI_P3,
                        Momento terminacion Obs QUI P3=Momento termina
cion Obs QUI P3,
                     nodo Obs QUI P3=nodo Obs QUI P3)
Obs QUI P3<- Obs QUI P3[with(Obs QUI P3, order(Obs QUI P3$numero pacie
nte Obs QUI P3)), ]
#DE OBSERVACIÓN A ALTA
contador Obs ALT P3<- 0
nodo_Obs_ALT_P3<- 0
numero_paciente_Obs_ALT_P3<- 0
Momento_terminacion_Obs_ALT_P3<- 0
for (e in 1:length(Momento Llegada ALT$P ALT)) {
  if(Momento Llegada ALT$Nodo anterior ALT[e]=="Obs"){
    if(Momento_Llegada_ALT$Obs_ALT_SPLIT[e]=="CONSULTA"){
      contador_Obs_ALT_P3<- contador_Obs_ALT_P3 + 1</pre>
      nodo_Obs_ALT_P3[contador_Obs_ALT_P3]<- "ALTA"</pre>
      numero paciente Obs ALT P3[contador Obs ALT P3]<- Momento Llegad
a ALT$P ALT[e]
      Momento terminacion Obs ALT P3[contador Obs ALT P3]<- Momento L1
egada_ALT$Llegada_ALT[e]
  }
Porcentaje Obs ALT Paso3<- (contador Obs ALT P3/length(which(Pacientes
Observacion$Nodo anterior Obs1=="CONSULTA")))*100
Obs ALT P3<- data.frame(numero paciente Obs ALT P3=numero paciente Obs
_ALT_P3,
                        Momento terminacion Obs ALT P3=Momento termina
cion Obs ALT P3,
                        nodo Obs ALT P3=nodo Obs ALT P3)
Obs_ALT_P3<- Obs_ALT_P3[with(Obs_ALT_P3, order(Obs_ALT_P3$numero_pacie
nte_Obs_ALT_P3)), ]
```

```
#DE OBSERVACIÓN A PLANTA
contador_Obs_PLA_P3<- 0
nodo Obs PLA P3<- 0
numero paciente Obs PLA P3<- 0
Momento terminacion Obs PLA P3<- 0
for (r in 1:length(Momento Llegada PLA$P PLA)) {
  if(Momento_Llegada_PLA$Nodo_anterior_PLA[r]=="OBS"){
    if(Momento_Llegada_PLA$SPLIT[r]=="CONSULTA"){
      contador_Obs_PLA_P3<- contador_Obs_PLA_P3 + 1
      nodo Obs PLA P3[contador Obs PLA P3]<- "PLANTA"
      numero paciente_Obs_PLA_P3[contador_Obs_PLA_P3]<- Momento_Llegad</pre>
a PLA$P PLA[r]
      Momento terminacion Obs PLA P3[contador Obs PLA P3]<- Pacientes
PLA2$Momento_Terminación_PLA2[which(Pacientes_PLA2$P_PLA2==numero_paci
ente_Obs_PLA_P3[contador_Obs_PLA_P3])]
  }
Porcentaje_Obs_PLA_Paso3<- (contador_Obs_PLA_P3/length(which(Pacientes
Observacion$Nodo anterior Obs1=="CONSULTA")))*100
Obs PLA P3<- data.frame(numero paciente Obs PLA P3=numero paciente Obs
PLA P3,
                        Momento_terminacion_Obs_PLA_P3=Momento_termina
cion Obs_PLA_P3,
                     nodo Obs PLA P3=nodo Obs PLA P3)
Obs PLA P3<- Obs PLA P3[with(Obs PLA P3, order(Obs PLA P3$numero pacie
nte_Obs_PLA_P3)), ]
#DE UCI A PLANTA
contador_UCI_PLA_P3<- 0
nodo UCI_PLA_P3<- 0
numero paciente UCI PLA P3<- 0
Momento terminacion UCI PLA P3<- 0
for (r in 1:length(Momento_Llegada_PLA$P_PLA)) {
  if(Momento_Llegada_PLA$Nodo_anterior_PLA[r]=="UCI"){
    if(Momento Llegada PLA$ANTERIOR P4[r]!="QUI P3"){
      if(Momento Llegada PLA$SPLIT[r]=="NADA" | Momento Llegada PLA$SP
LIT[r]=="NINGUNO"){
        contador UCI PLA P3<- contador UCI PLA P3 + 1
        nodo_UCI_PLA_P3[contador_UCI_PLA_P3]<- "PLANTA"</pre>
        numero paciente UCI PLA P3[contador UCI PLA P3]<- Momento Lleg
ada_PLA$P_PLA[r]
        Momento terminacion UCI PLA P3[contador UCI PLA P3]<- Paciente
s PLA2$Momento Terminación PLA2[which(Pacientes PLA2$P PLA2==numero pa
ciente UCI PLA P3[contador UCI PLA P3])]
    }
  }
Porcentaje UCI PLA Paso3<- 100
UCI_PLA_P3<- data.frame(numero_paciente_UCI_PLA_P3=numero_paciente_UCI</pre>
PLA P3,
```

```
Momento_terminacion_UCI_PLA_P3=Momento_termina
cion_UCI_PLA_P3,
                        nodo UCI PLA P3=nodo UCI PLA P3)
UCI PLA P3<- UCI PLA P3[with(UCI PLA P3, order(UCI PLA P3$numero pacie
nte UCI PLA P3)), ]
#DE CRÍTICOS A PLANTA
contador_CRI_PLA_P3<- 0
nodo_CRI_PLA_P3<- 0
numero paciente CRI PLA P3<- 0
Momento terminacion CRI PLA P3<- 0
for (r in 1:length(Momento Llegada PLA$P PLA)) {
  if(Momento_Llegada_PLA$Nodo_anterior_PLA[r]=="CRI"){
    if(Momento_Llegada_PLA$ANTERIOR_P4[r]!="QUI_P3"){
      if(Momento Llegada PLA$SPLIT[r]=="NADA" | Momento Llegada PLA$SP
LIT[r]=="NINGUNO"){
        contador CRI PLA P3<- contador CRI PLA P3 + 1
        nodo CRI PLA P3[contador CRI PLA P3]<- "PLANTA"
        numero paciente CRI PLA P3[contador CRI PLA P3]<- Momento Lleg
ada PLA$P PLA[r]
        Momento terminacion CRI PLA P3[contador CRI PLA P3]<- Paciente
s_PLA2$Momento_Terminación_PLA2[which(Pacientes_PLA2$P_PLA2==numero_pa
ciente CRI PLA P3[contador CRI PLA P3])]
    }
  }
Porcentaje CRI PLA Paso3<- 100
CRI PLA P3<- data.frame(numero paciente CRI PLA P3=numero paciente CRI
_PLA_P3,
                        Momento terminacion CRI PLA P3=Momento termina
cion CRI PLA P3,
                        nodo CRI PLA P3=nodo CRI PLA P3)
CRI PLA P3<- CRI PLA P3[with(CRI PLA P3, order(CRI PLA P3$numero pacie
nte_CRI_PLA_P3)), ]
#DE QUIROFANO A PLANTA
contador_QUI_PLA_P3<- 0
nodo QUI PLA P3<- 0
numero_paciente_QUI_PLA_P3<- 0
Momento_terminacion_QUI_PLA_P3<- 0
for (r in 1:length(Momento Llegada PLA$P PLA)) {
  if(Momento Llegada PLA$Nodo anterior PLA[r]=="OUI P3"){
    if(Momento Llegada PLA$SPLIT[r]=="NADA" | Momento Llegada PLA$SPLI
T[r]=="NINGUNO"){
      contador_QUI_PLA_P3<- contador_QUI_PLA_P3 + 1
      nodo_QUI_PLA_P3[contador_QUI_PLA_P3]<- "PLANTA"</pre>
      numero paciente QUI PLA P3[contador_QUI_PLA_P3]<- Momento_Llegad
a PLA$P PLA[r]
      Momento terminacion QUI PLA P3[contador QUI PLA P3]<- Pacientes
PLA2$Momento_Terminación_PLA2[which(Pacientes_PLA2$P_PLA2==numero_paci
ente_QUI_PLA_P3[contador_QUI_PLA_P3])]
```

```
}
Porcentaje QUI PLA Paso3<- (contador QUI PLA P3/length(which(Momento L
legada QUI$Obs QUI SPLIT=="NADA" | Momento Llegada QUI$Obs QUI SPLIT==
"NINGUNO")))*100
QUI_PLA_P3<- data.frame(numero_paciente_QUI_PLA_P3=numero_paciente_QUI
PLA P3,
                        Momento terminacion QUI PLA P3=Momento termina
cion QUI PLA P3,
                        nodo QUI PLA P3=nodo QUI PLA P3)
QUI_PLA_P3<- QUI_PLA_P3[with(QUI_PLA_P3, order(QUI_PLA_P3$numero_pacie
nte QUI PLA P3)), ]
#DE QUIROFANO A CRÍTICOS
contador QUI CRI P3<- 0
nodo QUI CRI P3<- 0
numero_paciente_QUI_CRI_P3<- 0
Momento_terminacion_QUI_CRI_P3<- 0</pre>
for (n in 1:length(Momento Llegada CRI1$P CRI)) {
  if(Momento Llegada CRI1$Nodo anterior CRI[n]=="QUI P3"){
    if(Momento_Llegada_CRI1$SPLIT_CRI1[n]=="NADA" | Momento_Llegada_CR
I1$SPLIT_CRI1[n] == "NINGUNO"){
      contador_QUI_CRI_P3<- contador_QUI_CRI_P3 + 1</pre>
      nodo_QUI_CRI_P3[contador_QUI_CRI_P3]<- "CRÍTICOS"</pre>
      numero paciente QUI CRI P3[contador QUI CRI P3]<- Momento Llegad
a CRI1$P CRI[n]
      Momento_terminacion_QUI_CRI_P3[contador_QUI_CRI_P3]<- Pacientes_
CRI2$Momento Terminación CRI2[which(Pacientes CRI2$P CRI2==numero paci
ente QUI CRI P3[contador QUI CRI P3])]
  }
Porcentaje QUI CRI Paso3<- (contador QUI CRI P3/length(which(Momento L
legada_QUI$Obs_QUI_SPLIT=="NADA" | Momento_Llegada_QUI$Obs_QUI_SPLIT==
"NINGUNO")))*100
QUI CRI P3<- data.frame(numero paciente QUI CRI P3=numero paciente QUI
_CRI_P3,
                        Momento_terminacion_QUI_CRI_P3=Momento_termina
cion_QUI_CRI_P3,
                     nodo QUI CRI P3=nodo QUI CRI P3)
QUI CRI P3<- QUI CRI P3[with(QUI CRI P3, order(QUI CRI P3$numero pacie
nte QUI CRI P3)), ]
#DE QUIROFANO A UCI
contador QUI UCI P3<- 0
nodo_QUI_UCI_P3<- 0
numero paciente QUI UCI P3<- 0
Momento terminacion QUI UCI P3<- 0
for (q in 1:length(Momento_Llegada_UCI1$P_UCI)) {
  if(Momento_Llegada_UCI1$Nodo_anterior_UCI[q]=="QUI_P3"){
    if(Momento_Llegada_UCI1$SPLIT_UCI1[q]=="NADA" | Momento_Llegada_UC
I1$SPLIT_UCI1[q]=="NINGUNO"){
```

```
contador QUI UCI P3<- contador QUI UCI P3 + 1
      nodo QUI_UCI_P3[contador_QUI_UCI_P3]<- "UCI"
      numero paciente QUI UCI P3[contador QUI UCI P3]<- Momento Llegad
a UCI1$P UCI[q]
      Momento terminacion QUI UCI P3[contador QUI UCI P3]<- Pacientes
UCI2$Momento Terminación UCI2[which(Pacientes UCI2$P UCI2==numero paci
ente QUI UCI P3[contador QUI UCI P3])]
  }
Porcentaje QUI UCI Paso3<- (contador QUI UCI P3/length(which(Momento L
legada QUI$Obs QUI SPLIT=="NADA" | Momento Llegada QUI$Obs QUI SPLIT==
"NINGUNO")))*100
nodo QUI UCI P3[nodo QUI UCI P3==0]<- NA
nodo QUI UCI P3<- na.omit(nodo QUI UCI P3)</pre>
Porcentaje QUI UCI Paso3[Porcentaje QUI UCI Paso3==0]<- NA
Porcentaje QUI_UCI_Paso3<- na.omit(Porcentaje_QUI_UCI_Paso3)</pre>
numero paciente QUI UCI P3[numero paciente QUI UCI P3==0]<- NA
numero paciente QUI UCI P3<- na.omit(numero paciente QUI UCI P3)
Momento terminacion QUI UCI P3[Momento terminacion QUI UCI P3==0]<- NA
Momento terminacion QUI UCI P3<- na.omit(Momento terminacion QUI UCI P
3)
QUI UCI P3<- data.frame(numero paciente QUI UCI P3=numero paciente QUI
UCI P3,
                        Momento terminacion QUI UCI P3=Momento termina
cion QUI UCI P3,
                        nodo QUI UCI P3=nodo QUI UCI P3)
QUI UCI P3<- QUI_UCI_P3[with(QUI_UCI_P3, order(QUI_UCI_P3$numero_pacie
nte QUI UCI P3)), ]
Origen Paso3<- c("OBSERVACIÓN", "OBSERVACIÓN", "OBSERVACIÓN", "OBSERVACIÓ
N", "OBSERVACIÓN", "UCI", "CRÍTICOS", "QUIROFANO", "QUIROFANO", "QUIROFANO")
Destino_Paso3<- c("UCI","CRÍTICOS","QUIROFANO","ALTA","PLANTA","PLANTA
                  "PLANTA", "PLANTA", "CRÍTICOS", "UCI")
Porcentaje Paso3<- c(Porcentaje Obs UCI Paso3, Porcentaje Obs CRI Paso3
                     Porcentaje Obs QUI Paso3, Porcentaje Obs ALT Paso3
                     Porcentaje Obs_PLA_Paso3, Porcentaje_UCI_PLA_Paso3
                     Porcentaje CRI PLA Paso3, Porcentaje QUI PLA Paso3
                     Porcentaje QUI CRI Paso3, Porcentaje QUI UCI Paso3
)
Numero Paciente Tercer Paso<- c(Obs UCI P3$numero paciente Obs UCI P3,
                                Obs CRI P3$numero paciente Obs CRI P3,
                                Obs QUI P3$numero paciente Obs QUI P3,
                                Obs ALT P3$numero_paciente_Obs_ALT_P3,
                                Obs_PLA_P3$numero_paciente_Obs_PLA_P3,
                                UCI_PLA_P3$numero_paciente_UCI_PLA_P3,
```

```
CRI PLA P3$numero paciente CRI PLA P3,
                                QUI PLA P3$numero_paciente QUI PLA P3,
                                QUI_CRI_P3$numero_paciente QUI_CRI_P3,
                                QUI UCI P3$numero paciente QUI UCI P3)
Donde Llega Tercer Paso<-c(Obs UCI P3$nodo Obs UCI P3,
                           Obs CRI P3$nodo Obs CRI P3,
                           Obs QUI P3$nodo Obs QUI P3,
                           Obs_ALT_P3$nodo Obs_ALT_P3,
                           Obs PLA P3$nodo Obs PLA P3,
                           UCI PLA P3$nodo UCI PLA P3,
                           CRI PLA P3$nodo CRI PLA P3,
                           QUI_PLA_P3$nodo_QUI_PLA_P3,
                           QUI_CRI_P3$nodo_QUI_CRI_P3,
                           QUI UCI P3$nodo QUI UCI P3)
Cuando Termina Tercer Paso<- c(Obs UCI P3$Momento terminacion Obs UCI
P3,
                               Obs CRI P3$Momento terminacion Obs CRI
Р3,
                               Obs QUI P3$Momento terminacion Obs QUI
P3,
                               Obs_ALT_P3$Momento_terminacion_Obs_ALT_
Р3,
                               Obs PLA P3$Momento terminacion Obs PLA
Р3,
                               UCI PLA P3$Momento terminacion UCI PLA
Р3,
                               CRI PLA P3$Momento terminacion CRI PLA
Р3,
                               QUI PLA P3$Momento terminacion QUI PLA
Р3,
                               QUI CRI P3$Momento terminacion QUI CRI
Р3,
                               QUI UCI P3$Momento terminacion QUI UCI
P3)
Tercer Paso<- data.frame(Numero Paciente Tercer Paso=Numero Paciente T
ercer Paso, Donde Llega Tercer Paso = Donde Llega Tercer Paso, Cuando Term
ina Tercer_Paso=Cuando Termina_Tercer_Paso)
Tercer_Paso<- Tercer_Paso[with(Tercer_Paso, order(Tercer_Paso$Numero_P
aciente Tercer Paso)), ]
ki<- nrow(Tercer Paso)+1
Tercer_Paso[ki:nrow(datos),1]<- 0</pre>
contar 1<- 0; contar 2<- 0; contar1 1<-0; contar1 2<- 0; personis 1<-
personis 2<- 0; personis 3<-0; personis 4<-0; diferencia 1<-0; diferen
cia 2<- 0
print<- 0; rango_inicio<- 0; rango_fin<- 0; Donde1<-0; Donde2<- 0; Don</pre>
de3<-0
```

```
Donde4<-0; Cuando1<-0; Cuando2<-0; Cuando3<- 0; Cuando4<-0; longitud5<
longitud6<-0; longitud7<-0; longitud8<- 0; longitud9<- 0</pre>
for (i in 2:sum(nclientes)) {
  if(Tercer Paso$Numero Paciente Tercer Paso[i]-Tercer Paso$Numero Pac
iente_Tercer_Paso[i-1]!=1){
    contar_1<-contar_1 +1</pre>
    diferencia_1[contar_1]<- Tercer_Paso$Numero_Paciente_Tercer_Paso[i</pre>
- Tercer Paso$Numero Paciente Tercer Paso[i-1] - 1
    if(diferencia 1[contar 1]==1){
      contar1 1<- contar1 1+1
      personis 1[contar1 1]<- Tercer Paso$Numero Paciente Tercer Paso[</pre>
i-1]+1
      Donde1[contar1 1]<- NA
      Cuando1[contar1 1]<- NA
    personis_1[personis_1==0]<- NA</pre>
    personis_1<- na.omit(personis_1)</pre>
  }
for (i in 2:sum(nclientes)) {
  if(Tercer_Paso$Numero_Paciente_Tercer_Paso[i]!=0){
  if(Tercer Paso$Numero Paciente Tercer Paso[i]-Tercer Paso$Numero Pac
iente_Tercer_Paso[i-1]!=1){
    contar 2<-contar 2 +1</pre>
    diferencia 2[contar 2]<- Tercer Paso$Numero Paciente Tercer Paso[i
- Tercer Paso$Numero Paciente Tercer Paso[i-1] - 1
    if(diferencia_2[contar_2]!=1){
      contar1_2<- contar1_2+1
      añadir4<- contar1_2 + longitud5
      longitud5<- añadir4 + diferencia 2[contar 2] -1</pre>
      rango inicio<- Tercer Paso$Numero Paciente Tercer Paso[i-1] + 1
      rango_fin<- Tercer_Paso$Numero_Paciente_Tercer_Paso[i] - 1</pre>
      personis_2[añadir4:longitud5]<- rango_inicio:rango_fin</pre>
      personis_2[personis_2==0]<- NA</pre>
      Donde2[añadir4:longitud5]<- 1</pre>
      Cuando2[añadir4:longitud5]<- 1</pre>
      Donde2[Donde2==0]<- NA
      Cuando2[Cuando2==0]<- NA
    }
  }
    if(Tercer Paso$Numero Paciente Tercer Paso[i]-Tercer Paso$Numero P
aciente Tercer Paso[i-1]==0){
      print<- Tercer Paso$Numero Paciente Tercer Paso[i]</pre>
    }
}
personis 2<- na.omit(personis 2)</pre>
Donde2<- na.omit(Donde2)</pre>
Cuando2<- na.omit(Cuando2)</pre>
Donde2[Donde2==1]<- NA
Cuando2[Cuando2==1]<- NA
```

```
Tercer Paso<- data.frame(Numero Paciente Tercer Paso=Numero Paciente T
ercer Paso, Donde Llega Tercer Paso=Donde Llega Tercer Paso, Cuando Term
ina_Tercer_Paso=Cuando_Termina_Tercer_Paso)
Tercer_Paso<- Tercer_Paso[with(Tercer_Paso, order(Tercer Paso$Numero P</pre>
aciente Tercer Paso)), ]
if(min(Tercer_Paso$Numero_Paciente_Tercer_Paso)>1){
  longitud6<- min(Tercer_Paso$Numero_Paciente_Tercer_Paso)-1</pre>
  personis_3[1:longitud6]<- 1:longitud6</pre>
  Donde3[1:longitud6]<- NA
  Cuando3[1:longitud6]<- NA
if(max(Tercer_Paso$Numero_Paciente_Tercer_Paso)<sum(nclientes)){</pre>
  longitud7<- max(Tercer_Paso$Numero_Paciente_Tercer_Paso)+1</pre>
  longitud9<- max(Tercer Paso$Numero Paciente Tercer Paso)</pre>
  longitud8<- sum(nclientes) - longitud9</pre>
  personis 4[1:longitud8]<- longitud7:sum(nclientes)</pre>
  Donde4[1:longitud8]<- NA
  Cuando4[1:longitud8]<- NA
if(length(Donde4)==1 & personis 4==0){
   Donde4<- NA
   Donde4<- na.omit(Donde4)</pre>
if(length(Cuando4)==1 & personis_4==0){
   Cuando4<- NA
   Cuando4<- na.omit(Cuando4)</pre>
if(length(Donde3)==1 & personis 3==0){
   Donde3<- NA
   Donde3<- na.omit(Donde3)</pre>
if(length(Cuando3)==1 & personis 3==0){
   Cuando3<- NA
   Cuando3<- na.omit(Cuando3)</pre>
if(length(personis 3)==1 & personis 3==0){
  personis 3<- NA
  personis 3<- na.omit(personis 3)</pre>
if(length(personis_4)==1 & personis_4==0){
  personis_4<- NA
  personis 4<- na.omit(personis 4)</pre>
unir personis<- c(personis 1,personis 2,personis 3,personis 4)
unir_Donde<- c(Donde1,Donde2,Donde3,Donde4)</pre>
unir_Cuando<- c(Cuando1, Cuando2, Cuando3, Cuando4)</pre>
Tercer Paso<- data.frame(Numero Paciente Tercer Paso=c(Numero Paciente
Tercer Paso, unir personis), Donde Llega Tercer Paso=c(Donde Llega Terc
er Paso, unir Donde), Cuando Termina Tercer Paso=c(Cuando Termina Tercer
_Paso,unir_Cuando))
Tercer Paso<- Tercer Paso[with(Tercer Paso, order(Tercer Paso$Numero P
```

```
aciente_Tercer_Paso)), ]
datos<- data.frame(Personas=Pacientes, Momento_Llegada_al_Sistema=Momen</pre>
to Llegada al Sistema, Cuando Termina el Triaje = Cuando Termina el Triaj
e,Donde Llega Despues Triaje=Donde Llega Despues Triaje,Cuando Llega=C
uando Llega, Cuando Termina-Cuando Termina, Donde Llega Segundo Paso-Seg
undo Paso$Donde Llega Segundo Paso,Cuando Termina Segundo Paso=Segundo
_Paso$Cuando Termina Segundo Paso,Donde Llega_Tercer Paso=Tercer Paso$
Donde Llega Tercer Paso, Cuando Termina Tercer Paso=Tercer Paso$Cuando
Termina Tercer Paso)
if(is.logical(Porcentaje Obs UCI Paso3)==FALSE){
  Porcentaje Paso3[1]<- 0
if(is.logical(Porcentaje_Obs_CRI_Paso3)==FALSE){
  Porcentaje Paso3[2]<- 0
if(is.logical(Porcentaje_Obs_QUI_Paso3)==FALSE){
  Porcentaje_Paso3[3]<- 0
if(is.logical(Porcentaje Obs ALT Paso3)==FALSE){
 Porcentaje Paso3[4]<- 0
if(is.logical(Porcentaje_Obs_PLA_Paso3)==FALSE){
  Porcentaje_Paso3[5]<- 0
if(is.logical(Porcentaje UCI PLA Paso3)==FALSE){
  Porcentaje Paso3[6]<- 0
if(is.logical(Porcentaje_CRI_PLA_Paso3)==FALSE){
  Porcentaje_Paso3[7]<- 0
if(is.logical(Porcentaje QUI PLA Paso3)==FALSE){
  Porcentaje Paso3[8]<- 0
if(is.logical(Porcentaje_QUI_CRI_Paso3)==FALSE){
  Porcentaje_Paso3[9]<- 0
if(is.logical(Porcentaje QUI UCI Paso3)==FALSE){
  Porcentaje Paso3[10]<- 0
}
#DE UCI A PLANTA
contador UCI PLA P4<- 0
nodo_UCI_PLA_P4<- 0
numero_paciente_UCI_PLA_P4<- 0
Momento_terminacion_UCI_PLA_P4<- 0
contador UCI PLA P4 2<-0
nodo UCI PLA P4 2<-0
numero paciente UCI PLA P4 2<- 0
Momento terminacion UCI PLA P4 2<-0
for (r in 1:length(Momento_Llegada_PLA$P_PLA)) {
if(Momento_Llegada_PLA$Nodo_anterior_PLA[r]=="UCI"){
```

```
if(Momento Llegada PLA$ANTERIOR P4[r]=="QUI P3"){
      if(Momento Llegada PLA$SPLIT[r]=="NADA" | Momento Llegada PLA$SP
LIT[r]=="NINGUNO"){
        contador UCI PLA P4<- contador UCI PLA P4 + 1
        nodo UCI PLA P4[contador UCI PLA P4]<- "PLANTA"
        numero paciente UCI PLA P4[contador UCI PLA P4]<- Momento Lleg
ada_PLA$P_PLA[r]
        Momento_terminacion_UCI_PLA_P4[contador_UCI_PLA_P4]<- Paciente
s_PLA2$Momento_Terminación_PLA2[which(Pacientes_PLA2$P_PLA2==numero pa
ciente UCI PLA P4[contador UCI PLA P4])]
    if(Momento_Llegada_PLA$ANTERIOR_P4[r]=="Obs"){
      if(Momento_Llegada_PLA$SPLIT[r]=="CONSULTA"){
        contador_UCI_PLA_P4_2<- contador_UCI_PLA_P4_2 + 1</pre>
        nodo UCI PLA P4 2[contador UCI PLA P4 2]<- "PLANTA"
        numero paciente UCI PLA P4 2[contador UCI PLA P4 2]<- Momento
Llegada_PLA$P_PLA[r]
        Momento terminacion UCI PLA P4 2[contador UCI PLA P4 2]<- Paci
entes PLA2$Momento Terminación PLA2[which(Pacientes PLA2$P PLA2==numer
o paciente UCI PLA P4 2[contador UCI PLA P4 2])]
      }
    }
  }
Porcentaje UCI PLA Paso4<- 100
nodo UCI PLA P4[nodo UCI PLA P4==0]<- NA
nodo UCI_PLA_P4<- na.omit(nodo UCI_PLA_P4)</pre>
numero paciente UCI PLA P4[numero paciente UCI PLA P4==0]<- NA
numero paciente UCI PLA P4<- na.omit(numero paciente UCI PLA P4)
Momento terminacion UCI PLA P4[Momento terminacion UCI PLA P4==0]<- NA
Momento terminacion UCI PLA P4<- na.omit(Momento terminacion UCI PLA P
4)
nodo UCI_PLA_P4_2[nodo_UCI_PLA_P4_2==0]<- NA
nodo UCI PLA P4 2<- na.omit(nodo UCI PLA P4 2)</pre>
Porcentaje UCI PLA Paso4[Porcentaje UCI PLA Paso4==0]<- NA
Porcentaje_UCI_PLA_Paso4<- na.omit(Porcentaje_UCI_PLA_Paso4)</pre>
numero paciente UCI PLA P4 2[numero paciente UCI PLA P4 2==0]<- NA
numero paciente UCI PLA P4 2<- na.omit(numero paciente UCI PLA P4 2)
Momento_terminacion_UCI_PLA_P4_2[Momento_terminacion_UCI_PLA_P4_2==0]<
Momento terminacion UCI PLA P4 2<- na.omit(Momento terminacion UCI PLA
_P4_2)
UCI PLA P4<- data.frame(numero paciente UCI PLA P4=c(numero paciente U
CI_PLA_P4, numero_paciente_UCI_PLA_P4_2),
                        Momento terminacion UCI PLA P4=c(Momento termi
nacion UCI PLA P4, Momento terminacion UCI PLA P4 2),
                        nodo UCI PLA P4=c(nodo UCI PLA P4, nodo UCI PLA
P4 2))
UCI_PLA_P4<- UCI_PLA_P4[with(UCI_PLA_P4, order(UCI_PLA_P4$numero_pacie</pre>
nte_UCI_PLA_P4)), ]
```

```
#DE CRÍTICOS A PLANTA
contador_CRI_PLA_P4<- 0
nodo CRI PLA P4<- 0
numero_paciente_CRI_PLA P4<- 0
Momento terminacion CRI PLA P4<- 0
contador CRI PLA P4 2<-0
nodo CRI PLA P4 2<-0
numero paciente CRI PLA P4_2<- 0
Momento terminacion CRI PLA P4 2<-0
for (r in 1:length(Momento Llegada PLA$P PLA)) {
  if(Momento_Llegada_PLA$Nodo_anterior_PLA[r]=="CRI"){
    if(Momento_Llegada_PLA$ANTERIOR_P4[r]=="QUI_P3"){
      if(Momento_Llegada_PLA$SPLIT[r]=="NADA" | Momento_Llegada_PLA$SP
LIT[r]=="NINGUNO"){
        contador CRI PLA P4<- contador CRI PLA P4 + 1
        nodo_CRI_PLA_P4[contador_CRI_PLA_P4]<- "PLANTA"</pre>
        numero paciente CRI PLA P4[contador CRI PLA P4]<- Momento Lleg
ada_PLA$P_PLA[r]
        Momento terminacion CRI PLA P4[contador CRI PLA P4]<- Paciente
s PLA2$Momento Terminación PLA2[which(Pacientes PLA2$P PLA2==numero pa
ciente_CRI_PLA_P4[contador_CRI_PLA_P4])]
      }
    if(Momento_Llegada_PLA$ANTERIOR_P4[r]=="Obs"){
      if(Momento Llegada PLA$SPLIT[r]=="CONSULTA"){
        contador CRI PLA P4 2<- contador CRI PLA P4 2 + 1
        nodo_CRI_PLA_P4_2[contador_CRI_PLA_P4_2]<- "PLANTA"
        numero paciente CRI PLA P4 2[contador CRI PLA P4 2]<- Momento
Llegada_PLA$P_PLA[r]
        Momento terminacion CRI PLA P4 2[contador CRI PLA P4 2]<- Paci
entes_PLA2$Momento_Terminación_PLA2[which(Pacientes PLA2$P PLA2==numer
o_paciente_CRI_PLA_P4_2[contador_CRI_PLA_P4_2])]
  }
Porcentaje CRI PLA Paso4<- 100
nodo CRI_PLA_P4_2[nodo_CRI_PLA_P4_2==0]<- NA
nodo CRI PLA P4 2<- na.omit(nodo CRI PLA P4 2)
Porcentaje CRI PLA Paso4[Porcentaje CRI PLA Paso4==0]<- NA
Porcentaje CRI PLA Paso4<- na.omit(Porcentaje CRI PLA Paso4)</pre>
numero paciente CRI PLA P4 2[numero paciente CRI PLA P4 2==0]<- NA
numero paciente CRI PLA P4 2<- na.omit(numero paciente CRI PLA P4 2)
Momento_terminacion_CRI_PLA_P4_2[Momento_terminacion_CRI_PLA_P4_2==0]
Momento_terminacion_CRI_PLA_P4_2<- na.omit(Momento_terminacion_CRI_PLA
P4 2)
CRI PLA P4<- data.frame(numero paciente CRI PLA P4=c(numero paciente C
RI_PLA_P4, numero_paciente_CRI_PLA_P4_2),
                        Momento_terminacion_CRI_PLA_P4=c(Momento_termi
nacion_CRI_PLA_P4, Momento terminacion_CRI_PLA_P4_2),
```

```
nodo CRI_PLA_P4=c(nodo_CRI_PLA_P4,nodo_CRI_PLA
P4 2))
CRI_PLA_P4<- CRI_PLA_P4[with(CRI_PLA_P4, order(CRI_PLA_P4$numero_pacie
nte CRI PLA P4)), ]
#DE QUIROFANO A PLANTA
contador QUI PLA P4<- 0
nodo QUI PLA P4<- 0
numero_paciente_QUI_PLA_P4<- 0
Momento terminacion OUI PLA P4<- 0
for (r in 1:length(Momento Llegada PLA$P PLA)) {
  if(Momento_Llegada_PLA$Nodo_anterior_PLA[r]=="QUI_P3"){
    if(Momento_Llegada_PLA$SPLIT[r]=="CONSULTA"){
      contador_QUI_PLA_P4<- contador_QUI_PLA_P4 + 1</pre>
      nodo_QUI_PLA_P4[contador_QUI_PLA_P4]<- "PLANTA"</pre>
      numero paciente QUI PLA P4[contador QUI PLA P4]<- Momento Llegad
a PLA$P PLA[r]
      Momento_terminacion_QUI_PLA_P4[contador_QUI_PLA_P4]<- Pacientes_
PLA2$Momento Terminación PLA2[which(Pacientes PLA2$P PLA2==numero paci
ente QUI PLA P4[contador QUI PLA P4])]
  }
Porcentaje QUI PLA Paso4<- (contador QUI PLA P4/length(which(Momento L
legada_QUI$Obs_QUI_SPLIT=="CONSULTA")))*100
nodo OUI PLA P4[nodo OUI PLA P4==0]<- NA
nodo QUI PLA P4<- na.omit(nodo QUI PLA P4)</pre>
Porcentaje QUI PLA Paso4[Porcentaje QUI PLA Paso4==0]<- NA
Porcentaje QUI PLA Paso4<- na.omit(Porcentaje QUI PLA Paso4)</pre>
numero_paciente_QUI_PLA_P4[numero_paciente_QUI_PLA_P4==0]<- NA</pre>
numero_paciente_QUI_PLA_P4<- na.omit(numero_paciente_QUI_PLA_P4)</pre>
Momento terminacion QUI PLA P4[Momento terminacion QUI PLA P4==0]<- NA
Momento terminacion QUI PLA P4<- na.omit(Momento terminacion QUI PLA P
4)
QUI PLA P4<- data.frame(numero paciente QUI PLA P4=numero paciente QUI
PLA P4,
                        Momento terminacion QUI PLA P4=Momento termina
cion QUI PLA P4,
                        nodo QUI PLA P4=nodo QUI PLA P4)
QUI PLA P4<- QUI PLA P4[with(QUI PLA P4, order(QUI PLA P4$numero pacie
nte QUI PLA P4)), ]
#DE QUIROFANO A CRÍTICOS
contador QUI CRI P4<- 0
nodo QUI CRI P4<- 0
numero_paciente_QUI_CRI_P4<- 0
Momento terminacion QUI CRI P4<- 0
for (n in 1:length(Momento Llegada CRI1$P CRI)) {
  if(Momento Llegada CRI1$Nodo anterior CRI[n]=="QUI P3"){
    if(Momento_Llegada_CRI1$SPLIT_CRI1[n]=="CONSULTA"){
      contador_QUI_CRI_P4<- contador_QUI_CRI_P4 + 1</pre>
      nodo_QUI_CRI_P4[contador_QUI_CRI_P4]<- "CRÍTICOS"</pre>
```

```
numero paciente QUI CRI P4[contador QUI CRI P4]<- Momento Llegad
a_CRI1$P_CRI[n]
      Momento terminacion QUI CRI P4[contador QUI CRI P4]<- Pacientes
CRI2$Momento Terminación CRI2[which(Pacientes CRI2$P CRI2==numero paci
ente QUI CRI P4[contador QUI CRI P4])]
  }
}
Porcentaje QUI_CRI_Paso4<- (contador_QUI_CRI_P4/length(which(Momento_L
legada OUI$Obs OUI SPLIT=="CONSULTA")))*100
nodo QUI CRI P4[nodo QUI CRI P4==0]<- NA
nodo QUI CRI P4<- na.omit(nodo QUI CRI P4)</pre>
Porcentaje_QUI_CRI_Paso4[Porcentaje_QUI_CRI_Paso4==0]<- NA
Porcentaje QUI CRI Paso4<- na.omit(Porcentaje QUI CRI Paso4)</pre>
numero paciente QUI CRI P4[numero paciente QUI CRI P4==0]<- NA
numero paciente QUI CRI P4<- na.omit(numero paciente QUI CRI P4)
Momento terminacion QUI CRI P4[Momento terminacion QUI CRI P4==0]<- NA
Momento terminacion QUI CRI P4<- na.omit(Momento terminacion QUI CRI P
4)
QUI CRI P4<- data.frame(numero paciente QUI CRI P4=numero paciente QUI
CRI P4,
                        Momento terminacion QUI CRI P4=Momento termina
cion QUI_CRI_P4,
                        nodo QUI CRI P4=nodo QUI CRI P4)
QUI CRI P4<- QUI CRI P4[with(QUI CRI P4, order(QUI CRI P4$numero pacie
nte QUI CRI P4)), ]
#DE QUIROFANO A UCI
contador QUI UCI P4<- 0
nodo_QUI_UCI P4<- 0
numero paciente QUI UCI P4<- 0
Momento_terminacion_QUI_UCI P4<- 0
for (q in 1:length(Momento_Llegada_UCI1$P_UCI)) {
  if(Momento_Llegada_UCI1$Nodo_anterior_UCI[q]=="QUI_P3"){
    if(Momento Llegada UCI1$SPLIT UCI1[q]=="CONSULTA"){
      contador QUI UCI P4<- contador QUI UCI P4 + 1
      nodo_QUI_UCI_P4[contador_QUI_UCI_P4]<- "UCI"</pre>
      numero paciente QUI UCI P4[contador QUI UCI P4]<- Momento Llegad
a_UCI1$P_UCI[q]
      Momento terminacion QUI UCI P4[contador QUI UCI P4]<- Pacientes
UCI2$Momento Terminación UCI2[which(Pacientes UCI2$P UCI2==numero paci
ente QUI UCI P4[contador QUI UCI P4])]
  }
Porcentaje_QUI_UCI_Paso4<- (contador_QUI_UCI_P4/length(which(Momento_L
legada QUI$0bs QUI SPLIT=="CONSULTA")))*100
nodo QUI UCI P4[nodo QUI UCI P4==0]<- NA
nodo QUI_UCI_P4<- na.omit(nodo QUI_UCI_P4)</pre>
Porcentaje_QUI_UCI_Paso4[Porcentaje_QUI_UCI_Paso4==0]<- NA
Porcentaje_QUI_UCI_Paso4<- na.omit(Porcentaje_QUI_UCI Paso4)</pre>
```

```
numero paciente QUI UCI P4[numero paciente QUI UCI P4==0]<- NA
numero_paciente_QUI_UCI_P4<- na.omit(numero_paciente_QUI_UCI_P4)</pre>
Momento terminacion QUI UCI P4[Momento terminacion QUI UCI P4==0]<- NA
Momento terminacion OUI UCI P4<- na.omit(Momento terminacion OUI UCI P
4)
QUI UCI P4<- data.frame(numero paciente QUI UCI P4=numero paciente QUI
UCI_P4,
                        Momento terminacion QUI UCI P4=Momento termina
cion QUI UCI P4,
                        nodo QUI UCI P4=nodo QUI UCI P4)
QUI UCI P4<- QUI UCI P4[with(QUI UCI P4, order(QUI UCI P4$numero pacie
nte QUI UCI P4)), ]
Origen Paso4<- c("UCI", "CRÍTICOS", "QUIROFANO", "QUIROFANO", "QUIROFANO")</pre>
Destino Paso4<- c("PLANTA","PLANTA","PLANTA","CRÍTICOS","UCI")</pre>
Porcentaje Paso4<- c(Porcentaje UCI PLA Paso4, Porcentaje CRI PLA Paso4
                     Porcentaje QUI PLA Paso4, Porcentaje QUI CRI Paso4
                     Porcentaje QUI UCI Paso4)
Numero Paciente Cuarto Paso<- c(UCI PLA P4$numero paciente UCI PLA P4,
                                CRI PLA P4$numero_paciente_CRI_PLA_P4,
                                QUI_PLA_P4$numero_paciente QUI_PLA_P4,
                                QUI CRI P4$numero paciente QUI CRI P4,
                                QUI UCI P4$numero paciente QUI UCI P4)
Donde_Llega_Cuarto_Paso<- c(UCI_PLA_P4$nodo_UCI_PLA_P4,
                            CRI_PLA_P4$nodo_CRI_PLA_P4,
                            QUI_PLA_P4$nodo_QUI_PLA_P4,
                            QUI CRI P4$nodo QUI CRI P4,
                            QUI UCI P4$nodo QUI UCI P4)
Cuando Termina Cuarto Paso<- c(UCI PLA P4$Momento terminacion UCI PLA
                               CRI PLA P4$Momento terminacion CRI PLA
P4,
                               QUI PLA P4$Momento terminacion QUI PLA
P4,
                               QUI CRI P4$Momento terminacion QUI CRI
P4,
                               QUI UCI P4$Momento terminacion QUI UCI
P4)
Cuarto Paso<- data.frame(Numero Paciente Cuarto Paso=Numero Paciente C
uarto Paso, Donde Llega Cuarto Paso=Donde Llega Cuarto Paso, Cuando Term
ina_Cuarto_Paso=Cuando Termina Cuarto_Paso)
Cuarto Paso<- Cuarto Paso[with(Cuarto Paso, order(Cuarto Paso$Numero P
aciente Cuarto Paso)), ]
ki<- nrow(Cuarto_Paso)+1
```

```
Cuarto_Paso[ki:nrow(datos),1]<- 0</pre>
contar 1<- 0; contar 2<- 0; contar1 1<-0; contar1 2<- 0; personis 1<-
personis 2<- 0; personis 3<-0; personis 4<-0; diferencia 1<-0; diferen
cia 2<- 0
print<- 0; rango inicio<- 0; rango fin<- 0; Donde1<-0; Donde2<- 0; Don</pre>
de3<-0
Donde4<-0; Cuando1<-0; Cuando2<-0; Cuando3<- 0; Cuando4<-0; longitud5<
longitud6<-0; longitud7<-0; longitud8<- 0; longitud9<- 0</pre>
for (i in 2:sum(nclientes)) {
  if(Cuarto Paso$Numero Paciente Cuarto Paso[i]-Cuarto Paso$Numero Pac
iente_Cuarto_Paso[i-1]!=1){
    contar 1<-contar 1 +1</pre>
    diferencia 1[contar 1]<- Cuarto Paso$Numero Paciente Cuarto Paso[i
- Cuarto Paso$Numero Paciente Cuarto Paso[i-1] - 1
    if(diferencia_1[contar_1]==1){
      contar1_1<- contar1_1+1</pre>
      personis 1[contar1 1]<- Cuarto Paso$Numero Paciente Cuarto Paso[
i-1]+1
      Donde1[contar1 1]<- NA
      Cuando1[contar1 1]<- NA
    personis_1[personis_1==0]<- NA</pre>
    personis 1<- na.omit(personis 1)</pre>
  }
for (i in 2:sum(nclientes)) {
  if(Cuarto_Paso$Numero_Paciente_Cuarto_Paso[i]!=0){
    if(Cuarto Paso$Numero Paciente Cuarto Paso[i]-Cuarto Paso$Numero P
aciente Cuarto Paso[i-1]!=1){
      contar 2<-contar 2 +1</pre>
      diferencia 2[contar 2]<- Cuarto Paso$Numero Paciente Cuarto Paso
[i] - Cuarto_Paso$Numero_Paciente_Cuarto_Paso[i-1] - 1
      if(diferencia_2[contar_2]!=1){
        contar1 2<- contar1 2+1
        añadir4<- contar1 2 + longitud5
        longitud5<- añadir4 + diferencia 2[contar 2] -1</pre>
        rango_inicio<- Cuarto_Paso$Numero_Paciente_Cuarto_Paso[i-1] +</pre>
1
        rango fin<- Cuarto Paso$Numero Paciente Cuarto Paso[i] - 1</pre>
        personis 2[añadir4:longitud5]<- rango inicio:rango fin
        personis 2[personis 2==0]<- NA
        Donde2[añadir4:longitud5]<- 1</pre>
        Cuando2[añadir4:longitud5]<- 1
        Donde2[Donde2==0]<- NA
        Cuando2[Cuando2==0]<- NA
      }
    if(Cuarto Paso$Numero Paciente Cuarto Paso[i]-Cuarto Paso$Numero P
aciente_Cuarto_Paso[i-1]==0){
      print<- Cuarto_Paso$Numero_Paciente_Cuarto_Paso[i]</pre>
```

```
personis_2<- na.omit(personis_2)</pre>
Donde2<- na.omit(Donde2)</pre>
Cuando2<- na.omit(Cuando2)</pre>
Donde2[Donde2==1]<- NA
Cuando2[Cuando2==1]<- NA
Cuarto_Paso<- data.frame(Numero_Paciente_Cuarto_Paso=Numero_Paciente_C
uarto Paso, Donde Llega Cuarto Paso=Donde Llega Cuarto Paso, Cuando Term
ina_Cuarto Paso=Cuando Termina_Cuarto Paso)
Cuarto Paso<- Cuarto Paso[with(Cuarto Paso, order(Cuarto Paso$Numero P
aciente_Cuarto_Paso)), ]
if(min(Cuarto Paso$Numero Paciente Cuarto Paso)>1){
  longitud6<- min(Cuarto Paso$Numero Paciente Cuarto Paso)-1</pre>
  personis_3[1:longitud6]<- 1:longitud6</pre>
  Donde3[1:longitud6]<- NA
  Cuando3[1:longitud6]<- NA
if(max(Cuarto Paso$Numero Paciente Cuarto Paso)<sum(nclientes)){</pre>
  longitud7<- max(Cuarto_Paso$Numero_Paciente_Cuarto_Paso)+1</pre>
  longitud9<- max(Cuarto_Paso$Numero_Paciente_Cuarto_Paso)</pre>
  longitud8<- sum(nclientes) - longitud9</pre>
  personis 4[1:longitud8]<- longitud7:sum(nclientes)</pre>
  Donde4[1:longitud8]<- NA
  Cuando4[1:longitud8]<- NA
if(length(Donde4)==1 & personis_4==0){
   Donde4<- NA
   Donde4<- na.omit(Donde4)</pre>
if(length(Cuando4)==1 & personis_4==0){
   Cuando4<- NA
   Cuando4<- na.omit(Cuando4)</pre>
if(Escenario==3){
if(length(Donde1)==1 & personis 1==0){
   Donde1<- NA
   Donde1<- na.omit(Donde1)</pre>
if(length(Cuando1)==1 & personis 1==0){
   Cuando1<- NA
   Cuando1<- na.omit(Cuando1)</pre>
if(Escenario==1){
if(length(Donde1)==1){
   Donde1<- NA
   Donde1<- na.omit(Donde1)</pre>
if(length(Cuando1)==1){
   Cuando1<- NA
```

```
Cuando1<- na.omit(Cuando1)</pre>
}
}
if(Escenario==2){
if(length(Donde1)==1){
   Donde1<- NA
   Donde1<- na.omit(Donde1)</pre>
if(length(Cuando1)==1){
   Cuando1<- NA
   Cuando1<- na.omit(Cuando1)</pre>
if(length(Donde3)==1 & personis 3==0){
   Donde3<- NA
   Donde3<- na.omit(Donde3)</pre>
if(length(Cuando3)==1 & personis 3==0){
   Cuando3<- NA
   Cuando3<- na.omit(Cuando3)</pre>
if(length(personis_3)==1 & personis_3==0){
  personis 3<- NA
  personis 3<- na.omit(personis 3)</pre>
if(length(personis 4)==1 & personis 4==0){
  personis 4<- NA
  personis_4<- na.omit(personis_4)</pre>
unir_personis<- c(personis_1,personis_2,personis_3,personis_4)</pre>
unir Donde<- c(Donde1, Donde2, Donde3, Donde4)
unir_Cuando<- c(Cuando1, Cuando2, Cuando3, Cuando4)</pre>
Cuarto Paso<- data.frame(Numero Paciente Cuarto Paso=c(Numero Paciente
Cuarto Paso, unir personis), Donde Llega Cuarto Paso=c(Donde Llega Cuar
to Paso, unir Donde), Cuando Termina Cuarto Paso=c(Cuando Termina Cuarto
_Paso,unir_Cuando))
Cuarto Paso<- Cuarto Paso[with(Cuarto Paso, order(Cuarto Paso$Numero P
aciente Cuarto Paso)), ]
datos<- data.frame(Personas=Pacientes,Momento_Llegada_al_Sistema=Momen</pre>
to Llegada al Sistema, Cuando Termina el Triaje=Cuando Termina el Triaj
e,Donde Llega Despues Triaje=Donde Llega Despues Triaje,Cuando Llega=C
uando Llega, Cuando Termina=Cuando Termina, Donde Llega Segundo Paso=Seg
undo Paso$Donde Llega Segundo Paso,Cuando Termina Segundo Paso=Segundo
_Paso$Cuando_Termina_Segundo_Paso,Donde_Llega_Tercer_Paso=Tercer_Paso$
Donde Llega Tercer Paso, Cuando Termina Tercer Paso=Tercer Paso$Cuando
Termina Tercer Paso, Donde Llega Cuarto Paso=Cuarto Paso $Donde Llega Cu
arto Paso,Cuando Termina Cuarto Paso=Cuarto Paso$Cuando Termina Cuarto
Paso)
if(is.logical(Porcentaje UCI PLA Paso4)==FALSE){
Porcentaje Paso4[1]<- 0
```

```
if(is.logical(Porcentaje_CRI_PLA_Paso4)==FALSE){
  Porcentaje_Paso4[2]<- 0
if(is.logical(Porcentaje QUI PLA Paso4)==FALSE){
  Porcentaje Paso4[3]<- 0
if(is.logical(Porcentaje_QUI_CRI_Paso4)==FALSE){
  Porcentaje_Paso4[5]<- 0
if(is.logical(Porcentaje QUI UCI Paso4)==FALSE){
  Porcentaje Paso4[5]<- 0
#UCI A PLANTA
contador UCI PLA P5<- 0
nodo_UCI_PLA_P5<- 0
numero paciente UCI PLA P5<- 0
Momento terminacion UCI PLA P5<- 0
for (r in 1:length(Momento Llegada PLA$P PLA)) {
  if(Momento Llegada PLA$Nodo anterior PLA[r]=="UCI"){
    if(Momento_Llegada_PLA$ANTERIOR_P4[r]=="QUI P3"){
     if(Momento_Llegada_PLA$SPLIT[r]=="CONSULTA"){
        contador UCI PLA P5<- contador UCI PLA P5 + 1
       nodo UCI PLA P5[contador UCI PLA P5]<- "PLANTA"
       numero paciente UCI PLA P5[contador UCI PLA P5]<- Momento Lleg
ada_PLA$P_PLA[r]
       Momento terminacion UCI PLA P5[contador UCI PLA P5]<- Paciente
s PLA2$Momento Terminación PLA2[which(Pacientes PLA2$P PLA2==numero pa
ciente UCI PLA P5[contador UCI PLA P5])]
    }
  }
Porcentaje UCI PLA Paso5<- 100
nodo UCI PLA P5[nodo UCI PLA P5==0]<- NA
nodo UCI PLA P5<- na.omit(nodo UCI PLA P5)</pre>
Porcentaje_UCI_PLA_Paso5[Porcentaje_UCI_PLA_Paso5==0]<- NA
Porcentaje UCI PLA Paso5<- na.omit(Porcentaje UCI PLA Paso5)
numero paciente UCI PLA P5[numero paciente UCI PLA P5==0]<- NA
numero paciente UCI PLA P5<- na.omit(numero paciente UCI PLA P5)
Momento terminacion UCI PLA P5[Momento terminacion UCI PLA P5==0]<- NA
Momento terminacion UCI PLA P5<- na.omit(Momento terminacion UCI PLA P
5)
UCI PLA P5<- data.frame(numero paciente UCI PLA P5=c(numero paciente U
CI PLA P5), Momento terminacion UCI PLA P5=c (Momento terminacion UCI PL
A P5), nodo UCI PLA P5=c(nodo UCI PLA P5))
UCI_PLA_P5<- UCI_PLA_P5[with(UCI_PLA_P5, order(UCI_PLA_P5$numero_pacie
nte_UCI_PLA_P5)), ]
```

```
#DE CRÍTICOS A PLANTA
contador_CRI_PLA_P5<- 0
nodo_CRI_PLA_P5<- 0
numero paciente CRI PLA P5<- 0
Momento terminacion CRI PLA P5<- 0
for (r in 1:length(Momento Llegada PLA$P PLA)) {
  if(Momento Llegada PLA$Nodo anterior PLA[r]=="CRI"){
    if(Momento_Llegada_PLA$ANTERIOR_P4[r]=="QUI_P3"){
      if(Momento_Llegada_PLA$SPLIT[r]=="CONSULTA"){
        contador CRI PLA P5<- contador CRI PLA P5 + 1
        nodo CRI PLA P5[contador CRI PLA P5]<- "PLANTA"
        numero paciente CRI PLA P5[contador CRI PLA P5]<- Momento Lleg
ada_PLA$P_PLA[r]
        Momento_terminacion_CRI_PLA_P5[contador_CRI_PLA_P5]<- Paciente</pre>
s PLA2$Momento Terminación PLA2[which(Pacientes PLA2$P PLA2==numero pa
ciente CRI PLA P5[contador CRI PLA P5])]
    }
  }
Porcentaje CRI PLA Paso5<- 100
nodo CRI PLA P5[nodo CRI PLA P5==0]<- NA
nodo_CRI_PLA_P5<- na.omit(nodo_CRI_PLA_P5)</pre>
Porcentaje_CRI_PLA_Paso5[Porcentaje_CRI_PLA_Paso5==0]<- NA
Porcentaje CRI PLA Paso5<- na.omit(Porcentaje CRI PLA Paso5)</pre>
numero paciente CRI PLA P5[numero paciente CRI PLA P5==0]<- NA
numero_paciente_CRI_PLA_P5<- na.omit(numero_paciente_CRI_PLA_P5)</pre>
Momento terminacion CRI PLA P5[Momento terminacion CRI PLA P5==0]<- NA
Momento terminacion CRI PLA P5<- na.omit(Momento terminacion CRI PLA P
5)
CRI PLA P5<- data.frame(numero paciente CRI PLA P5=c(numero paciente C
RI PLA P5), Momento terminacion CRI PLA P5=c (Momento terminacion CRI PL
A P5), nodo CRI PLA P5=c(nodo CRI PLA P5))
CRI_PLA_P5<- CRI_PLA_P5[with(CRI_PLA_P5, order(CRI_PLA_P5$numero pacie</pre>
nte CRI PLA P5)), ]
Origen Paso5<- c("UCI", "CRÍTICOS")
Destino_Paso5<- c("PLANTA", "PLANTA")</pre>
Porcentaje Paso5<- c(Porcentaje UCI PLA Paso5, Porcentaje CRI PLA Paso5
Numero Paciente Quinto Paso<- c(UCI PLA P5$numero paciente UCI PLA P5,
                                 CRI PLA P5$numero paciente CRI PLA P5)
Donde_Llega_Quinto_Paso<- c(UCI_PLA_P5$nodo_UCI_PLA_P5,</pre>
                             CRI_PLA_P5$nodo_CRI_PLA_P5)
Cuando Termina Quinto Paso<- c(UCI PLA P5$Momento terminacion UCI PLA
P5,
                                CRI_PLA_P5$Momento_terminacion_CRI_PLA_
P5)
```

```
Quinto Paso<- data.frame(Numero Paciente Quinto Paso=Numero Paciente Q
uinto Paso, Donde Llega Quinto Paso=Donde Llega Quinto Paso, Cuando Term
ina Quinto Paso=Cuando Termina Quinto Paso)
Quinto_Paso<- Quinto_Paso[with(Quinto_Paso, order(Quinto Paso$Numero P
aciente_Quinto_Paso)), ]
if(is.null(nrow(Quinto Paso$Numero Paciente Quinto Paso))==TRUE){
  Quinto_Paso[1:nrow(datos),1]<-0
}
else{
  ki<- nrow(Quinto Paso)+1
  Quinto_Paso[ki:nrow(datos),1]<- 0
}
}
contar 1<- 0; contar 2<- 0; contar1 1<-0; contar1 2<- 0; personis 1<-
personis 2<- 0; personis 3<-0; personis 4<-0; diferencia 1<-0; diferen
cia 2<- 0
print<- 0; rango inicio<- 0; rango fin<- 0; Donde1<-0; Donde2<- 0; Don
de3<-0
Donde4<-0; Cuando1<-0; Cuando2<-0; Cuando3<- 0; Cuando4<-0; longitud5<
- 0
longitud6<-0; longitud7<-0; longitud8<- 0; longitud9<- 0</pre>
for (i in 2:sum(nclientes)) {
  if(Quinto Paso$Numero Paciente Quinto Paso[i]-Quinto Paso$Numero Pac
iente Quinto Paso[i-1]!=1){
    contar 1<-contar 1 +1</pre>
    diferencia 1[contar 1]<- Quinto Paso$Numero Paciente Quinto Paso[i
- Quinto Paso$Numero Paciente Quinto Paso[i-1] - 1
    if(diferencia_1[contar_1]==1){
      contar1 1<- contar1 1+1
      personis 1[contar1 1]<- Quinto Paso$Numero Paciente Quinto Paso[
i-1]+1
      Donde1[contar1_1]<- NA
      Cuando1[contar1_1]<- NA
    personis 1[personis 1==0]<- NA
    personis 1<- na.omit(personis 1)</pre>
if(length(Donde1)==1){
  Donde1<- NA
  Donde1<- na.omit(Donde1)</pre>
if(length(Cuando1)==1){
  Cuando1<- NA
  Cuando1<- na.omit(Cuando1)</pre>
for (i in 2:sum(nclientes)) {
  if(Quinto Paso$Numero Paciente Quinto Paso[i]!=0){
    if(Quinto Paso$Numero Paciente Quinto Paso[i]-Quinto Paso$Numero P
aciente_Quinto_Paso[i-1]!=1){
  contar_2<-contar_2 +1
```

```
diferencia 2[contar 2]<- Quinto Paso$Numero Paciente Quinto Paso
[i] - Quinto Paso$Numero Paciente Quinto Paso[i-1] - 1
      if(diferencia_2[contar_2]!=1){
        contar1 2<- contar1 2+1
        añadir4<- contar1 2 + longitud5
        longitud5<- añadir4 + diferencia 2[contar 2] -1</pre>
        rango_inicio<- Quinto_Paso$Numero_Paciente_Quinto_Paso[i-1] +</pre>
1
        rango_fin<- Quinto_Paso$Numero_Paciente_Quinto_Paso[i] - 1</pre>
        personis 2[añadir4:longitud5]<- rango inicio:rango fin
        personis 2[personis 2==0]<- NA
        Donde2[añadir4:longitud5]<- 1</pre>
        Cuando2[añadir4:longitud5]<- 1
        Donde2[Donde2==0]<- NA
        Cuando2[Cuando2==0]<- NA
      }
    if(Quinto Paso$Numero Paciente Quinto Paso[i]-Quinto Paso$Numero P
aciente_Quinto_Paso[i-1]==0){
      print<- Quinto_Paso$Numero_Paciente_Quinto_Paso[i]</pre>
    }
  }
personis_2<- na.omit(personis_2)</pre>
Donde2<- na.omit(Donde2)</pre>
Cuando2<- na.omit(Cuando2)</pre>
Donde2[Donde2==1]<- NA
Cuando2[Cuando2==1]<- NA
Quinto Paso<- data.frame(Numero Paciente Quinto Paso=Numero Paciente Q
uinto_Paso,Donde_Llega_Quinto_Paso=Donde_Llega_Quinto_Paso,Cuando_Term
ina Quinto Paso=Cuando Termina Quinto Paso)
Quinto Paso<- Quinto Paso[with(Quinto Paso, order(Quinto Paso$Numero P
aciente_Quinto_Paso)), ]
Quinto_Paso1<- matrix(ncol = 3,nrow = nrow(datos))
if(is.null(nrow(Quinto Paso$Numero Paciente Quinto Paso))==TRUE){
  Quinto Paso1[1:nrow(datos),1]<-1:nrow(datos)
  Quinto Paso1[1:nrow(datos),2]<- NA
  Quinto_Paso1[1:nrow(datos),3]<- NA
  datos<- data.frame(Personas=Pacientes, Momento_Llegada_al_Sistema=Mom</pre>
ento Llegada al Sistema, Cuando Termina el Triaje=Cuando Termina el Tri
aje,Donde Llega Despues Triaje=Donde Llega Despues Triaje,Cuando Llega
=Cuando Llega, Cuando Termina=Cuando Termina, Donde Llega Segundo Paso=S
egundo Paso$Donde Llega Segundo Paso,Cuando Termina Segundo Paso=Segun
do Paso$Cuando Termina Segundo Paso,Donde Llega Tercer Paso=Tercer Pas
o$Donde Llega Tercer Paso,Cuando Termina Tercer Paso=Tercer Paso$Cuand
o_Termina_Tercer_Paso,Donde_Llega_Cuarto_Paso=Cuarto_Paso$Donde_Llega_
Cuarto Paso, Cuando Termina Cuarto Paso=Cuarto Paso$Cuando Termina Cuar
to Paso, Donde Llega Quinto Paso=Quinto Paso1[,2], Cuando Termina Quinto
Paso=Quinto Paso1[,3])
else{
if(length(Quinto_Paso$Numero_Paciente_Quinto_Paso)!=0){
```

```
if(min(Quinto Paso$Numero Paciente Quinto Paso)>1){
  longitud6<- min(Quinto_Paso$Numero_Paciente_Quinto_Paso)-1</pre>
  personis_3[1:longitud6]<- 1:longitud6</pre>
  Donde3[1:longitud6]<- NA
  Cuando3[1:longitud6]<- NA
else{
  personis_3<- NA
  Donde3<- NA
  Cuando3<- NA
if(length(Quinto_Paso$Numero_Paciente_Quinto_Paso)!=0){
if(max(Quinto_Paso$Numero_Paciente_Quinto_Paso) < sum(nclientes)){</pre>
  longitud7<- max(Quinto_Paso$Numero_Paciente_Quinto_Paso)+1</pre>
  longitud9<- max(Quinto Paso$Numero Paciente Quinto Paso)</pre>
  longitud8<- sum(nclientes) - longitud9</pre>
  personis_4[1:longitud8]<- longitud7:sum(nclientes)</pre>
  Donde4[1:longitud8]<- NA
  Cuando4[1:longitud8]<- NA
else{
  personis_4<- NA
  Donde4<- NA
  Cuando4<- NA
if(length(Donde4)==1){
  Donde4<- NA
  Donde4<- na.omit(Donde4)</pre>
if(length(Cuando4)==1){
  Cuando4<- NA
  Cuando4<- na.omit(Cuando4)</pre>
if(length(Donde2)==1){
  Donde2<- NA
  Donde2<- na.omit(Donde2)</pre>
if(length(Cuando2)==1){
  Cuando2<- NA
  Cuando2<- na.omit(Cuando2)</pre>
if(length(personis 2)==1){
  personis 2<- NA
  personis_2<- na.omit(personis_2)</pre>
if(length(Donde3)==1){
  Donde3<- NA
  Donde3<- na.omit(Donde3)</pre>
if(length(Cuando3)==1){
  Cuando3<- NA
  Cuando3<- na.omit(Cuando3)</pre>
```

```
if(length(personis_3)==1){
  personis_3<- NA
  personis 3<- na.omit(personis 3)</pre>
if(length(personis 4)==1){
  personis_4<- NA
  personis 4<- na.omit(personis 4)</pre>
unir personis<- c(personis 1,personis 2,personis 3,personis 4)
unir Donde<- c(Donde1,Donde2,Donde3,Donde4)</pre>
unir_Cuando<- c(Cuando1, Cuando2, Cuando3, Cuando4)</pre>
Quinto_Paso<- data.frame(Numero_Paciente_Quinto_Paso=c(Numero_Paciente
Quinto Paso, unir personis), Donde Llega Quinto Paso=c(Donde Llega Quin
to Paso, unir Donde), Cuando Termina Quinto Paso=c(Cuando Termina Quinto
_Paso,unir_Cuando))
Quinto Paso<- Quinto Paso[with(Quinto Paso, order(Quinto Paso$Numero P
aciente Quinto Paso)), ]
datos<- data.frame(Personas=Pacientes,Momento Llegada al Sistema=Momen</pre>
to Llegada al Sistema, Cuando Termina el Triaje=Cuando Termina el Triaj
e,Donde Llega Despues Triaje=Donde Llega Despues Triaje,Cuando Llega=C
uando Llega, Cuando Termina=Cuando Termina, Donde Llega Segundo Paso=Seg
undo Paso$Donde Llega Segundo Paso,Cuando Termina Segundo Paso=Segundo
Paso$Cuando Termina Segundo Paso,Donde Llega Tercer Paso=Tercer Paso$
Donde_Llega_Tercer_Paso,Cuando_Termina_Tercer_Paso=Tercer_Paso$Cuando_
Termina Tercer Paso, Donde Llega Cuarto Paso=Cuarto Paso $Donde Llega Cu
arto Paso,Cuando Termina Cuarto Paso=Cuarto Paso$Cuando Termina Cuarto
_Paso,Donde_Llega_Quinto_Paso=Quinto_Paso$Donde_Llega_Quinto_Paso,Cuan
do_Termina_Quinto_Paso=Quinto_Paso$Cuando Termina Quinto Paso)
if(is.logical(Porcentaje_UCI_PLA_Paso5)==FALSE){
  Porcentaje_Paso5[1]<- 0
if(is.logical(Porcentaje_CRI_PLA_Paso5)==FALSE){
 Porcentaje Paso5[2]<- 0
}
Tipo_Escenario %>%
  kbl(caption = "<center><strong>Gravedad de Saturación en el sistema
</strong></center>") %>%
  kable_classic(full_width = F, html_font = "Cambria") %>%
  kable_styling(bootstrap_options = c("striped", "hover", "condensed",
"responsive"))
###### Medidas de eficacia del sistema de urgencias hospitalarias ####
Parametros %>%
  kbl(caption = "<center><strong>Medidas de eficacia del sistema de u
rgencias hospitalarias </strong></center>") %>%
```

```
kable classic(full width = F, html font = "Cambria") %>%
  kable_styling(bootstrap_options = c("striped", "hover", "condensed",
"responsive")) %>%
 footnote(general title = "Nota 1: Tiempo en minutos", general="") #%
>%
 #row spec(row=1:11, background = "#FFFFF0")
######### Información general del sistema por cada pacientes #####
datatable(datos,
          caption = 'Información de cada uno de los pacientes en el Si
stema de urgencias hospitalarias')
################ REALIZACIÓN DE LOS DIFERENTES GRÁFICOS #########
#Elegimos los datos que queremos plotear
Inicio Grafico1<- Pacientes PLA2 %>% count(Pacientes PLA2$Llegada Hora
Paciente)
Fin Grafico1<- Pacientes PLA2 %>% count(Pacientes PLA2 $Salida Hora Pac
iente)
Medio1 Grafico1<- (Pacientes PLA2$Llegada Hora Paciente)
Medio2 Grafico1<- as.factor(Pacientes PLA2$Disponible PLA2)</pre>
Medio3 Grafico1<- Pacientes PLA2$Disponible PLA2
Medio4 Grafico1<- data.frame(Medio1 Grafico1=Medio1 Grafico1, Medio1 Gr
afico1=Medio1 Grafico1,Medio3 Grafico1=Medio3 Grafico1)
Servidores Grafico1<- Medio4 Grafico1 %>% group by(Medio1 Grafico1) %
>% summarise(Media = mean(Medio3_Grafico1))
N servidores<-0
for (j in 1:nrow(Inicio_Grafico1)) {
  if(j==1){
  N servidores[j]<- S Disponible PLA2-Inicio Grafico1$n[j]
 else{
   N_servidores[j]<- N_servidores[j-1]-Inicio_Grafico1$n[j]</pre>
  }
Inicio Grafico1$servidores<- N servidores</pre>
matriz<- matrix(0,ncol = 4, nrow = max(Inicio Graficol$`Pacientes PLA2</pre>
$Llegada Hora Paciente`))
matriz[,1]<- 1:max(Inicio_Grafico1$`Pacientes_PLA2$Llegada_Hora_Pacien</pre>
matriz[,3]<- rep(40,max(Inicio Grafico1$`Pacientes PLA2$Llegada Hora P</pre>
aciente`))
for (j in 1:nrow(Inicio Grafico1)) {
 matriz[which(matriz[,1]==Inicio_Grafico1[j,1]),2]<- Inicio_Grafico1[</pre>
j,2]
matriz[which(matriz[,1]==Inicio Grafico1[j,1]):max(Inicio Grafico1$`Pa
cientes PLA2$Llegada Hora Paciente`),3]<- Inicio Grafico1[j,3]</pre>
 matriz[which(matriz[,1]==Fin Grafico1[j,1]),4]<- Fin Grafico1[j,2]</pre>
formar<- 0
disp<- 0
gente<-0
```

```
minimo<- min(Pacientes_PLA2$Llegada_Hora_Paciente)-1</pre>
if(min(Pacientes_PLA2$Llegada_Hora_Paciente)>=1){
    formar[1:minimo]<- 1:minimo</pre>
    disp[1:minimo]<- S Disponible PLA2</pre>
    gente[1:minimo]<- 1</pre>
Inicio Grafico1_1<- data.frame(n=c(disp,Servidores_Grafico1$Media))</pre>
Inicio_Grafico11_1<- data.frame(n=c(gente,Inicio_Grafico1$n))</pre>
Inicio Grafico11 2<- data.frame(n=c(gente,Fin Grafico1$n))</pre>
#Creamos un data frame
Grafico1<-data.frame(Pacientes entran=Inicio Grafico11 1$n[1:24],
                     Pacientes salen=Inicio Grafico11 2$n[1:24],
                     Media_Servidores_Disponibles=Inicio_Grafico1_1$n[
1:24])
ggplot()+
  geom line(aes(x=1:24, y=matriz[1:24,2], color="Pacientes que entran
a Planta"))+
  geom_line(aes(x=1:24, y=matriz[1:24,4], color="Pacientes que salen d
e Planta"))+
  geom line(aes(x=1:24, y=matriz[1:24,3], color="Media de los servidor
es Disponibles"))+
  geom_point(aes(x=1:24, y=matriz[1:24,2]),color="black", size=.5)+
  geom_point(aes(x=1:24, y=matriz[1:24,3]),color="black", size=.5)+
  geom_point(aes(x=1:24, y=matriz[1:24,4]),color="black", size=.5)+
  ylab("Número de Pacientes que interactuan con Planta")+
  xlab("Horas del día")+
  guides(color = guide legend(title = "Levenda"))+
  scale x continuous(breaks = c(1:24))+
  theme(
    legend.position = c(0.4, 0.6),
    legend.justification = c(1, 1),
    legend.background = element rect(fill = "white", colour = "black")
    plot.title = element text(face = "bold", colour = "brown", size = r
el(2.2),
                               hjust = 0.5),
    panel.background = element rect(fill = "white")) + #FFFFF0 #white
v ##F0FFFF
  ggtitle("Saturación de la Planta durante 24 horas")
######### TIEMPOS DE LOS PRIMEROS 10 PACIENTES EN UCI EN HORAS #####
Número_de_Pacientes<- 10
#Realizamos el gráfico
Grafico2<- plot_ly()</pre>
for(i in 1:Número de Pacientes){
  Grafico2 <- add trace(Grafico2,</pre>
                 x = c((Pacientes_UCI2$Llegada_UCI2/60)[i], (Pacientes
UCI2$Llegada UCI2/60)[i] + (Pacientes UCI2$Tiempo Espera UCI2/60)[i]
+(Pacientes UCI2$Tiempo servicio UCI2/60)[i]),
                 y = c(i, i),
                 mode = "lines",
                 line = list(color = heat.colors(nrow(Pacientes_UCI2))
, width = 20),
```

```
showlegend = F,
                 hoverinfo = "text",
                 text = paste("Paciente: ", Pacientes_UCI2$P_UCI2[i],
"<br>",
                               "Tiempo de Espera: ", (Pacientes UCI2$Ti
empo_Espera_UCI2/60)[i], " horas <br>",
                               "Tiempo de servicio: ", (Pacientes_UCI2$
Tiempo_servicio_UCI2/60)[i]," horas <br>",
                               "Momento de Terminación: ", (Pacientes U
CI2$Momento Terminación UCI2/60)[i], horas <br>"),
                 evaluate = T
Grafico2<- layout(Grafico2,</pre>
              xaxis = list(showgrid = F, tickfont = list(color = "#bla
ck")),
              yaxis = list(showgrid = T, tickfont = list(color = "#bla
ck"),
                            tickmode = "array", tickvals = 1:Número_de_
Pacientes, ticktext = unique(Pacientes UCI2$P UCI2),
                            domain = c(0, 0.9))
anotaciones<- list(xref = "paper",</pre>
          yref = "paper",
          x = 0.1,
          \vee = 1,
          xanchor = "left",
          text = paste0("Tiempos de los primeros 10 pacientes en UCI e
n horas"),
          font = list(color = '#264E86', size = 20, family = "Times Ne
w Roman"),
          ax = 0,
          ay = 0,
          align = "left",
          showarrow = FALSE)
Grafico2<- Grafico2 %>% layout(annotations = anotaciones)
Grafico2
######## Donde se dirigen las personas que llegan a la Consulta ####
Lugares<- c("UCI", "Críticos", "Quirofano", "Alta", "Observación")</pre>
Numero_de_Pacientes<- c(length(Momento_Llegada_UCI1$Nodo_anterior_UCI=
="Con"),
            length(Momento Llegada CRI1$Nodo anterior CRI=="Con"),
            length(Momento Llegada QUI$Nodo anterior QUI=="Con"),
            length(Momento Llegada ALT$Nodo anterior ALT=="Con"),
            length(Momento_Llegada_ALT$Nodo_anterior_ALT=="Con"))
color <- c("#A52A2A", "#458B74", "#FFE4C4", "#F0E68C", "#CD8162")</pre>
Grafico3<- data.frame(Lugares, Numero de Pacientes, color)</pre>
ggplot(Grafico3, aes(x = 1:5, y = 1:5, label = Lugares)) +
  geom_point(aes(size = Numero_de Pacientes, colour = Lugares)) +
  geom_text(hjust = 1, size = 2) +
theme minimal()+
```

```
ylab("Lugares")+
 xlab("Lugares")+
 ggtitle("Donde se dirigen las personas que llegan a la Consulta")
datos grafo<- data.frame(Origen=c(Origen Paso1,Origen Paso2,Origen Pas
o3,Origen Paso4,Origen Paso5),Destino=c(Destino Paso1,Destino Paso2,De
stino Paso3, Destino Paso4, Destino Paso5), Porcentaje = round(c(Porcentaje
_Paso1,Porcentaje_Paso2,Porcentaje_Paso3,Porcentaje_Paso4,Porcentaje_P
aso5)))
gd=graph.data.frame(d = datos grafo, directed = T)
E(gd)$Porcentaje <-datos grafo$Porcentaje</pre>
new_gd=delete.vertices(graph = gd,v = V(graph = gd)[degree(graph = gd,
mode = "all") <= 1])
colrs <- c("#FFE1FF","#7FFFD4","#CD8500","#A52A2A","#7FFF00",</pre>
         "#FF7256","#FFB90F","#9932CC","#B3EE3A","#FF1493","#BFEFFF"
new_gd$color<-colrs[as.factor(datos_grafo$Origen)]</pre>
plot.igraph(new_gd,
          vertex.shape="none",
          edge.arrow.size=0.6,
          edge.arrow.width=0.6,
          edge.curved = T,
          vertex.label.cex=1,
          main="Grafo con los porcentajes de translados de los pacie
ntes",
          vertex.label.color="black",
          vertex.color= "white",
          edge.color=new gd$color,
          edge.label = paste(E(new_gd)$Porcentaje, sep = ""),
          edge.label.cex=1
legend(x=-2, y=1.2,levels(as.factor(datos_grafo$Origen)), pch=21,
      col="#777777", pt.bg=colrs, pt.cex=2, cex=.8, bty="n", ncol=1)
#Creamos un fichero excel con los datos generales de la simulación, es
decir, los pasos que da cada paciente dentro del sistema de urgencias h
ospitalarias
WriteXLS(datos, "datos_simulación.xlsx")
###
```